

IDENTIFICATION

Species: *Theobroma cacao*

Locus: Thecc.01G385000

Gene Model: Thecc.01G385000.1.p

Description: TcEXPB-02

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Tcacao_v2_1

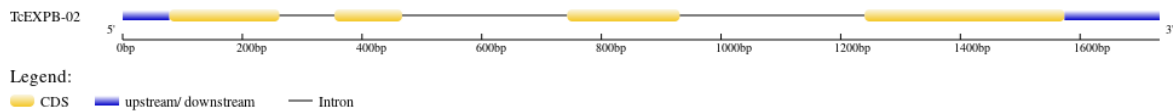
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T02994>

EXTERNAL RESOURCES

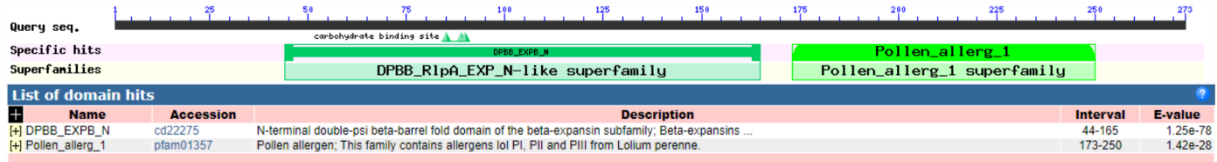
<https://www.cacaogenomedb.org/>

<https://cocoa-genome-hub.southgreen.fr/node/4>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>TcEXPB-02

MAFVLRNMFSLFTFVATFSLFNCSYCFYPKLLNASLAATESDWSPAGATWYGSPTG
AGSDGGACGYGAAVEQGPFSAMVSAGGPSLFKSGKGCACYEYKCTTNSACSENPV
TVAITDECPGCVSESVHFDLSGTAFGAMAKSGQAEQLRNAGVLQIQYRKVKCNYPG
KTIAFHVDAGSNPNYFATLVEYENGDDLGSVDLKQALDSDTWLPMQQSWGAVWK
LDAGSRLRSPFSIRLTSLSRQTLVAAGVIPAGWEPGQTYRSVNFNG*

CDS (coding sequence)

>TcEXPB-02

ATGGCTTTCGTTCTTCGAAACATGTTCTCTCTTTTCACTTTTGTAGCCACATTTTCT
CTGTTATTCAACTCCTGTTACTGCTTCTACCCTAAGCTCCTTAATGCCTCATTGGC
AGCAACTGAGTCTGATTGGTCCCCAGCCGGAGCAACGTGGTATGGCAGCCCCACA
GGGGCTGGAAGTGATGGTGGAGCTTGTGGGTATGGGGCTGCTGTGGAGCAAGGC
CCATTTTCTGCAATGGTGTTCGGCTGGAGGTCCTTCCCTATTCAAATCTGGCAAAGG
ATGTGGAGCCTGTTACGAGGTCAAGTGCACGACAAATTCAGCCTGCTCGGAAAAT
CCTGTGACTGTAGCTATCACCGATGAATGCCCTGGCTGTGTCTCGGAGTCCGTTCA
TTTTGATTTAAGTGGTACTGCATTTGGTGCCATGGCAAAGTCTGGCCAGGCTGAG
CAACTCCGTAACGCAGGAGTCTTGCAGATTCAATATAGAAAAGTGAAATGTA
ACTACCCCGGAAAAACCATTGCCTTTCACGTTGATGCCGGCTCCAACCCTAACTATTT
GCCACCTTAGTTGAATATGAAAATGGGGATGGTGACCTTGGTTCAGTTGACCTCA
AACAGGCGCTTGACTCTGACACCTGGCTTCCATGCAACAATCCTGGGGTGCAGT
TTGGAAACTCGACGCCGGCTCGAGGTTGCGGTCTCCGTTCTCCATCAGGCTAACA
TCGCTTGACTCTCGCCAGACCCTTGTGGCAGCCGGTGTCAATCCTGCTGGTTGGGA
ACCCGGACAAACCTATAGATCAGTCGTTAATTTAATGGCTAA

