

## IDENTIFICATION

**Species:** *Cicer arietinum*

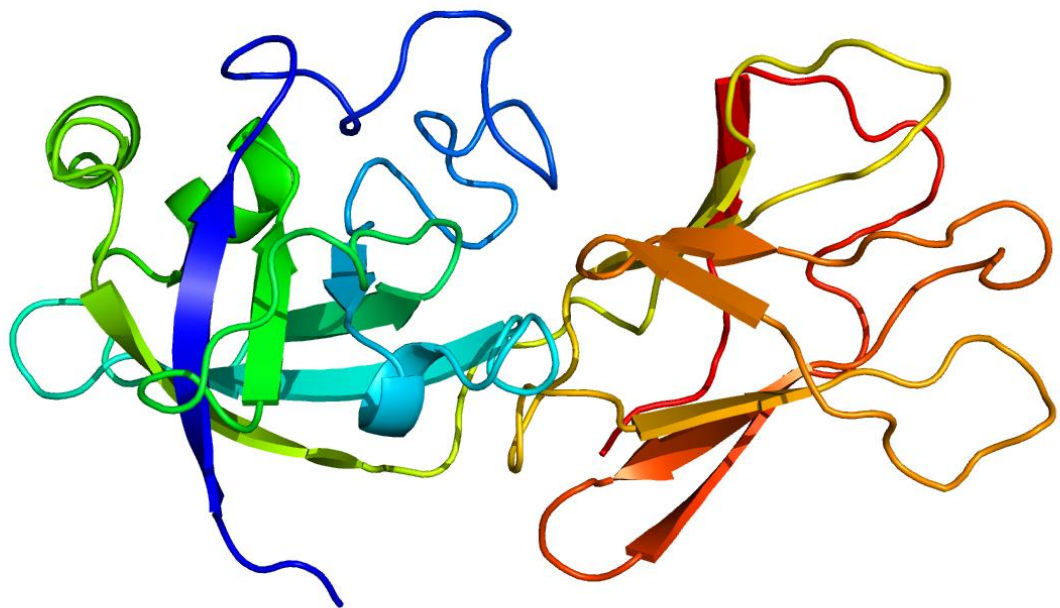
**Locus:** Ca\_25516

**Gene Model:** Ca\_25516

**Description:** CarEXPB-07

**Family:** Beta Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum\\_v1\\_0](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum_v1_0)

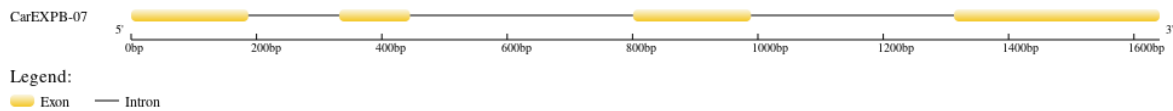
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02819>

## EXTERNAL RESOURCES

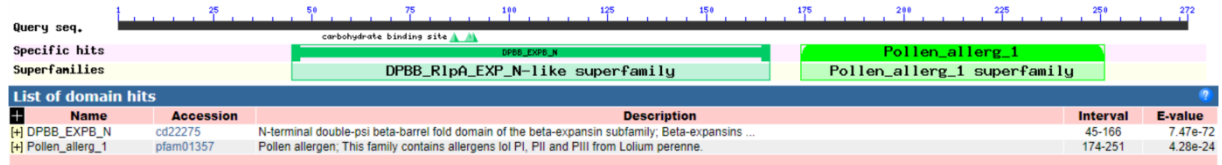
[https://www.pulsedb.org/bio\\_data/80](https://www.pulsedb.org/bio_data/80)

<http://www.cicer.info/databases.php>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>CarEXPB-07

MAHTLKCAFSHILILVGSLSILLVTPSSCFSPNKVVNVTSSNSNWSPSVATWYGPPTGD  
GSEGGACGYGNAVGPPLSSMISAGSPLIYQSGKGCSCYECIGNPACSGNPVTVTIT  
DECPGTCGSDSPYHFDLSGRAFGAMANSQDGNLRKVGKIVVQHRRVPCIYNGVVSIA  
FHVDSKSNPYYFATAVEYENGDGDLKKVELMEAFGNTWVMTMQQSYGAVWKYNKQ  
SLLRAPFSIRLTTIESGKIFVAKNVIPAGWKPGQTYRALGNFI\*

