

IDENTIFICATION

Species: *Arachis ipaensis*

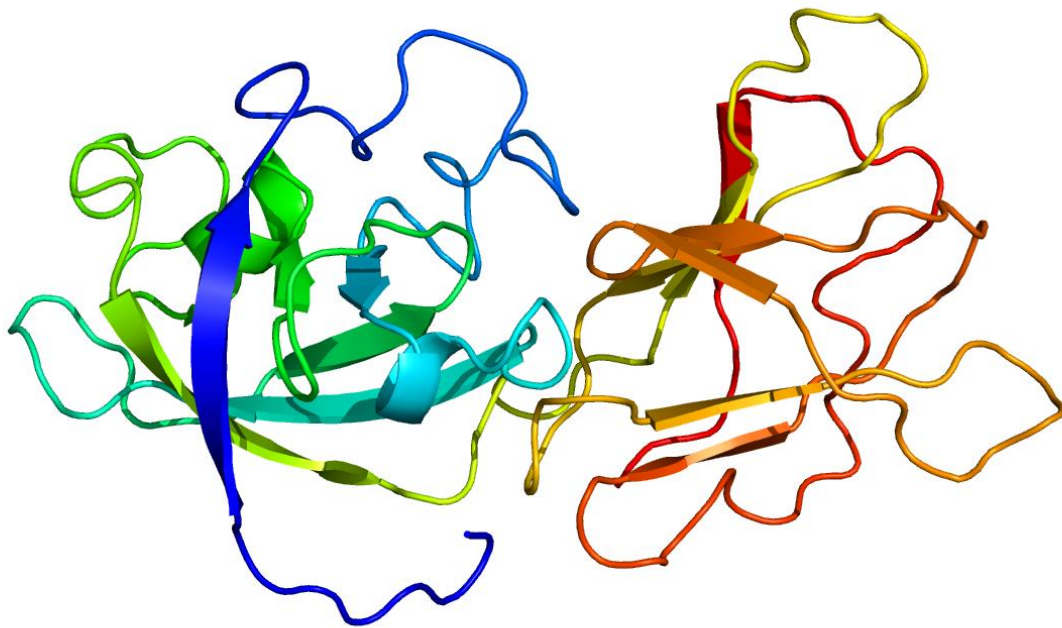
Locus: XP_016175097

Gene Model: XP_016175097.1

Description: AipEXLB-04

Family: Expansin Like Beta

3D structure:



GENOME DATABASES

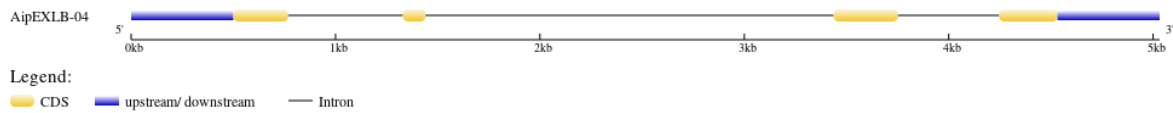
NCBI: https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/35711?genome_assembly_id=315604

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04301>

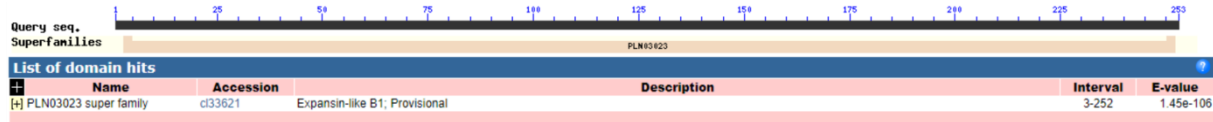
EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/ipaensis>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AipEXLB-04

