

IDENTIFICATION

Species: *Arachis duranensis*

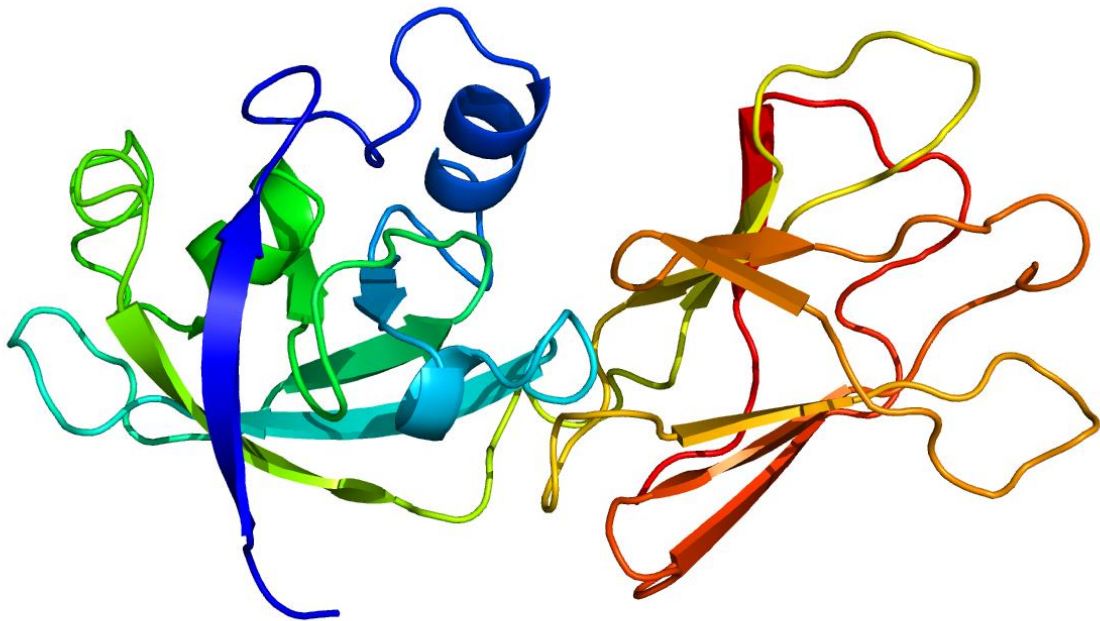
Locus: XP_015963649

Gene Model XP_015963649.1

Description: AdEXLB-07

Family: Expansin Like Beta

3D structure:



GENOME DATABASES

NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Arachis+duranensis>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04300>

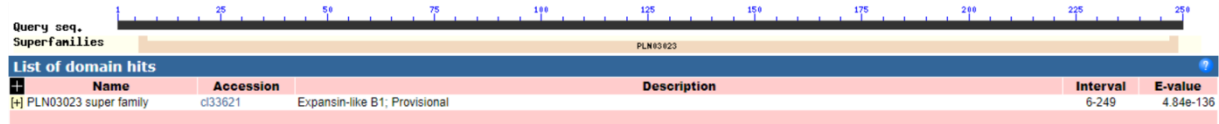
EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/duranensis>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AdEXLB-07

MELKYHQFGLVCVIMLLPLMCTSQDSFTCSRATYYGSPECTANPTGACGFGEYGTAI
NDGSVAGVSWLWRNGSGCGACYQVRC KIAEYCDDYGAYVVVTD FGVGDRTDFIMS
PRAYSRLAKNEDASAE LFKYGVVDVEYKR VPCRYGGYNIIVKVNERSYNPHYLAIVT
LYVGGTQDITAVQFWQEDCKEWRP MRRAFGT VFDVENPPRGDIK LRFQVTGSAGVY
WVESKTFITSDWKAGASYDTQIQLE

CDS (coding sequence)

