

IDENTIFICATION

Species: *Arachis duranensis*

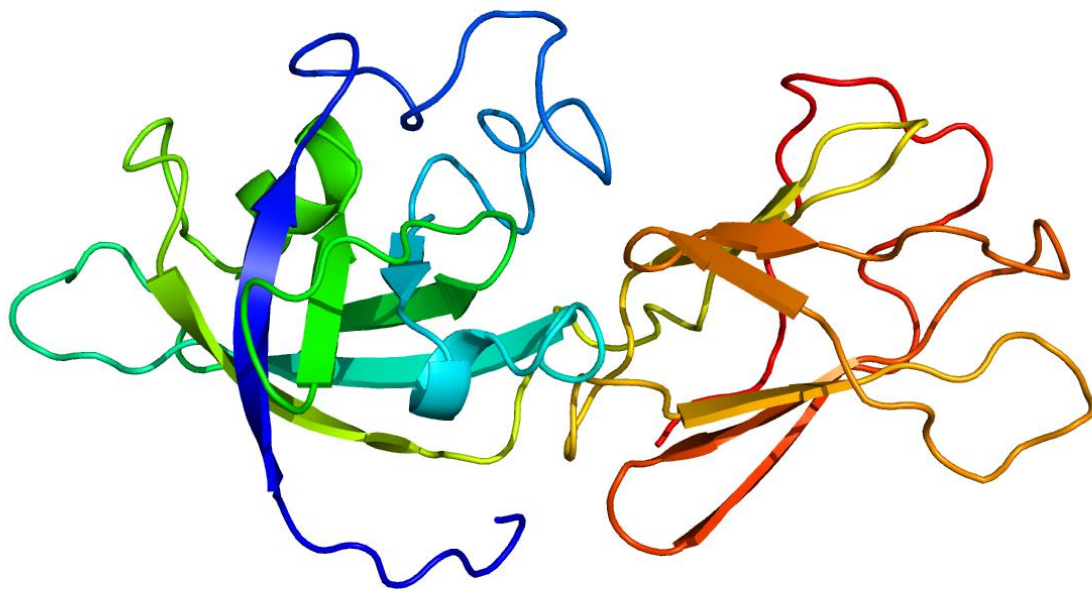
Locus: XP_015968756

Gene Model XP_015968756.1

Description: AdEXPA-16

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

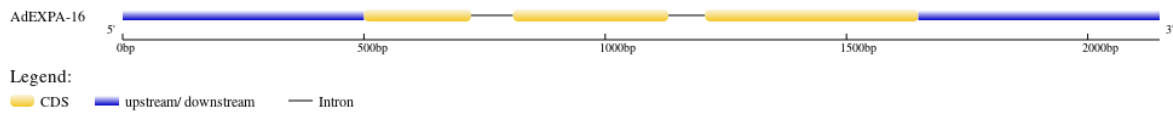
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Arachis+duranensis>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04300>

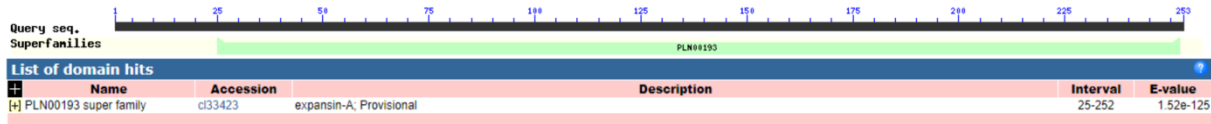
EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/duranensis>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AdEXPA-16

MKTFCFLLCLVLFIAQHRVECEMWQKAHATFYGGADASGTMGGACGYGNLYRDG
YGTKTTALSTVLFNDGKACGGCYQIVCDASQVPQWCLKGTFITVTATNFCPPNYALP
NDNGGWCNPPRPHFDMSQPSFLTIKYYKAGIVPILYRKVGCRRSGGIRFSINGRDYFE
LVTISNVGGVGEIGQVWVKGSKKNVWEEMSRNWGVNWQSLSYLNGQSLSFVQLT
DGRTLTAYNVAPSNWKFGQSFISNIQFN

CDS (coding sequence)

>AdEXPA-16

CATATGATTTTGCCATTTTATGCAGCAAATAATCAAGTACCTTACATTTCTTAG
CTTGATTAGACAAATTAACGGAGATATATATAGAGAGAATGAAAACATTCTGCT
TTTTATTACTGTGTTTAGTGTTATTCATTGCACAACATAGAGTTGAATGTGAAATG
TGGCAGAAAGCTCATGCAACTTCTATGGTGGAGCCGATGCCTCAGGAACAATGG
GTGGTGCATGTGGCTATGGGAATCTGTACAGAGACGGTTACGGTACGAAGACGA
CGGCTCTGAGTACCGTTCTGTTTAAACGACGGGAAGGCATGCGGCGGTTGCTATCA
GATAGTTTGTGATGCAAGCCAAGTGCCGCAATGGTGCCTTAAGGGCACTTTCATC
ACAGTTACTGCCACAACTTTTGTCTCCAACTATGCACTCCCTAATGACAATG
GCGGTTGGTGTAACTCCTCCAAGACCACACTTCGACATGTCTCAACCTTCTTTCTA
ACCATCGCCAAATACAAGGCCGGCATCGTACCCATACTGTACAGAAAAGTTGGGT
GTAGAAGGAGTGGAGGAATAAGATTTAGCATCAATGGAAGGGATTATTTGAAT
TAGTGACGATAAGCAATGTAGGTGGAGTTGGGGAGATAGGGCAAGTGTGGGTAA
AAGGGTCAAAGAAGAATGTGTGGGAAGAAATGAGCAGGAACTGGGGTGTAACT
GGCAAAGTTTAAAGCTATCTCAATGGACAGAGCTTGTCCTTCACAGTTCAACTCAC
CGATGGAAGAACCCTCACTGCTTATAACGTAGCACCTCCAATTGGAAATTTGGC
CAATCTTTCATCTCCAATATTCAGTTCAACTAATTAATCTTGTTACTCAAGAAAGC
CATATGATAAGAGTATTATATTTTGACCTGTTTCAGCGATAAGTGTCTGTGATGTAA
TCATATTACCATGGTAAATTTTCAAGTCTGTAAACTTAAAAATGAAT