MELSFMHKLGVVCLILLVLSAVCCFADSYRKSRSASYNTPDGYGNPWGACGYGEY
GRTVNGGNVAAVSGDIWKGSGCGACYQIRCKIAQYCEDEGTRVVVTDYGEGRDRT
EFIMSEHAFSNLARDSAASAKLMKYGVVDIEYKRVSCKYSNRNVLVKIHESNNPYY
FAILLNVGGKCDVAAVQLWQEDYKEWSPLRRVYGTVFDYENPPSGKITLRFQMDC
GERLVWVHPKKPIPSDWNAGEAYDTGLQF

CDS (coding sequence)

>AipEXLB-04

TATAAGCCTTCTCTCTTGTTAATAGTTATTATCTATCATTCTTACTTCAAATATAGT
TTTATTATTTTCATCACCTACATATTTGTGACCACGTGTTTGTGAGTTGTCACCATAT
ATATTATATAGAAATGGAGCTTAGTTTTATGCACAACTTGGGGTTGTTTGTCTCA
TATTATTGGTCTTAAATAGTGCAGTGTGCTGTTTTGCGGATTCATATAGGAAATCA
AGAGCATCTTATTACAATACCCCTGATGGCTACGGGAATCCATGGGGAGCTTGTG
GCTATGGCGAGTACGGAAGGACTGTCAACGGTGGCAATGTTGCGGCCGTGTCCG
GTGATATTTGGAAAGGTGGAAGTGGTTGCGGCGCATGCTATCAGATTCGGTGTAA
AATAGCACAATATTGTGACGAAGATGGAACACGTGTAGTAGTAACAGATTACGG
TGAAGGAGACAGAACAGAGTTCATAATGAGCGAACATGCATTCTCAAATTTGGC
ACGTGACTCAGCTGCTTCTGCAAAGTTGATGAAATATGGTGTGTGGACATTGAA
TACAAGAGGGTCTCTTGTAATACTCTAACCGCAATGTTCTTGTTAAGATCCATG
AAAAGAGCAATAATCCTTATTACTTTGCTATCTTGCTTCTCAATGTTGGTGGAAAA
TGTGATGTTGCTGCTGTTTCAGTTGTGGCAGGAAGATTACAAAGAATGGAGTCCAC
TGCGAAGGGTGTATGGAACAGTTTTTTGATTATGAGAACCCACCAAGTGGTAAAAT
CACCTTAAGGTTCCAAATGGATTGTGGTGAAGGCTTGTGGGTGCATCCCAAG
AAACCTATCCCAGTGATTGGAATGCTGGGGAAGCATATGACACTGGCCTTCAGT
TCTAACTTTCAAATCAATTAGAGTTGCAGACATGATGACATCTCTATTTGCATTGG
AATCTTAATATGAGAGTATTAATAATAATATAATAATA

