

IDENTIFICATION

Species: *Sesamum indicum*

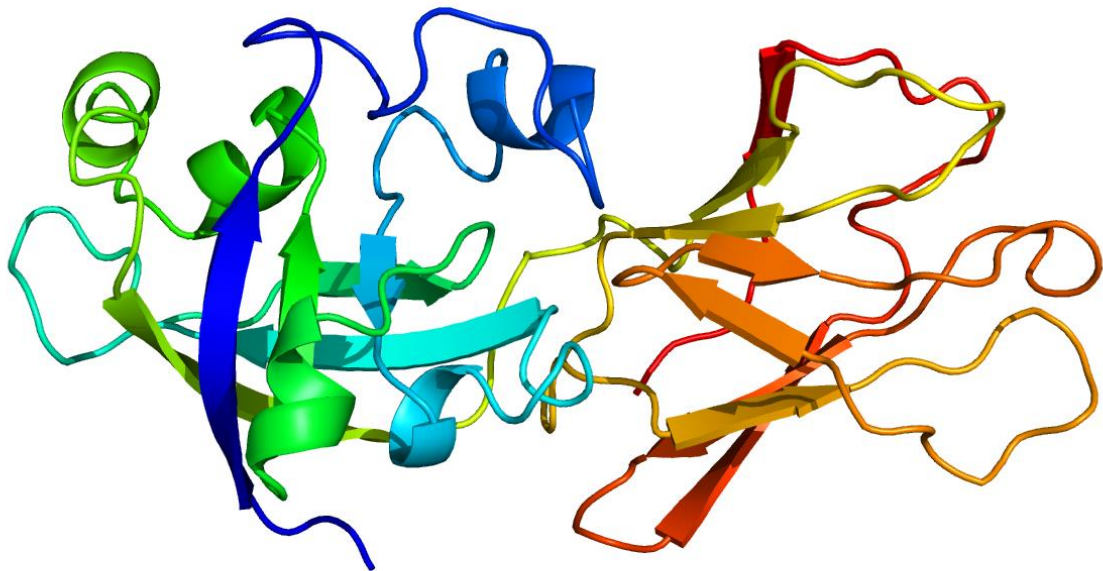
Locus: XP_020549165

Gene Model: XP_020549165.1

Description: SinEXPB-03

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Sesamum+indicum%5Borgn%5D>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T04135>

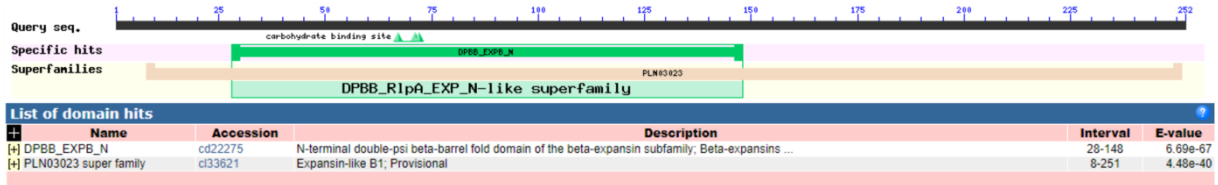
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>SinEXPB-03

MIASLWVLSHYFFYVNSQPLNTSLGFAPAVATWYGDPNGPGSVGGACGFGGEVANP
PYYALVSAGNNLFLKSGWGCSCYQVKCFQNAACSGNPITVTIADECPGNCNSDPIH
FDLSGKAMGYLAKPGQADALRNAGQINIYQVRPCYYKGTSTIFRIDTGSNPYYLAF
VTEYMNGDGEIGSMELLPSNSKTPLYMKQVFGATWKADIPIGIKGPYSVRITSLESKK
TVTAYNSIPADWLPGRYYIANVNF

CDS (coding sequence)

