

IDENTIFICATION

Species: *Manihot esculenta*

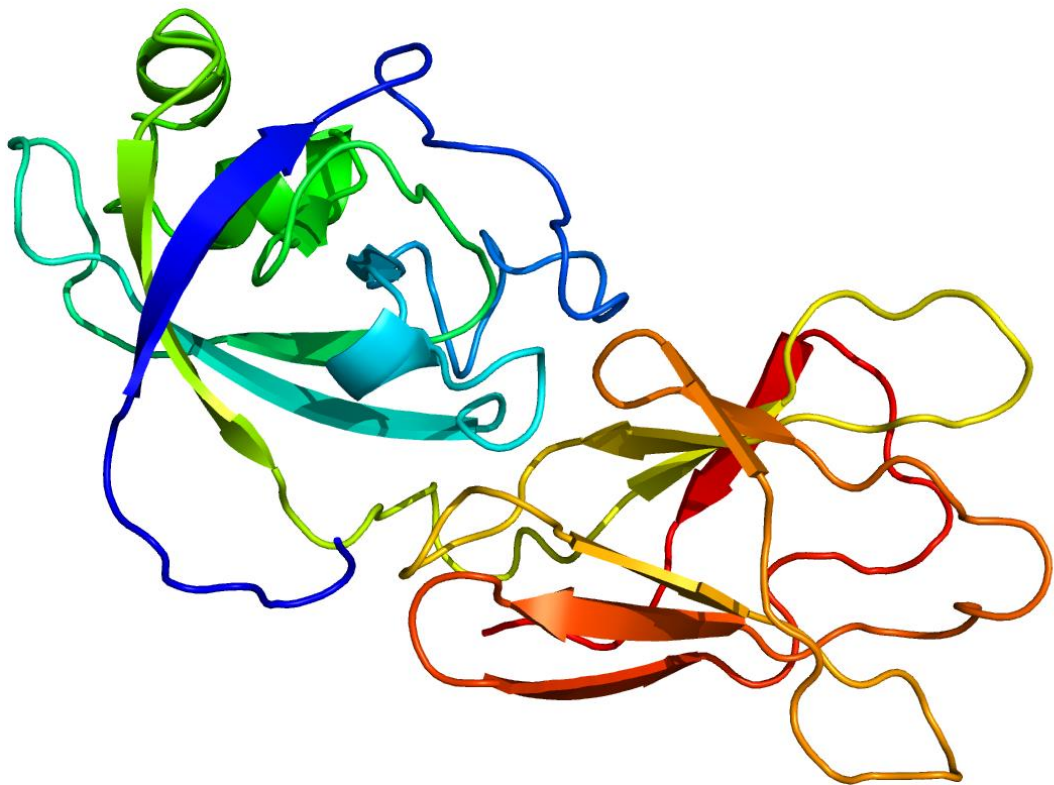
Locus: Manes.04G068200

Gene Model: Manes.04G068200.1

Description: MsEXLA-01

Family: Expansin Like Alpha

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mesculenta_v7_1

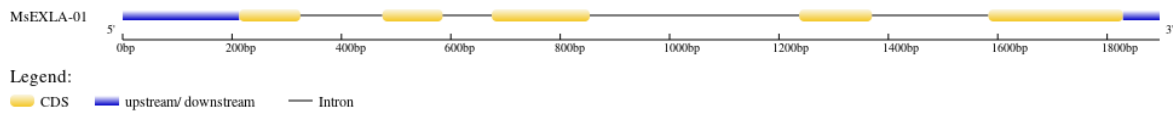
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05761>

EXTERNAL RESOURCES

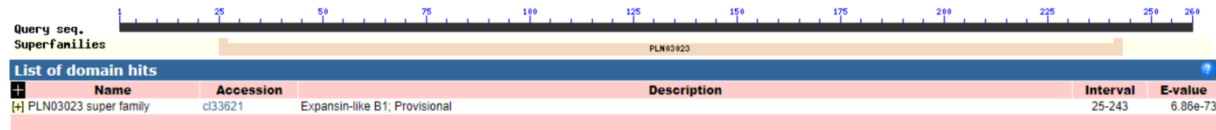
<https://cassavagenome.org/>

<https://cassavabase.org/>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>MsEXLA-01

MSLFLCFLFLVSSATACDRCVHQTRAAAYFSRASALNSGACGYGSMAPGFNSGHLAA
GIPSLYKDGAGCGACFQIRCKDKTLCSSKGTVMMSDLNYYNNQTDVFLSSRAFMAM
ANQGMGRDILKLGIVDVEYKRVPCYKNQNLGVRVEESSQNPNYLAIKLLYQGGQT
EIVAIDVAQVGSSNWGYMSRNYGAVWDTSRVPAGALQFRFVVTAGYDGKWIWAKS
VLPADWKSQVYDSGIQITDIAQEGCSPCDNETWK*

CDS (coding sequence)

