

IDENTIFICATION

Species: *Chenopodium quinoa*

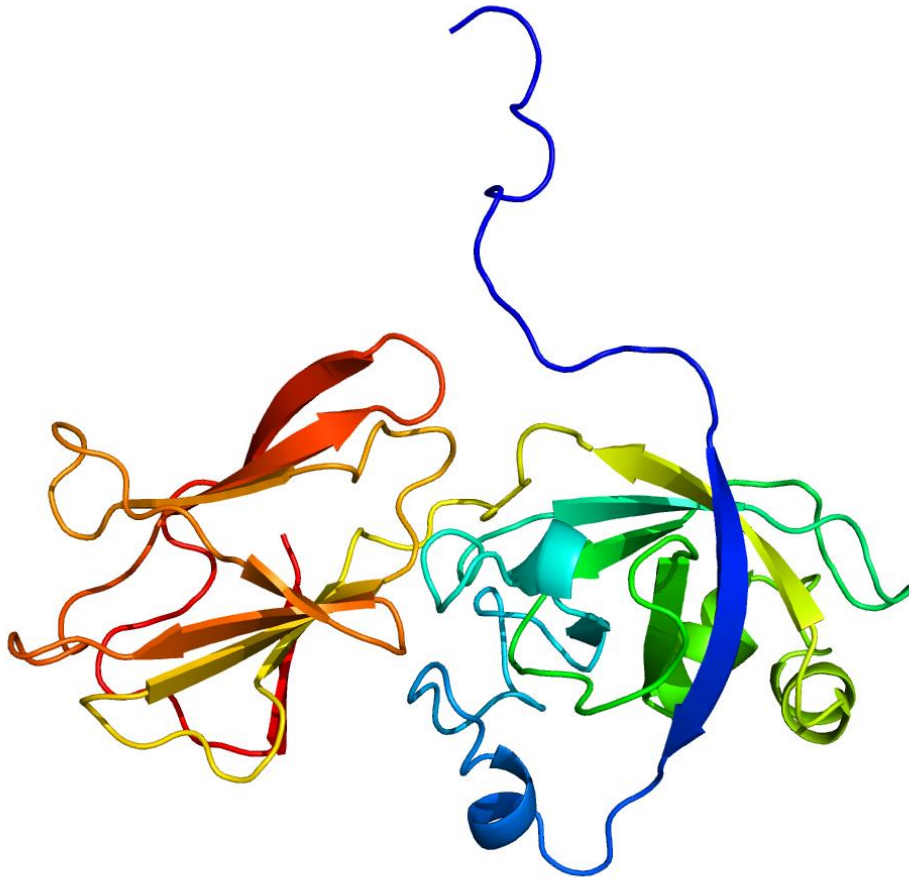
Locus: AUR62004157

Gene Model: AUR62004157

Description: CqEXPB-07

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa_v1_0

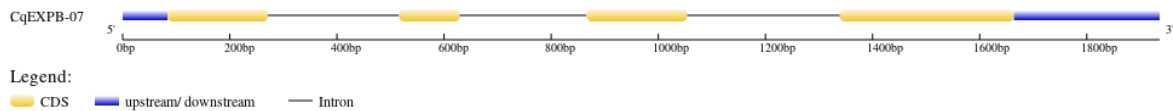
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05764>

EXTERNAL RESOURCES

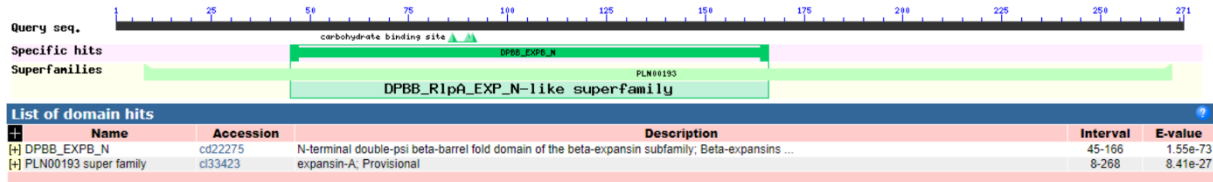
<https://www.cbrc.kaust.edu.sa/chenopodiumdb/>

<http://quinoa.kazusa.or.jp/index.html>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CqEXPB-07

MALPSHYRFSLVFVLNFALLFNSCLCFNPKLLNVSKYYHDSYSNWSPAGATWYGSPD
GAGSDGGACGYTNTVDKPPYSGMVTAAGSSLYNFGDGCVCYEVKCTENEACSGK
PVTVTITDECPDCPSDEPHFDLSGTAFGAMAKPGQAEKLRDAGVLHIQHVKVCNYP
GVTVEVRVDPGSNPYYFASTIEYTDGLGIESVKLKQQSGEWIPLKQSWGAVWEVNA
DNGLHPPLSLELIEAQSGDTLTLNINVIPRGWNPQTYRSHVNFNN*

CDS (coding sequence)

