

IDENTIFICATION

Species: *Prunus persica*

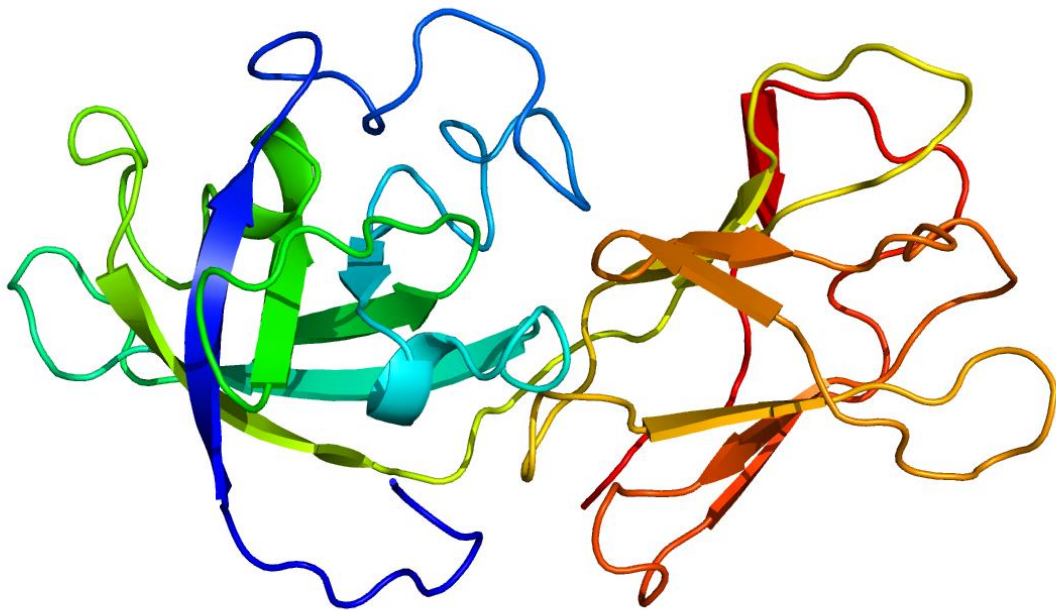
Locus: Prupe.5G087100

Gene Model: Prupe.5G087100.1.p

Description: PrpEXPA-13

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Ppersica_v2_1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T03092>

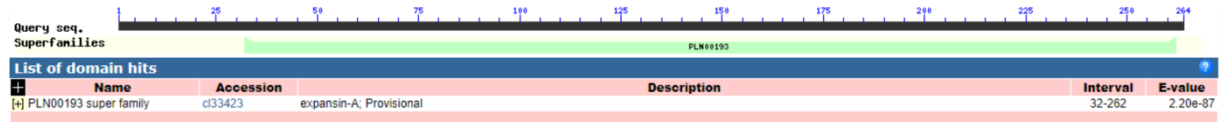
EXTERNAL RESOURCES

https://www.rosaceae.org/species/prunus_persica/genome_v2.0.a1

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>PrpEXPA-13

MASFLPSWSFSFLFTSWMLVTLRSTVVAKVVYRPSWHLAHATFYGDETASETMGG
ACGYGNLFVNGYGTDTAALSSTLFNNGYACGTCYQIKCYGTSACFRNVQFTT VTAT
NLCPPNWSQDSNAGGWCNPPRTHFDMSKPAFMKIAQWKAGIVPVMYRRVPCIRAG
GLRFSFQNGYWLLVYVMNVAGGGDIANMWVKGSRSGWIKMSHNWGASYQAFAT
LGGQALSFRITSYTSKETIIAWNVAPSTWNVGLTYKANVNFH*

CDS (coding sequence)