>MsEXLA-01

ATGTCTCTGTTTCTTTGCTTTCTTCTTTCTTGTCTCATCTGCAACTGCTTGTGATC
GCTGTGTGCACCAAAGTGGGCTGCTTATTTCTCCAGAGCTTCTGCACTTAATTCT
GGGGCTTGTGGGTATGGTTCATGGCTCCTGGTTTCAATAGTGGACATCTTGCAG
CTGGCATTCTAGTCTCTACAAAGATGGGGCTGGTTGTGGTGCCTGTTTTAGATA
AGATGCAAAGATAAAACCTTTGTAGTAGCAAAGGCACTACAGTGATGATGAGT
GATCTCAATTACAATAACCAGACAGATTTTGTCTAAGTAGCAGAGCCTTCATGG
CCATGGCCAACCAGGGAATGGGCAGAGACATTTTAAACTTGGGATTGTGGATGT
GGAATATAAAAGGGTACCTTGTGAATACAAAACCAGAACTTAGGTGTGCGAGT
AGAAGAATCAAGCCAAAATCCAATTACTTGGCCATCAAATTGTTATATCAAGGT
GGTCAGACAGAAATAGTAGCAATCGATGTTGCTCAGGTCGGTTCTTCAAAGTGGG
GTTACATGAGCCGGAAGTACGGGGCGGTATGGGACACTAGCAGAGTTCCGGCGG
GTGCTCTACAATTCCGGTTTGTGGTTACGGCAGGATATGATGGGAAGTGGATTG
GGCAAAGAGTGTCTCCCTGCAGATTGGAAGTCAGGAGTTGTATACGACTCAGGA
ATTCAAATTACTGATATTGCGCAAGAGGGTTGCTCTCCCTGTGATAATGAGACTT
GAAATAG

Nucleotide

>MsEXLA-01

GTGTTTCTGCAAATGCTCGTCTCTTTCTTCTTTATGCGTATTATATACTTCTCCA
CACACTCAAAAATTTGGACAATCCAAGTCAAATGCTGACCTGTATTCCAAA
TTCTCAGGCACCATTCTCCGGATATAAATAGACCTGGTTTCTTCTTTGCTTCTTGT
CTTCTCTGCTCATTTCTCTTTTACATTTTCGTCTGATTCAAATGTCTCTGTTTCT
TTGCTTTCTTCTTTCTTGTCTCATCTGCAACTGCTTGTGATCGCTGTGTGCACCA
AACTAGGGCTGCTTATTTCTCCAGAGCTTCTGCACTTAATTGTAAGAGTCTCCTTT
TTTTTTTTTTTTTCTGTTGTTTTGATTGGTCAATCTGCTTATTGTTTATTAAAAA

CATGAAATTTGAACATACCCAGATGATAATTTATTGAGATTTTTGGTGGGTAATA
TTTTTTTTATGGAATTTTTGCAGCTGGGGCTTGTGGGTATGGTTCCATGGCTCCTG
GTTTCAATAGTGGACATCTTGCAGCTGGCATTCCTAGTCTCTACAAAGATGGGGC
TGGTTGTGGTGCCTGTTTTCAAGTTTTCAATACCTTCTTTAGTTCTTATTTTGGTTAG
TTAATTTCTTTCTTCTGGAATTTTTCAATTAATTTGTTTTGGTATTTTGGCAGAT
AAGATGCAAAGATAAAACCCTTTGTAGTAGCAAAGGCACTACAGTGATGATGAG
TGATCTCAATTACAATAACCAGACAGATTTTGTCTAAGTAGCAGAGCCTTCATG
GCCATGGCCAACCAGGGAATGGGCAGAGACATTTTAAAACCTTGGGATTGTGGAT
GTGGAATATAAAAGGTATAATTAGCTATGCCATTCTTGCAATTTTTACTCGTCTAA
ATCAAATTAATAGGATAATGTACTCTGAAATATTGATAATTAATGAATTTAATCC
CTGTAATTGTCCTTTTTTTCTGGTGGTTTGGTTTCACCAGCTCTATAAAGAAACCA
TAATAACGTGGGCCAACATTTTTATATGAAATGGCAGGCAGAAACAATGGAACA
GAGCTAGCCATATTAATTGCTAGTAACGGTCAAATTTTTAACTTCTGCCCATAGA
AAATCGCCCAAACAAATTTATATGATTTATTTATTTTTATTAATTTAAAAAACTTA
ATATCACTTTATTATTCTCGTATTGTATAGTATTATTTTAGTTCTAATTTTATTTA
TTTTCCAGGGTACCTTGTGAATACAAAACCAGAACTTAGGTGTGCGAGTAGAAG
AATCAAGCCAAAATCCAAATTAATTTGGCCATCAAATTTGTTATATCAAGGTGGTCA
GACAGAAATAGTAGCAATCGATGTTGCTCAGGTAAGCCAAACCCTTAAGCTACCC
ACATTGTTTTTAACTAAACCCAAATTTTATACAATTCATTTTGGCAAATCATCGA
GTACATTCAGTGCATTAATGGTGGTGTACCTTCACTCGTAGAAATTCAGTTTTTTC
TTAAATTATGGATATAATATAACGGGTGAATTTAATATTTTGCTTTTAATTTTCTC
AATTTTTTTGTGTGTTTACAGGTTCGGTTCTTCAAACCTGGGGTTACATGAGCCGGAA
CTACGGGGCGGTATGGGACACTAGCAGAGTTCCGGCGGGTGCTCTACAATTCCGG
TTTGTGGTTACGGCAGGATATGATGGGAAGTGGATTTGGGCAAAGAGTGTTCTCC
CTGCAGATTGGAAGTCAGGAGTTGTATACGACTCAGGAATTCAAATTAATGATAT
TGCGCAAGAGGGTTGCTCTCCCTGTGATAATGAGACTTGGAAATAGGATTAATAG
ACAATACACTAGTAAGGCTTGATTTTTGACACGATACGAACTTAATATATACTC
CGT