

## IDENTIFICATION

**Species:** *Arachis duranensis*

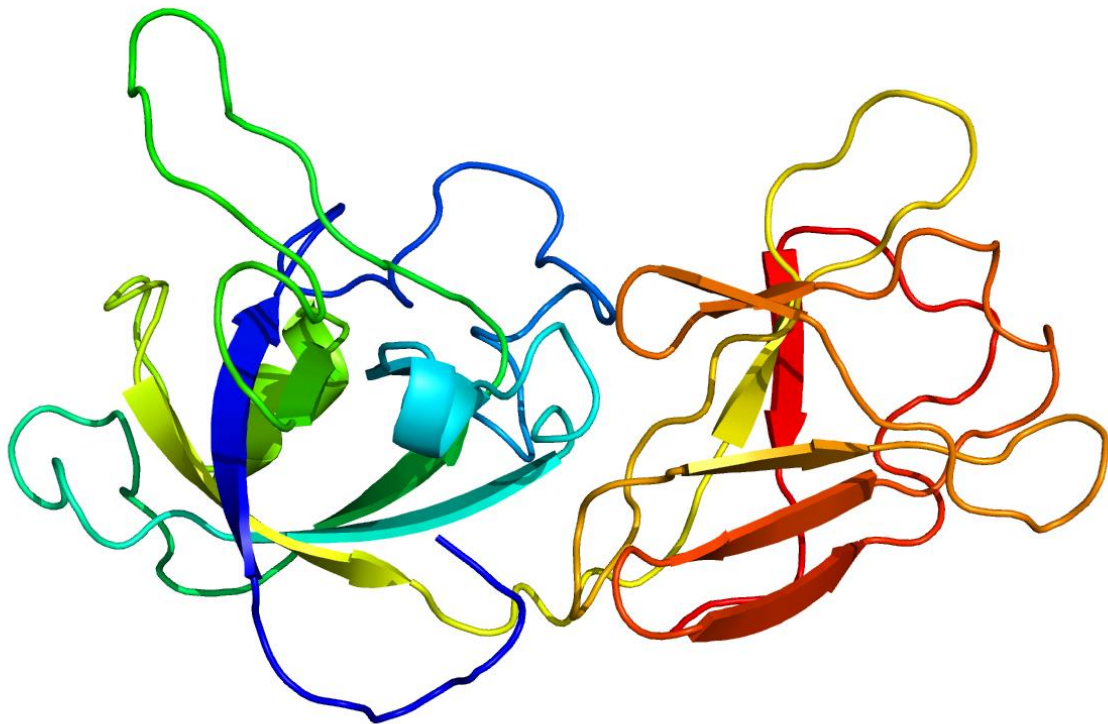
**Locus:** XP\_015933965

**Gene Model** XP\_015933965.1

**Description:** AdEXPA-22

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

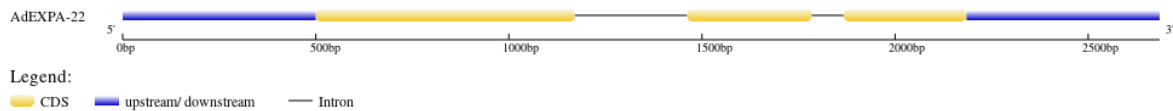
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Arachis+duranensis>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04300>

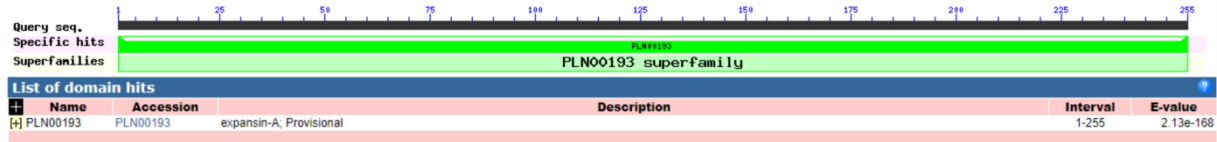
## EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/duranensis>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>AdEXPA-22

MAKSMLVFATFLSFCFTTNTCAFSPSAWTSGHATFYGGSDASGTMGGACGYGNLYS  
AGYGTRTAALSTALFNDGASCGECKIICDFRADPRWCVKGTSVTITATNFCPPNFAL  
PNNNGGWCNPPLKHFDMAQPAWEKIGIYRGGIVPVLFRVPCKKKHGGVRFVNGR  
DYFELVLISNVAGAGSIKAASIKGSKTGWMTMSRNWGANWQSNAYLNGQSLFRVT  
TTDGETRLFQDVVPPNWSFGQSFSSSVQF