Nucleotide

>TcEXPB-02

CCAAGCTTAAACCTGCATTTGAGCTAGCTTTGCTAATTCCTCTTACTAAAGACAGT
AGTTTCTTTGATCGAAGTGTTTCATGGCTTTCGTTCTTCGAAACATGTTCTCTTTT
CACTTTTGTAGCCACATTTTCTCTGTTATTCAACTCCTGTTACTGCTTCTACCCTAA

GCTCCTTAATGCCTCATTGGCAGCAACTGAGTCTGATTGGTCCCCAGCCGGAGCA
ACGTGGTATGGCAGCCCCACAGGGGCTGGAAGTGATGGTAATAATGAGCATGGA
GAATGATAGAGACTATGTATACATAGATTATTGTTTAAATTTTATTAACTTTAACTC
TTTTTTTTTGTGTATCTAGGTGGAGCTTGTGGGTATGGGGCTGCTGTGGAGCAAGG
CCATTTTCTGCAATGGTGTCTGGCTGGAGGTCCTTCCCTATTCAAATCTGGCAAAG
GATGTGGAGCCTGTTACGAGGTGACATGCAATTTTTGCATATATATATATATATAT
ATATATATTATCACAATATCCGTATACTTTTTAACTTCATCAGTATGTTATCATGC
CTCATTACTTTGTACTCCATAATATGTCTGTCTCAGTTCGAAAAGATTGATAAACTTT
CTTCGAGTACATGATGATTCTCCGTATACATATTCTTCCTTTTATATGCCAATATA
CTTTTTCCCTACTCTAGCATGCAAAGGGTGCTTTTTCAATGTTGTTTAAACATGTATAA
TATGGTTTAAATTCAGGTCAAGTGCACGACAAATTCAGCCTGCTCGGAAAATCCT
GTGACTGTAGCTATCACCGATGAATGCCCTGGCTGTGTCTCGGAGTCCGTTCAATTT
TGATTTAAGTGGTACTGCATTTGGTGCCATGGCAAAGTCTGGCCAGGCTGAGCAA
CTCCGTAACGCAGGAGTCTTGCAGATTCAATATAGAAAGTAAGATTCTACGTACG
TTTCTATGCGTGTGGGGTTTGTGTTGGGACTTGGGGGAGATTAGAAACAGAGGA
TGAGAATTTAGAAGCAGTATGACATTGTTGTACAAGTTTTCCATGAAGAATTTAA
TCCTCACCCCTGCAGGAAAAAATGAAGAAGAAATGTCTTTATGTCAAGGAATTGAC
TTTGACAAACCAAGCCTATTGCCTATGGGATTAGTTTATTCTTCAAATAATTTGAA
ATTTTCATTTTCGCTGTCAAATTCTCAACATTTTGTAAATCATTCTGGTCATTGACGA
AAAATTGGTTTGCAGAGTGAAATGTAACCTACCCCGGAAAAACCATTCGCTTTCAC
GTTGATGCCGGCTCCAACCCTAACTATTTCCGCCACCTTAGTTGAATATGAAAATG
GGGATGGTGACCTTGGTTCAGTTGACCTCAAACAGGCGCTTGACTCTGACACCTG
GCTTCCCATGCAACAATCCTGGGGTGCAGTTTGGAAACTCGACGCCGGCTCGAGG
TTGCGGTCTCCGTTCTCCATCAGGCTAACATCGCTTGACTCTCGCCAGACCCTTGT
GGCAGCCGGTGTCAATCCTGCTGGTTGGGAACCCGGACAAACCTATAGATCAGTC
GTTAATTTTAAATGGCTAAGGCCCGCCCCTCTATCTGTACGCTTGTATTCCTCGTTT
AATACTGTACTGTTGGCGAGTTTTAAGTCAACATGAAGATATTCTTCCATGTCTTA
ATTGCTTGATTATGTATGTTAATGGGAGAATTATTAATAAAAATATAGTTGATAGTT
TTGTTTGAC