>SinEXPB-03

ATGATTGCGAGTTTGTGGGTCTTAAGCCACTATTTCTTTTACGTAAATTCCCAACC
ACTTAATACTTCTCTTGGTTTTGCACCAGCTGTAGCAACATGGTATGGGGACCCCA
ATGGACCTGGAAGTGTTGGGGGAGCTTGTGGTTTTGGAGGTGAGGTAGCAAATCC
TCCATACTACGCGTTGGTTTTCTGCGGGAAACAACAATCTTTTTAAATCTGGATGG
GGTTGCGGAAGTTGTTATCAGGTCAAATGCTTTCAGAATGCAGCATGTTCCGGGTA
ATCCAATCACTGTAACAATTGCAGATGAGTGTCTGGTAACTGTAACAGCGACCC
AATTCACTTCGACTTAAGTGGAAAAGCTATGGGTTATTTAGCAAAGCCTGGTCAA
GCTGACGCATTGCGCAACGCAGGACAAATCAACATTCAATATCAAAGGGTACCA
TGTTATTACAAGGGGACAAGTATAACATTCAGGATTGATACAGGCTCCAACCCTT
ACTACTTGGCTTTTGTAACTGAATATATGAATGGAGATGGTGAAATTGGGTCTAT
GGAGTTATTACCTTCAAATTCGAAGACTCCATTGTACATGAAACAGGTCTTTGGT
GCAACATGGAAAGCTGATATACCTATTGGAATAAAGGGCCCTTATTCAGTGAGGA
TAACGAGTCTTGAGTCCAAAAAACAGTTACAGCATAACAATTCGATTCCGGCGGA
TTGGCTTCCAGGAAGATACTATATTGCAAATGTAACTTCTAG

Nucleotide

>SinEXPB-03

TTATTTTTTAAGTAAAATTAAGAACTTATAAAAAACCAAATGGGGTTGGTGAAA
ATTTTTTAAAAATTATAAAAAAGTTATCCAGTTAGTCCATAAAAAATAAAAAAA
TAAATAAAATTATAATTTTTTAATTCATAAGAGCATTGTTGGTCAGTTCATAAAAA
AATGGATGAAAACCTAACGGATTGGGCTAATTATTAGACGACCGTTAAAATTGAT