>CqEXPB-07

ATGGCTCTTCCTTCTCATTACCGCTTTTCTTTAGTGTTTGTGTTTGAATTTTGCTCTTC
TTTTTAATAGTTGTCTTTGTTTCAACCTAAACTTTTGAATGTGTCCAAATATTACC
ATGACTCTTATTCCAATTGGTCCCCTGCTGGTGCTACTTGGTATGGAAGTCCTGAT
GGCGCCGGAAGCGATGGTGGAGCGTGTGGATATACGAATACGGTGGATAAACCT
CCGTATTCTGGCATGGTTACAGCAGCTGGATCCTCATTATATAATTTTGGTGACGG
ATGTGGAGTTTGCTACGAGGTA AAAATGTACGGAAAATGAAGCATGTTTCGGGAAA
ACCAGTGACAGTGACGATAACAGATGAATGCCCAGATTGCCCTTCGGACGAACCT
CATTCGATTTGAGTGGAACAGCTTTTGGAGCCATGGCTAAGCCTGGCCAAGCTG
AAAACTACGTGATGCTGGTGTTCCTCACATCCAACACCAAAGGTA AAAATGCAA
CTATCCGGGAGTAACCGTGGAAAGTAAGAGTGGATCCGGGTTCGAACCCGTACTAC
TTTGCATCAACAATCGAGTATACTGATGGTTTAGGAATTGAAAGTGTGAAATTAA
AGCAACAATCAGGTGAATGGATCCCCTTAAAACAATCATGGGGTGCAGTTTGGG
AGGTCAATGCAGATAATGGTCTTCATCCTCCTTTGTCTTTGGAATTAATTGAAGCT
CAATCTGGAGACACCCTTACCTTAAATAATGTCATCCCTAGGGGCTGGAACCCGG
GCCAAACCTATCGCTCTCATGTTAATTTCAATAACTAA

Nucleotide

>CqEXPB-07

ATCACAAAGTTAAGTACTAAATTGTTTCATCTTATACTTATTAAATAGCTAAGTAAT
TAATTA AACTCATCATAATAAATTAATAATGGCTCTTCCTTCTCATTACCGCTTTT
CTTTAGTGTTTGTGTTTGAATTTTGCTCTTCTTTTAAATAGTTGTCTTTGTTTCAACCC

TAAACTTTTGAATGTGTCCAAATATTACCATGACTCTTATTCCAATTGGTCCCCTG
CTGGTGCTACTTGGTATGGAAGTCCTGATGGCGCCGGAAGCGATGGTACATTTTT
TTTTACTCCTTTTATGGTTCACCATATTCTTTTATTTAATACAGGTTGTCTAACATG
TAACCGACCTTTATGAGATAAATAATAAGACGTATAATTTTTATTTAGTTACAAA
CTTGTTTAGATTGTTTCGAGGAAAATGCCTAATTCATCAAATTAATTAATCTTAG
ACTAAAATAAAACAGATTGATTATTATTGTATTAATAACTATATTATTATGTATAT
ATGTACGTAGGTGGAGCGTGTGGATATACGAATACGGTGGATAAACCTCCGTATT
CTGGCATGGTTACAGCAGCTGGATCCTCATTATATAATTTTGGTGACGGATGTGG
AGTTTGCTACGAGGTTAGTATAACATTGTTTAAACGTAACCTTCTTGATGATTTTTAT
TTATACAAACATGTCGAGTTTAGTTATTTGATTGTAAATTTGAACTACAAGAATCC
GTGTTTTTATTGACCCCTTAAAAAAAACCAGTGGATAAATAAATTAATGTACCA
CCCATGTTGACTATATGTGTTTGTATATAAGAAAATTGATGGTATACAAATTGTAT
TTATTTATTTTTTTTTGGGTTGACCTAGGTAAAATGTACGGAAAATGAAGCATGTTC
GGGAAAACCAGTGACAGTGACGATAACAGATGAATGCCCAGATTGCCCTTCGGA
CGAACCTCATTTCGATTTGAGTGGAACAGCTTTTGGAGCCATGGCTAAGCCTGGC
CAAGCTGAAAACTACGTGATGCTGGTGTCTTCCACATCCAACACCAAAGTAAG
AACTACGACGAGTAATTAATTCATCATGTCACCTTTTTGAAAGATTTTCTATACA
ACGATTGCATAACATAACCACATAAGTTGTACAACCATTTCCAGACCCCAAAGAAT
CTAAGACTTTGACTCTTTGAGAGGTTGCGGAACCAATTTAACAGAATAATAATTT
TTTTTTGCACCTAACTAAGTAATTAATTAATTAATAATAATAGATATGGTATATC
GTATATAATTATATAGAATTAATGATTAATTTAGTTTTGAAAATATAATTGGTG
AGGGTAAAATGCAACTATCCGGGAGTAACCGTGGAAAGTAAGAGTGGATCCGGGT
TCGAACCCGTACTACTTTGCATCAACAATCGAGTATACTGATGGTTTAGGAATTG
AAAGTGTGAAATTAAGCAACAATCAGGTGAATGGATCCCCTTAAAACAATCAT
GGGGTGCAGTTTGGGAGGTCAATGCAGATAATGGTCTTCATCCTCCTTTGTCTTTG
GAATTAATTGAAGCTCAATCTGGAGACACCCTTACCTTAAATAATGTCATCCCTA
GGGGCTGGAACCCGGGCCAAACCTATCGCTCTCATGTTAATTTCAATAACTAATT
TAATACTCCGTATAATCATACTGTGTTTATGATTTTCCGAAAATTATAAATTAGG
ATGATGCAGCCCCGATATATATAAGAGGTGGCTTATATAGTGGTGTGTGTATTGT
ATGTTGGTTGGATGTAGGTTGTGGAATGGAAATTGTTCCCACCATCCCCTATAAT
GTTGAATCTATCTAAATATAATGTAACTTTTACTTTTTGTGTACACATTTATATTT
GAAAGTGTGGTCACTAGTCACACTACTTTACTTTGAATATCATTTAT