>PrpEXPA-13

ATGGCTTCTTTCCTTCCTTCATGGAGCTTTAGCTTCCTCCTTCACATCGTGGATGCTG
GTAACCCTAAGCAGAACAGTGGTTGCAAAGGTCGTTTACCGACCTAGTCCGTGGC
ACCTTGCCCATGCTACTTTCTATGGTGACGAGACTGCCTCCGAGACTATGGGTGG
AGCTTGTGGGTATGGAACTTGTTTCGTTAATGGGTATGGCACAGACACAGCAGCA
TTGAGCTCAACACTATTCAACAACGGATATGCTTGTGGAACCTTGTTACCAGATAA
AATGTTATGGGACTAGTGCATGCTTTAGAAATGTTCAATTCACCACCGTGACCGC
TACCAACCTTTGTCCGCCAAACTGGTCCCAAGACTCCAACGCTGGAGGCTGGTGC
AACCCGCCTCGGACCCATTTTGACATGTCCAAGCCAGCCTTCATGAAAATTGCTC
AGTGGAAGGCTGGCATTGTCCCAGTTATGTACCGCAGAGTGCCATGCATAAGGGC
CGGGGGGCTTCGATTCTCTTTCCAAGGAAATGGGTACTGGTTGTTGGTGTATGTG
ATGAATGTAGCAGGAGGGGGTGACATTGCAAACATGTGGGTGAAAGGAAGCAGA
TCAGGGTGGATCAAAATGAGCCACAACCTGGGGAGCTTCATACCAGGCCTTTGCAA
CCTTGGGAGGCCAAGCTCTCTCTTTTCAGGATCACTTCCTACACATCCAAGGAGAC
TATAATAGCATGGAATGTTGCTCCTTCAACCTGGAATGTGGGTTTGACTTACAAG
GCAAATGTCAACTTCCATTGA

Nucleotide

>PrpEXPA-13

ATGGCTTCTTTCCTTCCTTCATGGAGCTTTAGCTTCCTCCTTCACATCGTGGATGCTG
GTAACCCTAAGCAGAACAGTGGTTGCAAAGGTCGTTTACCGACCTAGTCCGTGGC
ACCTTGCCCATGCTACTTTCTATGGTGACGAGACTGCCTCCGAGACTATGGGTAT
GTATGCTGTTTCATATACTTCAATGATCTCTTGTGTCAGACTAATTACGTTACCATTAT
TGGAGATGTCACATAAGAAGTTTATGCTTTAATTACTAAATCCTTAATGCTAC

TTTTTTTTTGGGGGGTTATAGGTGGAGCTTGTGGGTATGGAACTTGTTTCGTTAAT
GGGTATGGCACAGACACAGCAGCATTGAGCTCAACACTATTCAACAACGGATAT
GCTTGTGGAACCTTGTTACCAGATAAAATGTTATGGGACTAGTGCATGCTTTAGAA
ATGTTCAATTCACCACCGTGACCGCTACCAACCTTTGTCCGCCAACTGGTCCCA
AGACTCCAACGCTGGAGGCTGGTGCAACCCGCCTCGGACCCATTTTGACATGTCC
AAGCCAGCCTTCATGAAAATTGCTCAGTGGAAGGCTGGCATTGTCCCAGTTATGT
ACCGCAGGTACGACATAAGCCCTTAAAGCTTCATACAAAATTTTCATTGGTGTATT
ATTACTTTTCCTTACCTATCTTGTACGTGACTTAGTATACCTATAATAAATAAAA
AATCACATCAATATGATGATATGGTATAACCGTTGCACCTAAGCCTTCCCCAAC
CTAAGCTACACACAGATTTCAAACATATGGTTATAAGAGCATGATATAGATCAAT
TTTTTTCATGGAGTTCTCAATCATCTATGCTATTTTCCTTGCAGAGTGCCATGCATA
AGGGCCGGGGGGCTTCGATTCTCTTTCCAAGGAAATGGGTACTGGTTGTTGGTGT
ATGTGATGAATGTAGCAGGAGGGGGTGACATTGCAAACATGTGGGTGAAAGGAA
GCAGATCAGGGTGGATCAAATGAGCCACAACCTGGGGAGCTTCATACCAGGCCT
TTGCAACCTTGGGAGGCCAAGCTCTCTCTTTTCAGGATCACTTCCTACACATCCAAG
GAGACTATAATAGCATGGAATGTTGCTCCTTCAACCTGGAATGTGGGTTTGACTT
ACAAGGCAAATGTCAACTTCCATTGATGCCCCGACAAGCAGAATATGAGAGATTAT
GCCATCTATGACTCTTTTTTTGTTTTCTTAATTTCTACTTTTTATGAAGCCCCCAA
GTCTCTGTTGCTTTGGCTTGGCAAATTTTATCCTTTCTTTTTTTCTTTTTTTTTAA
TGCAGGGCAAATTTCTCTGGTTAATTTGCATCTGATATATATCCTTACTAAAGT
GATTTCTACTCACTAAAATGAGAGCAGAATGTTACATGCTAAGAGTACAACCTGC
TTGTTTTATTATTTGGTTGAAAAACAAGTGCTCTGCCTCTGCAAATATCATCTAT
ATACTAATCTGAAAAGTGCTTTTGTCCCAAGAATATATTTGAGAAGCATTTC