>AdEXLB-07

TTCTTTACATTGCATTTTATCTCATAAAGCATAAAGCTTTCTCTTGTTTCATAAACTT
ACATATTGCTTTAGTTTCTTGAATTGATCTCTCAAATTAACACTAGATATATATT
AGTGCTTCATCTCAAATGGA ACTTAAGTACCACCAATTTGGCCTTGTTTGTGTCA
TAATGCTCTTACCTTTAATGTGTACTTCTCAAGACTCATTACGTGCTCCAGAGCA
ACCTATTATGGCAGCCCTGAATGCACTGCCAACCCAACGGGAGCTTGTGGCTTTG
GCGAATATGGAACGGCGATCAACGATGGCAGCGTGGCAGGCGTGTCTTGGCTAT
GGCGGAATGGATCTGGCTGTGGTGCATGCTATCAAGTTAGGTGCAAATAGCAG
AATACTGCGATGACTATGGAGCATATGTAGTGGTAACAGACTTCGGCGTGGGAG
ACAGAACCGACTTCATTATGAGTCCACGTGCTTATTCAAGATTGGCCAAGAACGA
AGATGCATCTGCAGAGCTTTTCAAATACGGTGTGGTGGACGTAGAATACAAGAG
GGTACCATGCAGATACGGTGGCTATAACATCATAGTCAAGGTGAATGAGCGCAG
CTACAACCCACACTACTTAGCCATTGTA ACTCTCTATGTTGGTGGAACACAAGAC
ATAACTGCCGTT CAGTTCTGGCAGGAAGATTGCAAAGAATGGAGGCCAATGCGA
AGGGCGTTTGGGACAGTGTGTTGATGTTGAGAACCCACCAAGGGGTGACATAAAG
TTAAGGTTCCAAGT GACTGGCAGTGCAGGGGTTTATTGGGTAGAGTCCAAGACCT
TTATCACCAGTGATTGGAAGGCTGGAGCATCTTATGATACTCAAATCCAGCTTGA
ATAGAAAAAATAAACA AATAAATAAATGTACTTGCTCACTAGTAATTTATTGCCA
CTCTATGAATGTTCTGTGAGCTCTCTCTATGTTTTAGTGCTCTTTGTATTTGTGAC
TAGACTAAGATTATGGGCATTCATCTACTTGTCGTGGAATTTGGATGAATAACAC
TATAAAAAGCACCTAGCTGTTCTTGATTGTATTTTGCAGCCAGTGGCATTAGAAA
TTCCCTGATACTCCATATACTTAATATATCACGCTTAT