### CDS (coding sequence)

>CarEXPB-07

ATGGCTCATACTTAAATGTGCATTCTCTCATATACTCATCCTTGTAGGTTCACT  
CTCAATATTACTAGTGACCCCTTCCTCTTGTTTTAGTCCCAACAAAGTTGTTAATG  
TACTTTCATCTAATTCTAATTGGTCACCTTCAGTGGCCACTTGGTATGGACCTCCC  
ACCGGAGATGGAAGTGAAGGTGGTGCTTGTGGATATGGAAATGCTGTTGGACAA  
CCTCCATTATCTTCAATGATATCAGCCGGAAGCCCTCTCATCTATCAATCGGGCAA  
AGGCTGTGGTTCTTGTTATGAGTGCATTGGAAATCCTGCATGTTTCAGGAAATCCT  
GTGACAGTTACTATTACCGATGAGTGTCTTGGTACTTGTGGATCAGATTCTCCATA  
TCATTTTGATTTGAGTGGTAGAGCTTTTGGTGCCATGGCAAATTCAGGTCAAGAT  
GGAAATCTTCGCAAGGTTGGAAAAATAGTCGTTCAACATAGAAGAGTTCCATGCA  
TTTACAATGGTGTCTCAATAGCCTTCACGTCGACTCTAAATCTAACCCATATTAT  
TTTGCTACCGCGGTTGAATATGAAAATGGGGATGGTGATCTTAAAAAAGTTGAAC  
TTATGGAAGCATTGGCAACACTTGGGTTACAATGCAACAATCATATGGTGCTGT  
TTGGAAATATAATAACAGTCACTACTAAGAGCGCCATTTTCTATTAGGCTAACC  
ACAATTGAGTCTGGGAAGATATTTGTAGCAAAGAATGTGATCCCGGCGGGTTGGA  
AGCCTGGTCAGACTTATAGAGCACTTGGAAATTTTATTAA

### Nucleotide

>CarEXPB-07

ATGGCTCATACTTAAATGTGCATTCTCTCATATACTCATCCTTGTAGGTTCACT  
CTCAATATTACTAGTGACCCCTTCCTCTTGTTTTAGTCCCAACAAAGTTGTTAATG  
TACTTTCATCTAATTCTAATTGGTCACCTTCAGTGGCCACTTGGTATGGACCTCCC

ACCGGAGATGGAAGTGAAGGTATATATAGTAAATATTTTTGTTTCATAATTAATAT  
GTATAGTTTTAAATTCCATTATTGTAAAGATACAAAATATAACCATATAGTGGTT  
ACAATATTATGGAAATTA AAAAATTCAATGACTATATTTGATGATTATGTAGG  
TGGTGCTTGTGGATATGGAAATGCTGTTGGACAACCTCCATTATCTTCAATGATAT  
CAGCCGGAAGCCCTCTCATCTATCAATCGGGCAAAGGCTGTGGTTCTTGTTATGA  
GGTGCTAATAATTAATAACAATTACTGCCTCAAATAACAATTAATAAAAATTATTA  
TACTAAAATAAAGTAAAAATAATAACGACCAAATTCAAGATACAAAAATAAA  
TTCCAATTTTAAACATGTAAATTA AAAATTTTATCAACATAATTTTTTTTACTAGATTT  
TATCAACATAATTTGGAAATTGTTTATTTCTATACGTAACATTGTTATTAATAGTG  
TCAGTTCAATAATAAAAGATTCTTTTTGTCAAATATATTATAACTTTAAATATGT  
TATTACTAAATTGTTTAATAAATCTTTAATTCATAATAATTTATTTTCCTCAATTT  
TATAAATTA AAAAAAAGTGAAGTGCATTGGAAATCCTGCATGTTCAAGGAAATCCT  
GTGACAGTTACTATTACCGATGAGTGTCTTGGTACTTGTGGATCAGATTCTCCATA  
TCATTTTGATTTGAGTGGTAGAGCTTTTGGTGCCATGGCAAATTCAGGTCAAGAT  
GGAAATCTTCGCAAGGTTGGAAAAATAGTCGTTCAACATAGAAGGTATTATCTCT  
GTTTCTCTTTAAGCTTTTGTGTTTGTAGAGGTTTTTTTTAGGGTTTTATTTATGTGTCA  
TTTTAATGTTTTAAGGTTATATTGACCATTACTTTTTTGTTAATATATAAATTGTT  
TTAATCATAAAAAAATCTAAAATAGTCAACGGGGTCATAAAAAAATTAGACAA  
TTTTATGTTTATGTTTTTATTTTTATCTTTTTAAATGTAAACAACCTTAATTAATTG  
AGTAAAAAATAAAAATAATTTACTTTCAACATTTAAGTATTTTGTTTACAATATTG  
CAATTATATAAACTATTGATTCTTTAATGCAGAGTTCCATGCATTTACAATGGTGT  
CTCAATAGCCTTCCACGTCGACTCTAAATCTAACCCATATTATTTTGCTACCGCGG  
TTGAATATGAAAATGGGGATGGTGATCTTAAAAAAGTTGAACTTATGGAAGCATT  
TGGCAACACTTGGGTTACAATGCAACAATCATATGGTGCTGTTTGGAAATATAAT  
AAACAGTCACTACTAAGAGCGCCATTTTCTATTAGGCTAACCACAATTGAGTCTG  
GGAAGATATTTGTAGCAAAGAATGTGATCCCGGCGGGTTGGAAGCCTGGTCAGA  
CTTATAGAGCACTTGGAAATTTTATTTAA