

IDENTIFICATION

Species: *Medicago truncatula*

Locus: Medtr8g058990

Gene Model: Medtr8g058990.1

Description: MtrEXPA-28

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

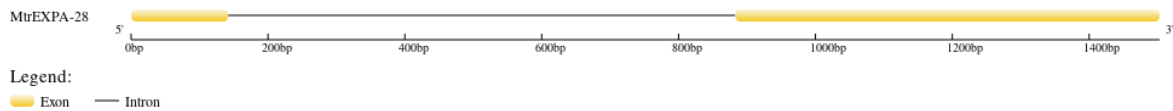
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mtruncatula_Mt4_0v1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T01716>

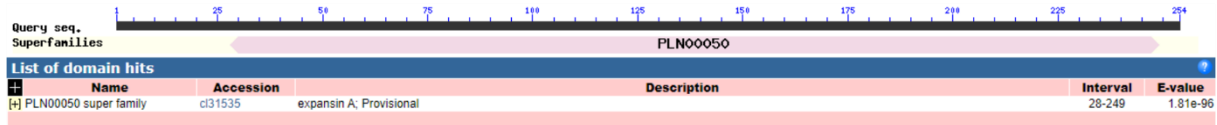
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>MtrEXPA-28

MAQSYSLVQLGFFSMLLAKSMAYIPIDSNWYDAHATFYGDMQGGETMQGACGYGD
LFQQGYGLETTALSTALFNEGYTCGACFEVKCVNDPQWCKTDVKSITVTATNFCPPD
YSKPDGNWCNPPQKHFDLSMKMFTTIAIYQAGIVPVQYRRVPCIKNGGVRFELRGNP
YFLMVLVYNVANAGDVLVSVRIKGSSTYWISMAHNWGWQFWDGTGLNLVGQDLSFLVT
TSDGKALEFNFVAPSNWQFGQTYEGSLNF*

CDS (coding sequence)

>MtrEXPA-28

ATGGCTCAGTCTTATTCTTTGGTCCAATTAGGTTTTTTCTCAATGCTTCTTGCAAAG
TCCATGGCTTACATTCCCATTGACTCAAATTGGTATGATGCCCATGCAACCTTCTA
CGGTGACATGCAAGGCGGTGAAACTATGCGTAAAGTATCAAACATTTTCTTTTTT
TTCCAACAAGGATATGGACTTGAAACCACAGCATTAAAGCACAGCTTTATTCAATG
AAGGCTATACTTGTGGGGCATGTTTCGAGGTGAAGTGTGTTAACGATCCTCAATG
GTGCAAACTGATGTGAAGTCAATCACAGTGAAGTGAACCAATTTTGTCTCTCA
GATTACTCCAAACCTGATGGAATTGGTGTAACTCCTCAAAAACATTTTGACTT
GAGCATGAAAATGTTCACTACTATTGCCATTTACCAAGCAGGAATCGTTCCCGTT
CAATATCGCCGTGTTCCATGCATAAAAAATGGGGGCGTTCGATTTGAGCTAAGAG
GAAATCCTTACTTTTTGATGGTTTTGGTGTATAATGTTGCTAATGCAGGTGATGTT
TTAAGTGTGAGAATCAAAGGGTCTAGTACATATTGGATTTCCATGGCACACAATT
GGGACAATTTGGGATACTGGATTGAATTTGGTTGGTCAAGACTTATCATTTTTG
GTTACTACAAGCGATGGAAAAGCTTTAGAGTTTAATTTTGTGCTCCTTCTAATTG
GCAATTTGGACAAACCTATGAAGGTTCTTTAAATTTTTAA

Nucleotide

>MtrEXPA-28

ATGGCTCAGTCTTATTCTTTGGTCCAATTAGGTTTTTTCTCAATGCTTCTTGCAAAG
TCCATGGCTTACATTCCCATTGACTCAAATTGGTATGATGCCCATGCAACCTTCTA
CGGTGACATGCAAGGCGGTGAAACTATGCGTAAAGTATCAAACATTTTCTTTTTT
AAATAAACTATCATCGTTTTCTTGAAACAAAACCTATCACTATCATTGTTTTAAAA
AAAAAAACAAAAAACTATCATCGTTCTCATCAAGGTCAAGATTTTGTCTCTTTT
TTAGGACTTTTTTTTTTTTTGGGTGGTCTAGTGAATGATTCATATATATTTTGAAG

TGTATTTTGAATTTATGAATTGATTATACATAAAGACTTTAGATCGATTTTGTTTG
TGAGTATTAATAAATAAGGGAAATGTTAACTAGTGCTCCAGAGGTAGGGGAACTAG
TTAAGAATATAAAATAGTAACTTTTTTATGAAAGTTTATGTAATTAGTGCATTGAA
AATTGAAAACFTTTTAAATTTTGAAAGAATAATTACTTAACTTAGCATGCTTAAAG
GGTGTCTCGGAGATACTCGTTAATGAGACACTTAGAATAAATAAAATGGAATACG
AATCATTTATTTTTATGAAATAGTCAAGATCGGGTTGATGACTATGTTATTACCGT
TTTTCGTGAGATATCAATTCACAATTACATTTTTTTTTAGGAATGTACACTATTTAT
GTTGAATCGTTGATTCCCTAGAGAAAAAATGTATTCTATTGTTTAGTTACTACT
ATTTAACAAGTACATTATTTCTTGACCGAAAAAAAAGTACATTATTATTCTTTTTT
GTTGATATATTGTATATATGTTTTTATTTTTATGTTTGTATATGTAGAGGGGGCTTGT
GGCTATGGTGATCTCTTCCAACAAGGATATGGACTTGAAACCACAGCATTAAAGCA
CAGCTTTATTCAATGAAGGCTATACTTGTGGGGCATGTTTCGAGGTGAAGTGTGT
TAACGATCCTCAATGGTGCAAAACTGATGTGAAGTCAATCACAGTGACTGCAACC
AATTTTTGTCCTCCAGATTACTCCAAACCTGATGGAAATTGGTGTAAATCCTCCTCA
AAAACATTTTGACTTGAGCATGAAAATGTTCACTACTATTGCCATTTACCAAGCA
GGAATCGTTCCCGTTCAATATCGCCGTGTTCCATGCATAAAAAATGGGGGCGTTC
GATTTGAGCTAAGAGGAAATCCTTACTTTTTGATGGTTTTGGTGTATAATGTTGCT
AATGCAGGTGATGTTTTAAGTGTGAGAATCAAAGGGTCTAGTACATATTGGATTT
CCATGGCACACAATTGGGGACAATTTGGGATACTGGATTGAATTTGGTTGGTCA
AGACTTATCATTTTTGGTTACTACAAGCGATGGAAAAGCTTTAGAGTTTAATTTTG
TTGCTCCTTCTAATTGGCAATTTGGACAAACCTATGAAGGTTCTTTAAATTTTAA