Nucleotide

>AdEXLB-07

CAAACAATACTCTTTGGGACGGACTTTTCGAACCTTATGCCTGATGCACAGTCAAG
TTCTGGTGGAGTTTTGATGGATGGTTGTGGCTTCACCATTGATGCTGCACAGTATG
GTAATGTGGGGAGATTCATCAACCACAGTTGTTCTCCAAATCTGTATGCTCAAAA
TGTGCTGTATGACCATCATGACAAAAGGATGCCTCACATCATGTTCTTTGCTGCTG
AGAACATTCCCTCCTCTGCAAGAGCTGGCTTATGACTACAACACTACATGATCGACCA
GGTCCACGACTCCGATGGCAACATCAAACGGAAAGATTGCTACTGCGGTTCTGTG
CAATGTACAGGTAGGATGTACTGAGCCTTCTTGTCAATATCAAAGTTGTTAGGTA
TGATTATGAACCATATAAGCGACCTTTTTAAGTACATTAATTTTACATCAGACCAC
CAAAGTAATGAAACTGTGTTGTGTACTTTTTCAATCCCATAGATATAAATATATG
AGATAAGCGTGATATATTAAGTATATGGAGTATCAGGGAATTTCTAATGCCACTG
GCTGCAAAATACAATCAAGAACAGCTAGGTGCTTTTTATAGTGTTATTCATCCAA
ATTCCACGACAAGTAGATGAATGCCATAATCTTAGTCTAGTCACAAATACAAAG
AGCACTAAAACATAGAGAGAGCTCACAGGAACATTCATAGAGTGGCAATAAATT
ACTAGTGAGCAAGTACATTTATTTATTTGTTTATTTTTTCTATTCAAGCTGGATTTG
AGTATCATAAGATGCTCCAGCCTTCCAATCACTGGTGATAAAGGTCTTGGACTCT
ACCCAATAAACCCCTGCACTGCCAGTCACTTGGAACCTTAACCTTTATGTCACCCCT
TGGTGGGTTCTCAACATCAAACACTGTCCCAAACGCCCTTCGCATTGGCCTCCATT
CTTTGCAATCTTCCTGCTCCATCAATCAAGTTAAATCTCCAATATATGCAACTAAT
TATTGATCAATAAATGAATACATGTGCATATTAGTACCTGCCAGAAGTGAACGGC
AGTTATGTCTTGTGTTCCACCAACATAGAGAGTTACAATGGCTAAGTAGTGTGGG
TTGTAGCTGCGCTCATTACCTTGACTATGATGTTATAGCCACCGTATCTGCATGG
TACCCTCTTGTATTCTACGTCCACCACACCGTATTTGAAAAGCTCTGCAGATGCAT
CTTCGTTCTTGGCCAATCTTGAATAAGCACGTGGACTCATAATGAAGTCGGTTCTG
TCTCCACGCCGAAGTCTGTTACCACTACATATGCTCCATAGTCATCGCAGTATTC
TGCTATTTTGCACCTAACCTGATTCACCATCATTTATATTTGATAAATCAATGATG
GAATGGAATGGCAAACACAACATCATTAAACAAATGCAAGTGTTACTTGATAGC
ATGCACCACAGCCAGATCCATTCCGCCATAGCCAAGACACGCCTGCCACGCTGCC
ATCGTTGATCGCCGTTCCATATTCGCCAAAGCCACAAGCTCCCGCTGTTTGGGGTT
TAGAGGGGAAAAAATTAATTCACATAACATTGCTTATGCAATAATATTAACACC
TTCATGTTGCACCTTTTTTGTCTTTGGTTGCATCTTAATGGAGGAGCATGCATCAC
CAAAAGTAAAGTTCTCAAGCTAATCTTCTTTGCTTAGAAGACAATTCGTTGTTTCA
TAACATCAAGATCATGCATTATGTTGTGTCAAATATGAAATATCCTAATTCCTAGT
CAGAAAATGATAGTTTCATTGCACATGGGAAAAGACGTGTGTGTGTGTGTGTGTA
TTAATAGATATATTGAGTGAGTGATGTTAACATTTAAAAGTAGTGAAAATTGGAT
ATTAACATAATCTAATGTTAAATTGGGACCACAGCAGAATTTAAGAGTGATAAA
ATAAGTATAGATATAAACAAGATACGGTGAATTGTTTGTCTTTTTTTTTATCAAAGA
TAAGGTACTTTTATATATTACAAAAGAGATTACAAGAAGAAAATGAAATTTCTCA
TAATGTAGAGTGTATCCATGACTGAAATGCATTAAGGGATAGAAGAGTTTCACGT
ACTTGGGTTGGCAGTGCATTCAGGGCTGCCATAATAGGTTGCTCTGGAGCACGTA
AATGAGTCTTGAGAAGTACACATTAAGGTAAGAGCATTATGACACAAACAAGG
CCAAATTGGTGGTACTTAAGTTCCATTTTGGAGATGAAGCACTAATATATATCTAGT
GTTAATTTGAGAGATCAATTCAGAAACTAAAGCAATATGTAAGTTTATGAACA
AGAGAAAGCTTTATGCTTTATGAGATAAAAATGCAATGTAAAGAAGTGATATTTAT
AGTACAAGGCATTAGGTCTACATTCTGAGTTGGTAGCAAAATTTGTTTTCTTTATT
TATTAATTAGTTATATTTTCTTCCACTTGAGACTAAGGAATAATATGCAAGAGGAT

TGGAAGAATGATGTGTAAATAATATAGACCCTATGATTGACACCTCAAGGGCCAA
GGTCATCATCATAACATATTGGAACCAATTTATTATCGGAATGGAATAATGCCCA
ACTTTGTTCTATTATAACAAATTTCAAGGAAGATTGTAACACCGAAAAAGTTAAT
TATGATATCAGAGTAGTTTTTATGTAGAATCTAAGAAATAGATTGATTATTTTC
AATTGCATACTCTTCTGTTTATAATTTTATGCACATGATTATTTATTGATTAATGAT
ATTAGTCTATTATTATATATTTTATGGTATTAAATTTGACTAATTTAACACTAATA
ATTCAAGTATATGAAAATACTAATAAATAATTATAAATAAAAT