

IDENTIFICATION

Species: *Populus trichocarpa*

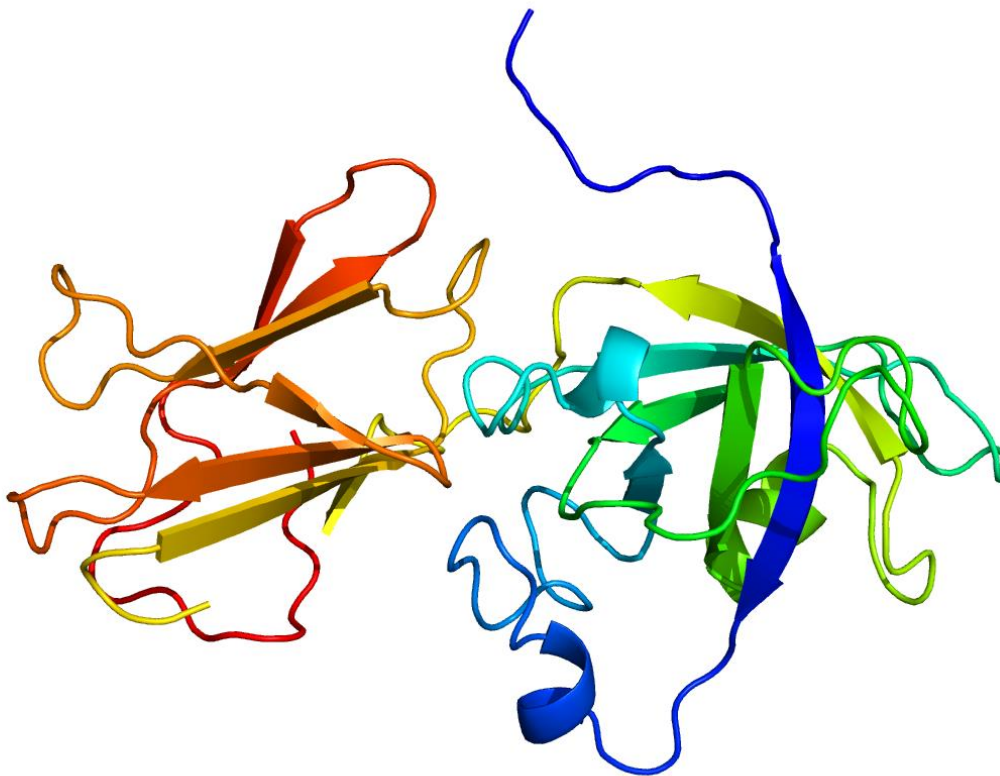
Locus: Potri.013G060800

Gene Model: Potri.013G060800.1.p

Description: PtEXPA-21

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

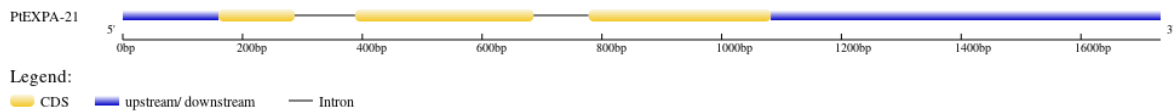
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Ptrichocarpa_v4_1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T01077>

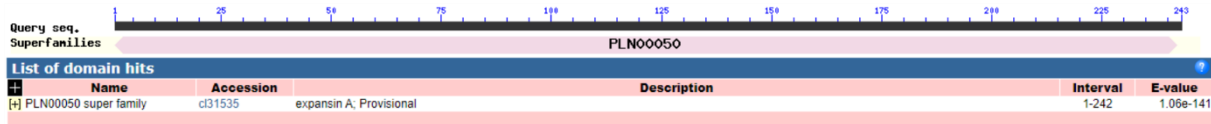
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>PtEXPA-21

MDFLGVCLVVFLTMSKTIHGYGGGWSDAHATFYGGGDASGTMGGACGYGNLYSQ
GYGTNTAALSTALFKNGLTCGACFELKCVNDARWCLSGSIIVTATNFCPPNSAGGWC
NPPSQHFDSLQPVFQHLARYKAGIVPVLVYRRVACRKTGGIRFTINGHSYFNLVLITNV
GGAGDVVSVSIKGSRTGWQPMSRNWQNWQSN SYLNGQALSFKVTTSDGRSISSN
VAPPNWAFGQTFHGGQF*

CDS (coding sequence)

