

## IDENTIFICATION

**Species:** *Phaseolus vulgaris*

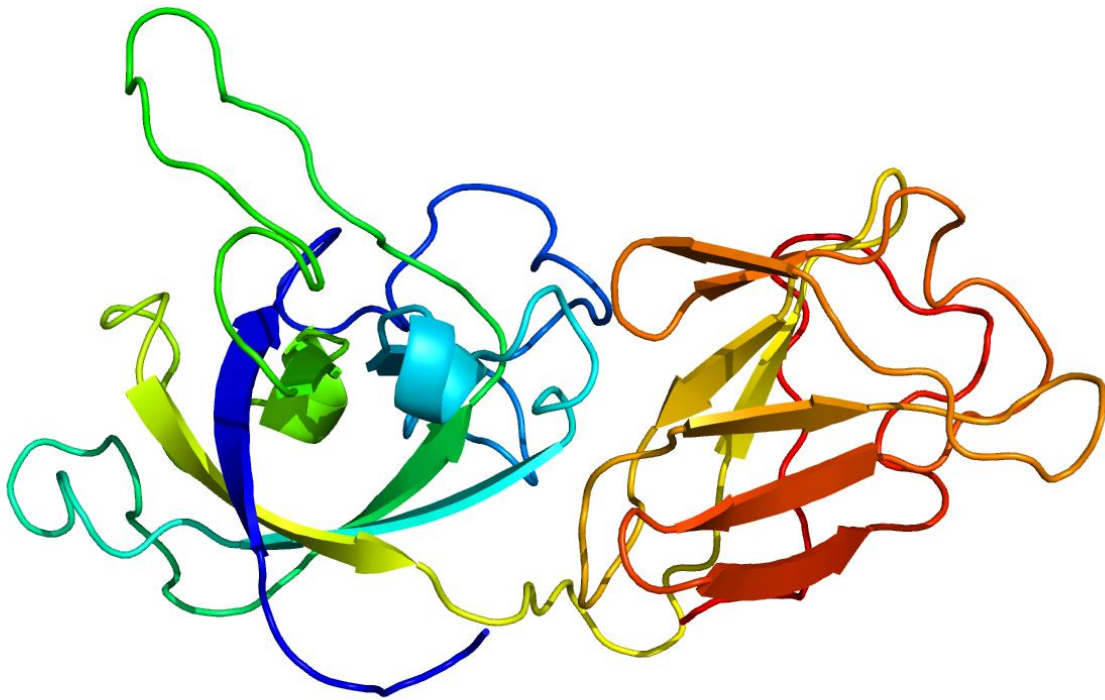
**Locus:** Phvul.001G003700

**Gene Model:** Phvul.001G003700.1.p

**Description:** PvEXPA-01

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

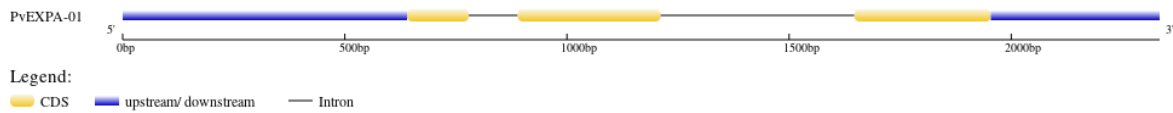
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Pvulgaris\\_v2\\_1](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Pvulgaris_v2_1)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T03093>

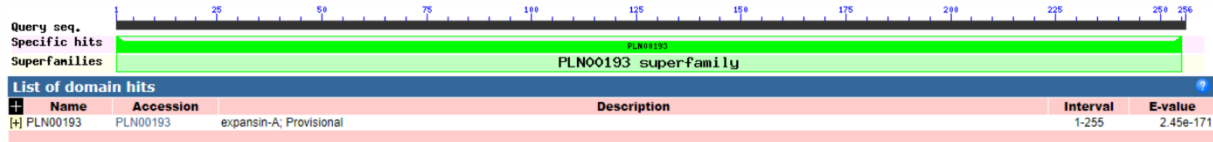
## EXTERNAL RESOURCES

<https://www.pulsedb.org/organism/636>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>PvEXPA-01