Nucleotide

>AipEXLB-04

TGGATCAATATTGCATGCTGATTGCTCTCAACATACATGCTTATATTTATGTATCA
TTAATTATACGTGGATCTTTTTTTTTTGGTGACTAATTATACGTGGATCTGCCCGT

AATGAATCATTGATTAATAATAAAGTGTGGAGAACTAATTTTTAGTTAGTTA
ATATTAGTAATTTAAAATAAACAAAATTATTTTAAAATTAATTAATAATTAAT
TACCTAACATTATTAATAAAAAGTTAGAAATTCGAATCTCGCATTATAAATAAA
AAATATCCGATGGCCGACTTTTAGAATTTGCCCGTAAGTAAATCATCTGCAGCCA
AGTTTGAAAAATATTTACACATCATTATGAGAATCTTTAAGCATTCAATAATCGT
AACGTTGAAAGAACTAAAAAGTGGTGGGTCACCACGGTACCTCAATAAGGAAG
CACTACTATGCTATAAATATGACACCACATGTTTTTGTGTTAATTTCACTATAA
ACTATAAGCCTTCTCTCTGTTAATAGTTATTATCTATCATTCTTACTTCAAATATA
GTTTTATTATTTTCATCACCTACATATTTGTGACCACGTGTTTGTGTCAGTTGTCACCAT
ATATATTATATAGAAATGGAGCTTAGTTTTATGCACAACTTGGGGTTGTTTGTCT
CATATTATTGGTCTTAAATAGTGCAGTGTGCTGTTTTGCGGATTCATATAGGAAAT
CAAGAGCATCTTATTACAATACCCCTGATGGCTACGGGAATCCATGTATGTATAG
CCCTATACTCTTTCATTTTATTTCTTTTCCAAGACAAAATCAATATGTGCGGTTCTT
CCATTTTATAGTTTCTTAAATCTAGTAATTTAATTAGATACTTTTTTTTCATATTTTA
AATATTAATTATTAATTAAGAGCTAAAAATTATAAATTTTGATAATTTTTTAATAT
TTTTTTATTTATATATACTCTCTCTCTCTCTTAAGTTTTATATATCTTAATTAT
ATACTTATTCATTTTTTAACAAGAACTTTTGATATTTAAATCGAACTTAGCAATGA
CGATATATAAATTTTGGATGGACTGAATTAATTGAAATACATGAAGACAAACCAA
AAACAATTCATAAACTTTATATTTAATCATTAAATTTTAGAAAAATAATTATTTTT
TCATAACATTAGAATATTCAAAGCTCCTGTAATAATGAATTCCACGATGTATTT
ATAACCTCCTGAAAAAAAGTCTAAAATCTAATTTCCACATCTTATAATATTAATA
ATGTAATAACAATGGTTTGTGGATGAATATATTATATATCTTTAGGGGGAGCTTG
TGGCTATGGCGAGTACGGAAGGACTGTCAACGGTGGCAATGTTGCGGCCGTGTCC
GGTGATATTTGGAAAGGTGGAAGTGGTTGCGGCGCATGCTATCAGGTAATTTTAT
TTAGAGAAAAGTGCTAATAGGTCCTTAATCTTTTGGTCCATATACATTTAAGTTTC
TAAAACTTAAAAATACATTTAAGTCTCTGACATTTTTTAAAACCTATATAAATTG
ATTCCTCTTTTCACTTGAGACCCAATAGAAAAATTAATGTGACTTCTGTTGTACT
TACCTGACTGATATACGGATGCACACGTGGAAGAATTTTTAAAATAAGACAAATT
AGACTTAGAAATCGATATGTCTAGATTTTGAAGGTCAAAGACTTAAATATATT
TTTAAGGAAAAGTATATGGAACCAAGAGGTTACTANNNNNNNNNNNNNNNNNNN
NN
NN
NN
NN
NN
NNNTCACTT
ATTATTATTTTACAAAGGAAAAGTATATAGAACCAAAAGCTTACCAACAAAAAA
CTAAACAAAACCTTCATTAATTTATATTAATAATTAATTTTAAATTTTTTAAATTC
AAATTTTAAAAATTTAAAATTAATTAAGTAAACCTAATTAACCTATAAAAAACA
ACATTCCTCTTCTCTCTCACATTAACATACCCACCTCCAACAATCACATACACAAA
CCTCTCTCTCTCACCGTCAGGCCCTCTCCGCCTCCTCACCGCGACCCACTCCTC
TTCTATCACCGACCCACTCCTCTTCTATCACCACGACCCACACCTTCTCTCCTCC
CCTTCTCTGCCCTCTACAACCTTCGTCACCCTCCGCCGCTTTTCTCTGCCCCTGAC
TTCCACACTTTCCCTTTTGGCGTTCAAGGCATGTTCCCTCCTCCCTTCTTCTTCTTCC
ATCTCCATCGCCCTCTCGCTACACTCCCAGGCTCCAAATTCGGCTTTCTTGCTGA
TCCTTCTCCCTCAACGCCCTCATATGTGTTTACTCCCTCCATCGCCGCGTCCACG
ATGCCACAAGCTGTTCAATGAGAATTCTCACAGGGATGTTGTCTCTTATAATGC