AATTTTTCAAACAACGAGCTAGGGGGTATTCGTAATTATACCAAAGCTCAAGAGA
GCTCGTTGTAATTTACCCAAAATATTATTCAATTGTTTCATGGCAGATTTTACTTTTT
AAAATTAGAATACATAATCTATTATTATTATTAAGGTAAGTATTATACGTTTAAACA
GTATAAAAAGGTGTGGTGATGGAGTGTTAGGTATTGCATTTTTAATAGTTATTTAC
ATACTTGTGCAAATCAGGCATCATGCCTAATTATCAAACCTATCGTTTTTTTCACT
ATGATTGCGAGTTTGTGGGTCTTAAGCCACTATTTCTTTTACGTAAATTCCCAACC
ACTTAATACTTCTCTTGGTTTTGCACCAGCTGTAGCAACATGGTATGGGGACCCCA
ATGGACCTGGAAGTGGTAATTTTAAATACTTTTTTCCAACCTTCATATGTATACATA
TTAAATTATAGAGTAAATCACAATAACTTTTCTGAGTTCATAATTGGAAATACTC
TTTAACTCGTTGTTTAAAAAATTATTAATACATCTCTGATTTTAACTGCCGTATAA
CAATTAGTCAAATCCGTTAGATCTCCATCTATTTTTTTGTAGTAAACTGACTAAAA
TATCATTGTAGAATTTTATTTATTTATTTTTTTATGGACTAAGTGGTAATTTTTT
ATAATTTTTAAATTTCTTTCATCCATTCCGTCGCTTTTTTCTGTAAGTTTTTAAATA
TTTTAAAAAGATAAAAAATTATGGAGTAAGTGGATAATTGTTTTATGATTTTTAA
AATTCCTCCATCCATCGCGTTCGCTTTTTTTAATTCTTTTATTTAAAAAACAAAA
AAATGCAGATTGGCAATTTACATACCTCTATTCAAAAATTACATAATTTTCATCAAA
CATCAGGAGGGATTTGTAATTTTTCAAACAACGAGAAAGTATTCGTAACACTACACA
AAATTTCAAGGAGAGGTCGTTGTAATTCATCCTGAACATATAAAAATCTATATATT
GATTGATGAAGTGAACAAAGTGAATATTGGTATTGTTTCAGTTGGGGGAGCTTGTG
GTTTTGGAGGTGAGGTAGCAAATCCTCCATACTACGCGTTGGTTTCTGCGGGAAA
CAACAATCTTTTTAAATCTGGATGGGGTTGCGGAAGTTGTTATCAGGTTTCTAATT
TTTTCTCCTATTTTTCTCCTACTTTCAATCATATTGTTCTAACGTTATGTGTTTTGTA
GGTCAAATGCTTTCAGAATGCAGCATGTTTCGGGTAATCCAATCACTGTAACAATT
GCAGATGAGTGTCTGGTAACTGTAACAGCGACCCAATTCACTTCGACTTAAGTG
GAAAAGCTATGGGTATTTAGCAAAGCCTGGTCAAGCTGACGCATTGCGCAACGC
AGGACAAATCAACATTCAATATCAAAGGTAATTAATAATTCAATTTGGGTTCCT
AAAATCAAACCCTCTTAACTCTTTTTTGTAGAATAAATAGTAAATGGGGTAAATT
ATATTTTTGGTCCCATGATTGGACCTGTTTTCAATTTTGGTCCACACGTAATGT
GCGAATTAGCCTGAGTGTGGGATCAAAATTGAAAACAGGTCCACTTATGGAATTA
AAAATAGGATTTTACCCTTATTTTAATTGTACTGACTAATGGAGAGAGCAACTGC
TTTTATCAATTAGACGAAAATCCCTTAAACGGTCCCTCAAATTGAAAAAAAAAACCAT
ATATGGGATTCAATGTGCGAATTAACCTGAATGTAGGACCAAATTTGAAAACAAG
TTTACTTATGGGATAAAAAATATAATTTACCCGTAGTAAATGCCTATCCTTTATTG
TAAATAATCAAACATGATCCTTGGTATCATTATGTTTTCAAGTCTTTTCTTTTAT
GGATTTAACATACTTAGTTGTAATATGAAAAATGATTTATTATGTCTGAATTTTGC
AGGGTACCATGTTATTACAAGGGGACAAGTATAACATTCAGGATTGATACAGGCT
CCAACCCTTACTACTTGGCTTTTGTAACTGAATATATGAATGGAGATGGTGAAAT
TGGGTCTATGGAGTTATTACCTTCAAATTCGAAGACTCCATTGTACATGAAACAG
GTCTTTGGTGCAACATGGAAAGCTGATATACCTATTGGAATAAAGGGCCCTTATT
CAGTGAGGATAACGAGTCTTGAGTCCAAAAAACAGTTACAGCATAACAATTCGA
TTCCGGCGGATTGGCTTCCAGGAAGATACTATATTGCAAATGTAACTTCTAGTG
ACTGTTTCATGTCTTAACACATACATTTCTTAAGGTTGAAAATGTTACCTTTTCTTA
TAAGTTATTCAGTAATATTGCGAGCTAAATCTAGTGGTTCGTAATAATTTGTTCTA
TCTATATTACTTTTTGGGTGCTGATTTCTTATACTATAAAAAAAGGTGGCTTTT
GGCATGGTTCGGACAAATCATTCCAAAGCCCGTTCCATGTTGGAACGGTCTTTGGA
ACACTTGTGGAACGGATATTGAAACAATAACGTCAAGTGGAAATTTTTTTTTGGG
TTATAAATTTGAAAAGGTCCAACCTGTAACGTAACAGTTACTAAACCATTCCACCA

ATCGTGCCAAAATAGTAACGAAAAATCATTGGAACTCATTTTGGAACTATATT
AGACTTAGGAACGGGCATAACCAAACCGTTCCCAAATCCATTGCAATATATGTT
TAAGAAAAGAAAGTTCGGAAATGTATTCTAAAATAAAGTGTGAAACGGAACTG
T