Nucleotide

>AdEXPA-16

AAAGTACTCACAATTAATAATTTTAAATGTTTAACTTATTTTTTGAAAAA
AATATTTTATTAATTTTCATATTTTAAATAAAAAAATCGAACTACAAAATTAATAA

TAATATAAGAATCTAATTA AAAAATATATAAAAATTTAATTATAAATTTAATAAAA
CTATAAAAATATAACGAATAATTA AATCAAAAATAAATTCTAATAAAAAATAAT
ATTAATTGACAGTGAACAGAACAACGGAATAATGGATATTAATGAATGAGTGG
GAGAAATATTAGTCTATACTAATTTAATATCCACTATTATGCATTTATGCTATAA
TAAAAGAAAGTTGTTACATTCATCATGCATATATCATTTTCTTTTGTCTTTTCATTTT
TAACATACAATTATCTAATCTTGAATTAGCTTGTTAGTTTTATGTCATCCTGATTA
TTTTAAAATGAAGATAAAAACAATGACAACAAGCAGCATGAACTTCTATAAATTA
CCATATGATTTTGGCATTTTATGCAGCAAAAATAATCAAGTACCTTACATTTCTTA
GCTTGATTAGACAAATTAACGGAGATATATATAGAGAGAATGAAAACATTCTG
CTTTTTATTACTGTGTTAGTGTTATTCATTGCACAACATAGAGTTGAATGTGAAA
TGTGGCAGAAAGCTCATGCAACTTTCTATGGTGGAGCCGATGCCTCAGGAACAAT
GGGTACCTAACTTATATAATCAAGATTATTCAACTTGATATGTTTTTTGTTCCGGAT
TCATTAACTCATCGTTGTGAGTTCTTGTTGTAGGTGGTGCATGTGGCTATGGGAAT
CTGTACAGAGACGGTTACGGTACGAAGACGACGGCTCTGAGTACCGTTCTGTTTA
ACGACGGGAAGGCATGCGGCGGTTGCTATCAGATAGTTTGTGATGCAAGCCAAG
TGCCGCAATGGTGCCTTAAGGGCACTTTTCATCACAGTTACTGCCACAACTTTTGT
CCTCCAACTATGCACTCCCTAATGACAATGGCGGTTGGTGTAACTCCTCCAAGAC
CACACTTCGACATGTCTCAACCTTCCTTTCTAACCATCGCCAAATACAAGGCCG
CATCGTACCCATACTGTACAGAAAGTATGTCCGTTACATGATAATTTAGTTAAAT
ATATTA AAAAAAAAAAGTCCAATCCTAACATATATTTAATTATGCAGAGTTGGGTGT
AGAAGGAGTGGAGGAATAAGATTTAGCATCAATGGAAGGGATTATTTTCGAATTA
GTGACGATAAGCAATGTAGGTGGAGTTGGGGAGATAGGGCAAGTGTGGGTAAAA
GGGTCAAAGAAGAATGTGTGGGAAGAAATGAGCAGGAACTGGGGTGTAACTGG
CAAAGTTTAAGCTATCTCAATGGACAGAGCTTGTCTTCACAGTTCAACTCACCG
ATGGAAGAACCCTCACTGCTTATAACGTAGCACCCCTCCAATTGGAAATTTGGCCA
ATCTTTCATCTCCAATATTCAGTTCAACTAATTAATCTTGTTACTCAAGAAAGCCA
TATGATAAGAGTATTATATTTTGACCTGTTCAAGCGATAAGTGTCTGTGATGTAATC
ATATTACCATGGTAAATTTTTCAAGTCTGTTAAACTTAAAAATGAATAAATAAT
AATAAAAAAATATGTTAGGAAAATAATATGCGCCAGGCTCTTTTTTTAAGTCCAT
GTTTTTACTTTCAATCGAAGCTAAATCAATCAATAATATACCAAAAAGACAATTA
AATGCTATTAATCTTTGTTTCGAAAACAAAATATTTTAAAAATAAAAAAAAATGT
CAATGTTTCATGTCCATGCATATTTTCTAAAACCTAGCTCCACTCACCATGTTTCATG
GAAGTTCAAGACAACCCAACTTCCGTGTCCAAAACCTTCTATTTTGTTTTTGATT
TATTGTGTTTATATGTGATAAGACACTGGTATGTAAAAGCTTGTAGCAACTGATA
ATGACACAATTATATTATATATAGAAAAAGTAAAAACTTCTTATTATTCAATT
CTCTATACGTACACTTATCCTCGTTTCAATGGACTCAAATGGAAAAAATGCAACC
ACTAAATGATCTTACGTATAGATCAAGAATCACTTGGTGGAGGCCAGGTG