MGNFMFLGLSLIGLCSFTITTTAFSPSGWTNAHATFYGGSDASGTMGGACGYGNLYA  
TGYGTRTAALSTALFNDGASCGECKYKIICDYKADSRWCIKGTSVTITATNFCPPNFAL  
PNNNGGWCNPPLKHFDMAQPAWEKIGIYRGGIVPVLFRVPCKKHGGVRFSVNGRD  
YFELVLISNAGGAGSIQSVSIKGSKTEWMAMSRNWGANWQSNAYLNGQSLFRITTT  
DGQTRVFLNIVPASWSFGQTFSSPVQF\*

### CDS (coding sequence)

>PvEXPA-01

ATGGGCAATTTTATGTTTCTTTTGGGTAGCCTCATTGGATTATGCAGCTTCACAAT  
CACTACCTTTGCCTTCTCACCTTCTGGATGGACCAATGCCCATGCCACTTTTATG  
GGGGTAGTGATGCTTCAGGCACTATGGGGGGAGCTTGTGGGTATGGGAATCTGTA  
TGCAACTGGTTATGGAAGTGAAGTGCAGCTTTAAGCACTGCCTTATTTAATGAT  
GGAGCTTCCTGTGGTGAGTGCTACAAAATCATATGTGATTACAAAGCAGACTCCA  
GATGGTGCATCAAAGGAACATCTGTCACCATAACCGCCACAAACTTTTGCCTCC  
CAATTTTGCTCTTCTAACAACAATGGAGGCTGGTGCAACCCACCCCTCAAGCAT  
TTTGACATGGCTCAACCCGCTTGGGAAAAGATTGGTATTTACAGAGGAGGAATCG  
TGCCCGTCTTATTCCAAAGGGTTCCATGCAAAAAGCACGGAGGGGTTAGGTTTCA  
TGTGAATGGAAGGGACTACTTTGAGCTTGTGTTGATCAGCAATGCAGGTGGGGCT  
GGATCCATAACAATCTGTGTCCATTAAGGATCAAAAAGTGAAGTGGATGGCTATGT  
CAAGAACTGGGGTGCTAATTGGCAATCCAATGCATATTTGAATGGTCAATCTTT  
GTCCTTCAGGATCACAACCACTGATGGACAAACCAGAGTTTTCTAAATATAGTT  
CCTGCAAGTTGGAGTTTTGGCCAAACTTTCTCTAGCCCAGTTCAGTTCTAA

### Nucleotide

>PvEXPA-01

TGAACCAACGGTGACTATTTCTTTGCTTTGCTTTGCTAGCTAACAGACAACTGAC  
AATCTGTATAGGCAAATGGGACATGTGGATGTAGCTCACAAAAACGCACTG  
TCATCATTTCCATGTGACCCTGTAAGTTATGATCTACACACCGTTTGTTCATTTG  
ATAAATCCATTCTGTCTTTTTATCCACAAATGGAGTTATAAACCATGAGATCCATG  
AGAGACGAAAGAAGTAGACATTGGGATCTGTGAGGAGCTAAAATTAATAAATA