>PtEXPA-21

ATGGATTTTCTTGGAGTTTGTCTCGTAGTCTTCCTAACCATGTCCAAAACAATTCA
TGGCTATGGAGGTGGATGGTCTGATGCTCATGCTACCTTCTATGGAGGTGGTGAT
GCTTCTGGCACAATGGGAGGAGCTTGTGGTTATGGAAACCTCTACAGCCAAGGT
ATGGGACAAACACGGCAGCATTAAAGCACGGCTTTATTCAAGAATGGACTAACCT
GTGGAGCTTGTTCGAACTCAAATGTGTAAATGATGCCAGGTGGTGTCTCTCAGG
TTCTATCATAGTCACAGCAACAAATTTTGGCCCTCCAAACAGTGCAGGAGGGTGG
TGCAATCCTCCTTCGCAACACTTCGATCTTTCTCAGCCTGTTTTTCAACATCTAGCT
CGTTACAAAGCAGGAATAGTCCCTGTTCTATACAGAAGAGTTGCTTGTAGGAAAA
CTGGAGGAATCAGGTTCACTATAAATGGTCATTCACTTCAACCTTGCCTTATA
ACCAATGTTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG
CTGGTTGGCAGCCAATGTCTCGCAATTGGGGCCAAAATTGGCAGAGCAATTCTTA
CCTGAATGGTCAAGCACTCTTTTCAAGGTCACAACAAGTGATGGACGATCTATC
ATCTCCAGCAATGTGGCTCCTCCAAACTGGGCTTTTGGTCAAACCTTCCATGGAG
GGCAGTTCTAA

Nucleotide

>PtEXPA-21

GCCTTTTCTTATTCATTGACTTGTGTTTTCCAAGCTGATTTCTTTGAGTTCAAATTT
ATTAGGCCATTGTAAGCACAAAGTTATCAATGATTTCTTTTCCCCTTGCAAAAA
TAATCCTTATCTCAAACCTGTGTTTCTTTTGGCTGCTACTTTGCAGGAAATGGATTTTC
TTGGAGTTTGTCTCGTAGTCTTCCTAACCATGTCCAAAACAATTTCATGGCTATGGA
GGTGGATGGTCTGATGCTCATGCTACCTTCTATGGAGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG
CAATGGGTAAGAACCAAAATCCAATGAGATACCTGCTAGTCTACATATCTCTTTG

CTATATGGTAGTTCATAGCTCAATCAATTTATGTGTATGCTACAATATATAGGAG
GAGCTTGTGGTTATGGAAACCTCTACAGCCAAGGTTATGGGACAAACACGGCAG
CATTAAGCACGGCTTTATTCAAGAATGGACTAACCTGTGGAGCTTGTTTCGAACT
CAAATGTGTAAATGATGCCAGGTGGTGTCTCTCAGGTTCTATCATAGTCACAGCA
ACAAATTTTTGCCCTCCAAACAGTGCAGGAGGGTGGTGAATCCTCCTTCGCAAC
ACTTCGATCTTTCTCAGCCTGTTTTTCAACATCTAGCTCGTTACAAAGCAGGAATA
GTCCCTGTTCTATACAGAAGGTGAGCTTACTCGTCATCATATAAATATGACTCAA
CTTTGCTCTAAAATCTCCACAATACTGAACCAAACAATCTTTATTTTGTTTACA
GAGTTGCTTGTAGGAAAACCTGGAGGAATCAGGTTCACTATAAATGGTCATTCATA
CTTCAACCTTGTCCTTATAACCAATGTTGGTGGTGTGGTGTGATGTTGTGTCAGTCT
CCATCAAAGGATCTAGAACTGGTTGGCAGCCAATGTCTCGCAATTGGGGCCAAAA
TTGGCAGAGCAATTCTTACCTGAATGGTCAAGCACTCTCTTTCAAGGTCACAACA
AGTGATGGACGATCTATCATCTCCAGCAATGTGGCTCCTCCAAACTGGGCTTTTTG
GTCAAACCTTCCATGGAGGGCAGTTCTAAATTCATATCCCATGCCCAAACCTAAC
TGAGACCACTTCAAAGTTTAGCCTTCAAGGGAAGAAGATATTGATTAGTATTGAA
AATTTCTCTTCTGGTTAGTTTATATAGGACCTGCATACGTCAAATGTGTTAAAAGT
GTTTGTGACATAGTTGACTATGGTGTACAGCTATGGGCCCTTTTAGAAATGGCC
ATGGATGCATTCGTTGCCTTCCCTGCACAACCTACAAAGGGTTAGTGAATTTGCTT
GTAAAGAAAGTCTAAGCAAACCTAGATCAGTTTGTGAGACGTGATAGCAGGAAGC
TCATTATATGAGGGTCCATCAGTCCTCGGAATAAAGCTTAACAGGATAGAAAAGT
ACATCAGTCCTCGGAAAAAAGCTCGTACAGATTTTCTATTAACCTCGACCAGCGA
GCAACCACAATTCCTGCACTCGCCGGCTTAATTGTATTGCACTACTGGTTCGCAA
AAGTAAAACAAAAGCAATGTCCCTCGACCATTAATGTTGAAAAGGTCTGCAGAA
GCAAAGGCGAAGCAGGTTCTTTTAGTTATGACATTGCAAGTAATAGAGGATGATT
GACCGCACAAATGCTTGATAAAAACATTCAAGCACCGCCCATTTCATACCCAGAT
GAATTCCTAGGATTTTTAT