### CDS (coding sequence)

>AdEXPA-22

GCGCTCACATGGGCCTTCGTTGCCTTAGCGAGTCTACTTTTGTTCCTTATAAGAT  
TACCTCTGTGCTTGGAAAGGACTAACGAATGTAAAGAGAAATTGAGTAACCGCA  
ATCACATTTCTTTTTTCTTGCTCTAGCTCAACTACATCTCATTGTGTCTTGAGCATT  
CAGTAGAGCAAGACAATGGCTAAATCCATGCTTGTTTTTGTACCTTCCTCTCATT  
TTGTTTTACTACTAATACTTGCGCCTTCTCACCTTCTGCATGGACCAGCGGCCATG  
CCACTTTTTATGGAGGCAGCGATGCCTCAGGCACAATGGGAGGTGCTTGTGGATA  
TGGGAACCTGTATTTCAGCAGGGTATGGTACTAGAACTGCAGCATTAAAGTACTGCT  
CTGTTCAATGATGGAGCTTCGTGTGGTGAGTGCTACAAAATTATATGTGATTTTCG  
AGCAGACCCTAGATGGTGTGTCAAAGGAACATCCGTCACCATAACAGCTACCAA  
CTTCTGCCCTCCTAACTTTGCCCTTCCCAACAACAATGGAGGCTGGTGTAACCCAC  
CGCTCAAGCATTTTGACATGGCTCAACCTGCATGGGAAAAAATTGGCATTATAG  
AGGAGGGATAGTTCCCGTTCTGTTCCAAAGGGTCCATGCAAGAAGAAGCATGG  
AGGGGTAAGGTTCACTGTGAATGGAAGAGACTACTTTGAGCTTGTGTTGATAAGC  
AATGTGGCAGGAGCTGGATCCATCAAAGCTGCGTCGATTAAGGATCAAAAAC  
GGATGGATGACTATGTCAAGAAATTGGGGAGCTAATTGGCAATCCAACGCGTATT  
TGAATGGCCAATCTTTGTCCTTCAGGGTCACAACCACCGACGGCGAAACCAGACT  
CTTCCAAGATGTGGTTCCACCAAACCTGGTCATTTGGACAGAGTTTCTCTAGCAGT  
GTCCAGTTCTGAAACGCTTTGTTTCGTGATTTTGAATTTCTCATGAATGGCAGAG  
GCGTGGTTTTAATTTTATTGGAGCAGCCCGCCAAACCCATGAACTGTTCTTGAAG  
GTCTTAATGAAGAGGCTTATATATGAAGTCATACGATTTACGTGCTTTGTTATCAA  
TAAGAAAGAGTGATATGTCAGCTTAGGAGCATAGAACAATATGCATTTTACATA  
GTTTATATCATACTCTAGATTGTTGTCCTATTGATATGCATACTGTTATTAGATTCT

