

## IDENTIFICATION

**Species:** *Mimulus guttatus*

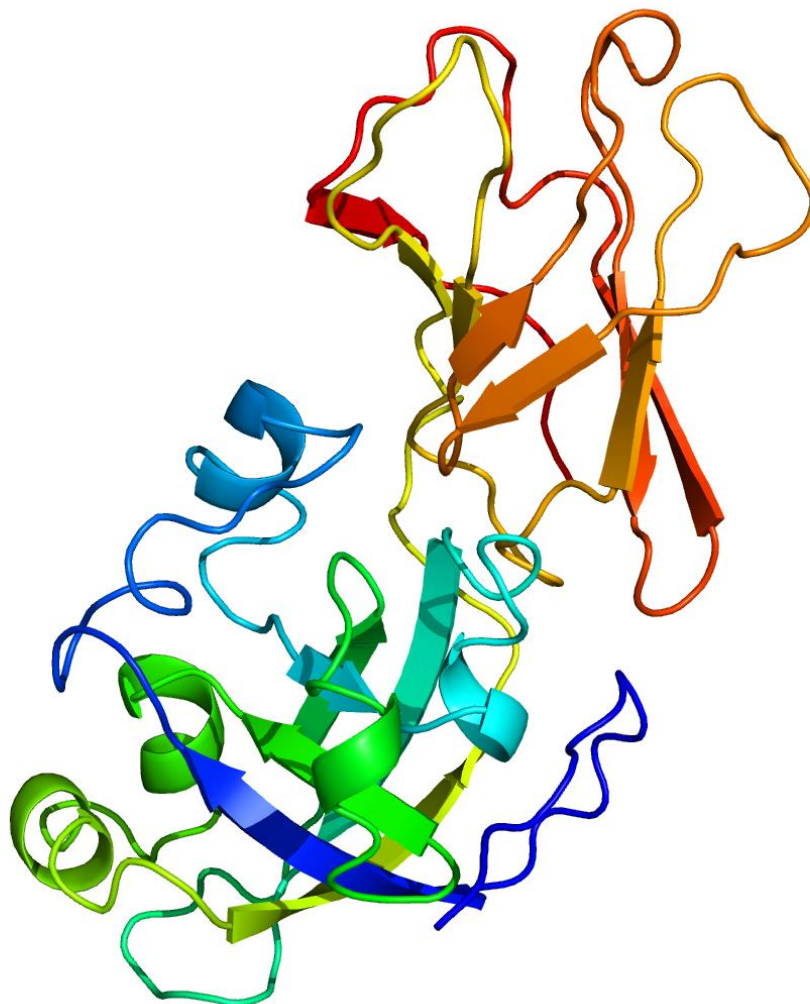
**Locus:** Migut.F01696

**Gene Model:** Migut.F01696.1.p

**Description:** MgEXPB-12

**Family:** Beta Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

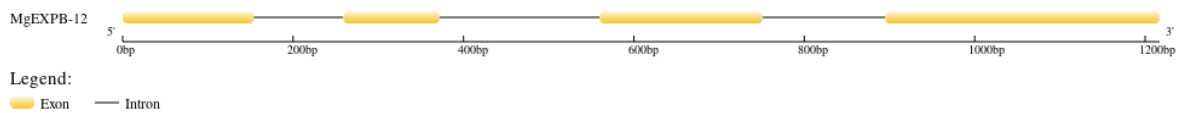
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mguttatus\\_v2\\_0](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mguttatus_v2_0)

KEGG:-

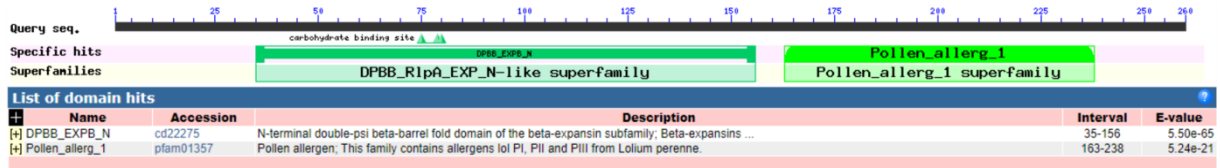
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>MgEXPB-12

MFTYKLIVVSILLVQINYCICVNSQSVNNSFGGGFSVAVATWYGSPEGAGSGGACGF  
ADDVANPPYNGLISAGNQNIKFKHGQCGTCYQVKCTENPECSTYPIKVTITDECPGAC  
NNEAFHFDLSGKAFGYLAKPGQGDALRKRGRINIYQYERVPCSYNTGVTFKIDSGSNP  
NYMAFAIEFVGGDGDIGAVEMHPANSGTLYMQQSWGATWKVGIPVGVKGPYSVKI  
TTIESKN TIYASNVIPANWAPGQYYHSNVNLS\*