GACCACCAAATGGGGTTTGTGGGTTTTGAAACATTCACGGCTCTTATGTGGGCAT  
GTGCATGTGGGTGGGTTAGAAGGGGAGTATAAGAGGAATACTGAAAGAGAACGT  
GGGAATGATTGAATGGTGTTCAGACTTGCACAGATAAATTTAATCTGATAAATAA  
TAAAAATTGTTTCTTGAGTTCTCTTATCTTGCAGAGCCTCACATGTACCATCGTTG  
CCTTAGCTAGTCTAGACCCTTATTTAAGCACAGAGCTTTTGTACTTGGAAATGGCA  
ATAAATTGCACATAACAATTTCTACTCTCATATCCTCCAACCTCATCATCTCACTTG  
GGTCTTAGGCATTCAGCAAGCTAGAAAAAAAAAATGGGCAATTTTATGTTTCTTTT  
GGGTAGCCTCATTGGATTATGCAGCTTCACAATCACTACCTTTGCCTTCTCACCTT  
CTGGATGGACCAATGCCCATGCCACTTTTTATGGGGGTAGTGATGCTTCAGGCAC  
TATGGGTAAAGCAATTGTTTTGTAACCAAACCTTTTAATACTAGATTCTATTTTTTT  
GTACCCTACTTTTCAAATAAGTTTGAAATTTTCACACATAACTTGTGTATGACTG  
CAGGGGGAGCTTGTGGGTATGGGAATCTGTATGCAACTGGTTATGGAAGTAGAAC  
TGCAGCTTTAAGCACTGCCTTATTTAATGATGGAGCTTCCTGTGGTGAGTGCTACA  
AAATCATATGTGATTACAAAGCAGACTCCAGATGGTGCATCAAAGGAACATCTGT  
CACCATAACCGCCACAAACTTTTGCCCTCCCAATTTTGCTCTTCCTAACAACAATG  
GAGGCTGGTGCAACCCACCCCTCAAGCATTTTGACATGGCTCAACCCGCTTGGGA  
AAAGATTGGTATTTACAGAGGAGGAATCGTGCCCGTCTTATCCAAAGGTTAGAA  
TTTGTTCCTACCTTGGTATTATATAAGAACATTAATATAACTCACGAGGGACACC  
CAAGTAGTGAAAAGTAATCCTTATCTTCTAAATCAGATGTTAAGGTTGTATTGTA  
TTAGAATCAAACATAAACTTCTAAGATAACTTCATAGTTTATCCAGCGATTGTAA  
CTAGCTCATTATGCCATTTGTTGTTATTTGATTATTCATAAACATTTAATCTCTCAA  
ATTTACAGTGGAGATGTCTGATATGCTCTCATAAAAAATGTGGTCATATTAAG  
TATAAACTTCTCAACTGAAAATTCAATTCCCTGGACTTGAAGAATTTGGTCTAAC  
TTCATTGTGGTCACTGCAAAACAAAAACAACAATATTAATACTTAAGAAAACATT  
TTTTTGAATTACTCTGTGACACTGATATGATTGCTGCAGGGTCCATGCAAAAAGC  
ACGGAGGGGTTAGGTTCAAGTGTGAATGGAAGGGACTACTTTGAGCTTGTGTTGAT  
CAGCAATGCAGGTGGGGCTGGATCCATACAATCTGTGTCCATTAAAGGATCAAAA  
ACTGAGTGGATGGCTATGTCAAGAACTGGGGTGCTAATTGGCAATCCAATGCAT  
ATTTGAATGGTCAATCTTTGTCCTTCAGGATCACAACCACTGATGGACAAACCAG  
AGTTTTCTAAATATAGTTCCTGCAAGTTGGAGTTTTGGCCAACTTTCTCTAGCC  
CAGTTCAGTTCTAAGCTCACAGAAAACCTCAACGGCTGAGGCGTGCTTTTTGTT  
TTAATGGAGCAGCCCGCCACTCCTTTCTTCTGGTTTTGATTATTTGGTGGACTTAA  
CCCATCAACTCCAACCCATAATGAAGGCACAATATTATATACATGCCTTAAATA  
AATTGTTATCAATAGGAAGCTCAAGCTTGTAGAAATCAAATAAGCATCTTTCAGG  
TTTAAATTTATACCATGAATAAATTGTTATAATATGAATACTATACTTCAAGTGG  
AGCTGTACTGCAGAGAGTTGGGAAAATATTACTTCCCTAAATTTTTCGATGTAAT  
GTTGTCACCTTTGTGTGTTATTTTCATCAAGCTTTTGAAACCACCACAAATACTGCAA  
GTAGG