TAGTGTTTGTATCTGTATTGTGGGGGAATTAGGTGAAATTCTATGCTTTTGTAAAT  
TTGAGTTTGAGTTAACTTCTTGTGTTTTGCCTGCTAAA

### Nucleotide

>AdEXPA-22

ATGTTAATATAATTGGTTTTACTTTTTAGTATTAGATAAGACATATCTGAATTCA  
CAAATATTATGTATCAAAAAATCAAAAAATAATAAATAAAAAATATATATTTAATAA  
TATTTTATTTATAAAACACATAAGCCATTTTTTTATTTAATTGATATAATTAATTT  
TTTGAATATTTTTTATTTAATTACACCAAAAAATCAATTTAAATTTTAAATTTTCTTT  
TATTATTTTCGTTTTATGCTTTTTGATTTTCGTGTCTTTATAATTTTGTAGTGATCTG  
AAGTTGATAAATGATAAATACGTTTCAGTTCCCCTCAGCACTTAAAACATGTGCA  
GCAATATAAATGTTACACAAGAAAGAATGGAGCGAGCTTGCTGAAAAGCTAATG  
CGCTAACTCTCCATTTTCTTTATTAACCCGTGTGCTTTAATCAGACTAAAATCTTTC  
AGATTCCTGAACCATTATGAACCTCAGCTAAAAGAGCATAATGTATAGCGTATTT  
AGCAGGCAAAACACAAGAAGTTAACTCAAACCTCAAATTAACAAAAGCATAGAAT  
TTCACCTAATTCCCCCACAATACAGATACAAACACTAAGAATCTAATAACAGTAT  
GCATATCAATAGGACAACAATCTAGAGTATGATATAAACTATGTAAAATGCATAT  
TTGTTCTATGCTCCTAAGCTGACATATCACTCTTCTTATTGATAACAAAGCACGT  
AAATCGTATGACTTCATATATAAGCCTCTTCATTAAGACCTTCAAGAACAGTTCAT  
GGGTTTGGCGGGCTGCTCCAATAAAATTAAAACCACGCCTCTGCCATTCATGAGA  
AATTCCAAAATCACGAAACAAAGCGTTTCAGAACTGGACACTGCTAGAGAAACT  
CTGTCCAAATGACCAGTTTGGTGAACCACATCTTGAAGAGTCTGGTTTCGCCCG  
TCGGTGGTTGTGACCCTGAAGGACAAAGATTGGCCATTCAAATACGCGTTGGATT  
GCCAATTAGCTCCCCAATTTCTTGACATAGTCATCCATCCAGTTTTTTGATCCTTTA  
ATCGACGCAGCTTTGATGGATCCAGCTCCTGCCACATTGCTTATCAACACAAGCT  
CAAAGTAGTCTCTTCCATTCACAGTGAACCTTACCCCTCCATGCTTCTTCTTGCAT  
GGAACCCTGCAAAAACAATAATGAAAGCGCTCATGTGATTTGGTATTGACATATCT  
GATTTTCCATAAAAAAAAATATATATATTTTCTATCCTGTTTTTTTTACTTATATCT  
TGATCTTTAAAAATGCCATGTGTATATTA AAAATCAGTCACCAAATCAGCCATCA  
TGATTTTATATACATGTTTAGTTTAACTCATTTTCTGATTTTAAATGTCAATGGTTGC  
TTTATCTTAAGATGCTTAACAAAGATAACCTAAGAAGATATAGAAAAGAGTCAA  
AGACAGAACATGTTTCAGACCTTTGGAACAGAACGGGAACTATCCCTCCTCTATAA  
ATGCCAATTTTTTCCCATGCAGGTTGAGCCATGTCAAATGCTTGAGCGGTGGGT  
TACACCAGCCTCCATTGTTGTTGGGAAGGGCAAAGTTAGGAGGGCAGAAGTTGGT  
AGCTGTTATGGTGACGGATGTTCCTTTGACACACCATCTAGGGTCTGCTCGAAAA  
TCACATATAATTTTGTAGCACTCACCACACGAAGCTCCATCATTGAACAGAGCAG  
TACTTAATGCTGCAGTTCTAGTACCATAACCTGCTGAATACAGGTTCCCATATCCA  
CAAGCACCTCCTGCACCCACATAAAACACGCAATATATTTAACATTTGCAATCAT  
TTATTCTTAATTTTTTCATCCTTAAGCAGTGTGGCTTACCCATTGTGCCTGAGGCAT  
CGCTGCCTCCATAAAAAGTGGCATGGCCGCTGGTCCATGCAGAAGGTGAGAAGG  
CGCAAGTATTAGTAGTAAAACAAAATGAGAGGAAGGTAGCAAAAACAAGCATGG  
ATTTAGCCATTGTCTTGCTCTACTGAATGCTCAAGACACAATGAGATGTAGTTGA  
GCTAGAGCAAGAAAAAAGAAATGTGATTGCGGTTACTCAATTTCTCTTTACATTC  
GTTAGTCTTTCCAAGCACAGAGGTAATCTTATAAGGGAACAAAAGTAGACTCGC  
TAAGGCAACGAAGGCCCATGTGAGCGCTGCAACAAGAGAGCAATCAAATAAATG  
ATTA AAATTATTATTTGTTAATTGTTTGTACTAGATTGATATGTGCAAATCTGAAG

AGTTCTGAGCGTCATGCATTCAATAATTCCCACGTTCTGTTCTCTTACACTTACCC  
TTCACACCCACATGCCTCGCCCCACAGGAGGCGTGAACCTTATCAGAAACCCACAA  
CCCCATTTGGTCGTGTCTTCTCTCTGTCTATCTTTCCCAATTTTGCTCTATCGCCTT  
ATTTTTATTAATTGGCCTGTAGCTATTTCTGGACACAAGAGAGACGCAACAGTCT  
ATGCATTGGAGCCAATTCACCCACGGTCACATTGAAAAATGCTTCCTATTGGGGT  
GTCATTTTTAGTTAGCTATAGCAAGAACTCCCCATTAATACTAGAGAAATAATA  
AATTAATTATTTATGTAACCTTAACCTTTATAATTTTATATGGATAATATTTAGAG  
TTTAATTCGCTACATGTTATATATTA