### CDS (coding sequence)

>MgEXPB-12

ATGTTTACTTATAAATTAATTGTTGTATCTATTTTATTGGTCCAAATAAATTATTGT  
ATTTGTGTGAATTCACAATCAGTAAATAATTCTTTTGGTGGTGGCTTCTCAGTTGC  
AGTGGCAACGTGGTATGGTAGTCCTGAAGGAGCTGGAAGTGGTGGAGCTTGTGG  
ATTTGCAGATGACGTGGCAAATCCTCCATAACAATGGTCTTATTTCTGCTGGAAAC  
CAAATATATTTAAACATGGACAGGGTTGTGGACTTGTTATCAGGTTAAATGCA  
CAGAAAATCCAGAGTGCTCGACGTATCCGATTAAGTAACAATCACAGACGAGT  
GTCCCGGTGCCTGCAACAACGAAGCATTTCACTTCGACTTGAGTGGAAAAGCTTT  
TGGATATTTAGCCAAGCCC GGCCAAGGTGACGCGTTACGTAAAAGAGGAAGGAT  
TAATATCCAATACGAAAGGGTACCGTGCTCGTACAACACGGGCGTAACATTCAAG  
ATCGACTCAGGTTTCGAACCCTAATTACATGGCTTTCGCGATTGAGTTTGTGGGTG  
GAGATGGTGACATTGGTGCGGTTCGAGATGCACCCTGCGAATTCGGAACGTTGTA  
CATGCAACAATCTTGGGGCGAACGTGGAAAGTAGGGATAACCGTCCGGGTTAAA  
AGGTCCGTATTCCGTGAAGATAACTACCATCGAATCCAAGAATACGATTTACGCT  
TCCAATGTGATTCCGGCTAACTGGGCTCCCGGCCAGTACTATCATTCGAACGTGA  
ACCTTTCTTGA

### Nucleotide

>MgEXPB-12

ATGTTTACTTATAAATTAATTGTTGTATCTATTTTATTGGTCCAAATAAATTATTGT  
ATTTGTGTGAATTCACAATCAGTAAATAATTCTTTTGGTGGTGGCTTCTCAGTTGC  
AGTGGCAACGTGGTATGGTAGTCCTGAAGGAGCTGGAAGTGGTAATAATTATTTA  
ATGTTAAAAGAAATATATTTAATTAACAATTATATATAAAAAAAAAAATTAAATAA  
AAGATAATACTAATTATGTTTTATTGTAATTTCCAGGTGGAGCTTGTGGATTTGCA  
GATGACGTGGCAAATCCTCCATAACAATGGTCTTATTTCTGCTGGAAACCAAATA

TATTTAAACATGGACAGGGTTGTGGGACTTGTTATCAGGTTCAAATTAATTTAGA  
TAATTAACAACTTAATTCTCTCTATTAATTTAATTTATACATAATGTAATTTTTGC  
AAGTAAATTTTTAAAATTATTACCTATTTGTTTATTTATTTAATTTGCGGATATAAT  
CGGTTCAAGTTATCGTATAATATATATACATGATATGAATCAATTATGTCGTTTTA  
GGTTAAATGCACAGAAAATCCAGAGTGCTCGACGTATCCGATTAAGTAACAATC  
ACAGACGAGTGTCCCGGTGCCTGCAACAACGAAGCATTTCACTTCGACTTGAGTG  
GAAAAGCTTTTTGGATATTTAGCCAAGCCCGGCCAAGGTGACGCGTTACGTAAAAG  
AGGAAGGATTAATATCCAATACGAAAGGTATATATATATATATATATTAGGGTTTTT  
CATATTTTTTTTATTCGAGTTGAAATCTAGAGTAATTTGTATATAATTCAAAACATA  
TATACACTCTAATAATAGTTTAGAAAAATAATTTGTGGAGAGTTTCGCGATTTCTT  
GTAGGGTACCGTGCTCGTACAACACGGGCGTAACATTCAAGATCGACTCAGGTTC  
GAACCCTAATTACATGGCTTTTCGCGATTGAGTTTGTGGGTGGAGATGGTGACATT  
GGTGCGGTTCGAGATGCACCCTGCGAATTCCGGAACGTTGTACATGCAACAATCTT  
GGGGCGCAACGTGGAAAGTAGGGATACCCGTCGGGGTAAAAGGTCCGTATTCCG  
TGAAGATAACTACCATCGAATCCAAGAATACGATTTACGCTTCCAATGTGATTCC  
GGCTAACTGGGCTCCCGGCCAGTACTATCATTCGAACGTGAACCTTTCTTGA