

IDENTIFICATION

Species: *Amaranthus hypochondriacus*

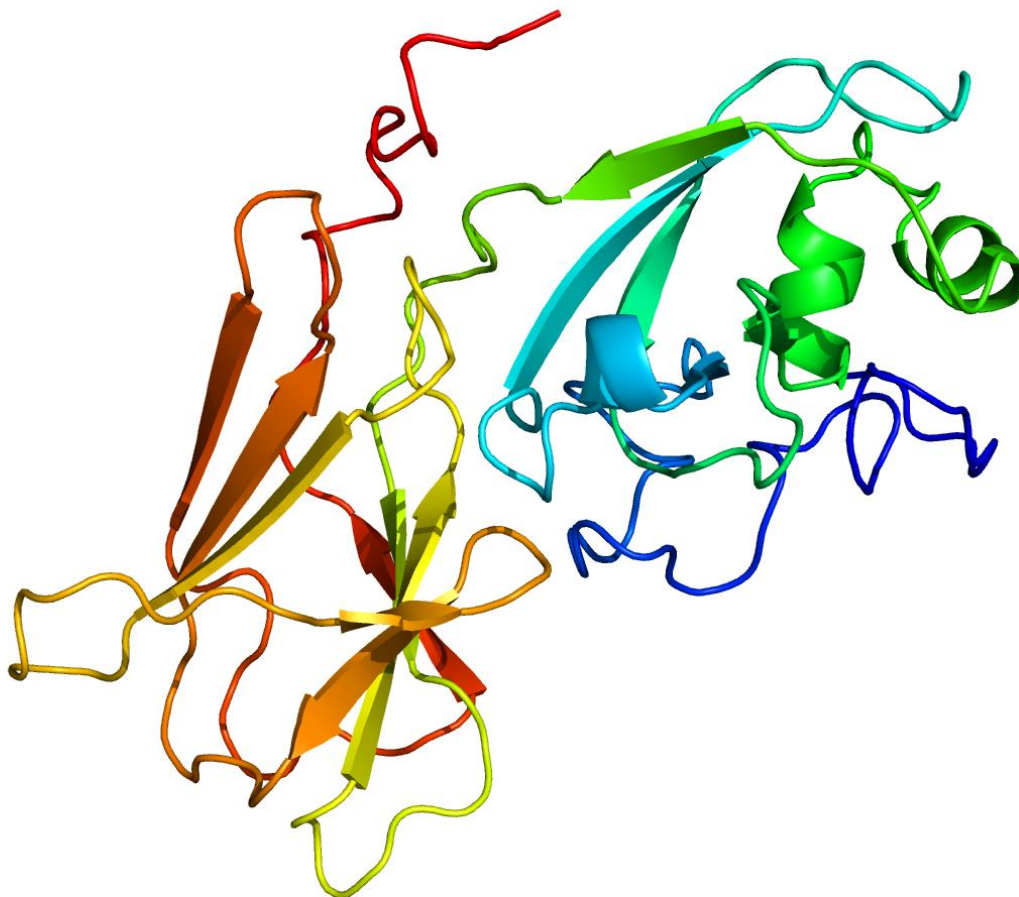
Locus: AH000762

Gene Model: AH000762-RA

Description: AhyEXLA-03

Family: Expansin Like Alpha

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Ahypochondriacus_v2_1

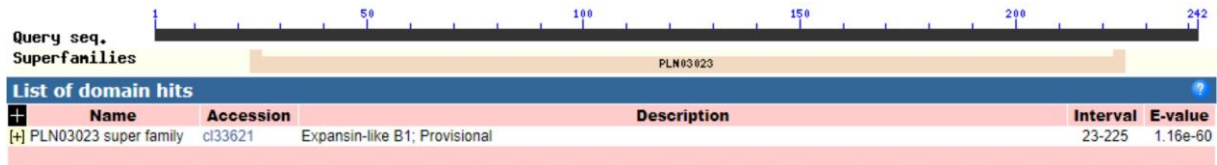
EXTERNAL RESOURCES

<https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=amaranthus+hypochondriacus>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AhyEXLA-03

MAFIVLMSFLFMILSSASACDPGSCGYGQLAPTFNGGLLAAGGPSVYRDGAGCGACF
MVRCKHPGLCKNEGTKVMVTDSHGDNSRDFVFSKMALEAMAYNAKSKNLLKLGE
VDIEYKRVACDFQYRNLAIRVEEASNKPYLAVKILYQGGQTEILAVDVAPVGSWS
WSPMRRYGA VWDFQKMLSGPLKFRFLVKSQVTKYKYYETQKVLPSYWKSGIYDAG
FQFKDIAQEYCPRCDFST*

CDS (coding sequence)

>AhyEXLA-03

ATGGCTTTCATTGTTCTAATGAGCTTTCTCTTCATGATCTTGTCATCTGCCTCTGCC
TGCGATCCCGGATCATGCGGATATGGACAGCTGGCTCCCACTTCAATGGGGGAC
TACTGGCTGCTGGCGGCCCTTCTGTTTATAGAGATGGTGCTGGTTGCGGTGCCTGC
TTTATGGTGAGATGTAAGCATCCTGGACTGTGCAAAAATGAAGGGACCAAAGTG
ATGGTAACTGATTCTCATGGTGATAATAGTCGTGACTTTGTCTTTAGTAAAATGGC
TTTGAAGCAATGGCTTACAACGCCAAGTCCAAAAACCTCCTTAACTTGGTGAA
GTAGACATTGAGTACAAGAGGGTGGCCTGTGATTTCCAATACCGCAATCTAGCTA
TAAGAGTGGAAGAGGCCAGCAATAAACCTATTACTTGGCTGTTAAGATATTATA
TCAAGGTGGTCAAACCTGAGATTCTTGCAGTTGATGTGGCACCAGTGGGTTTCATGG
AGCTGGAGTCCAATGAGAAGAATCTATGGTGCAGTATGGGACTTTCAAAAAATGT
TATCAGGCCCTCTTAAATTTAGGTTTCTTGTTAAATCTGGAGTTAAAACCAAATAT
TATGAAACTCAGAAAGTATTGCCTTCTTATTGGAAATCTGGAATTATTTACGACG
CTGGCTTCCAATTTAAGGACATTGCCCAAGAATATTGTCCTCGTTGTGATTTTACG
ACG

Nucleotide

>AhyEXLA-03

ATGGCTTTCATTGTTCTAATGAGCTTTCTCTTCATGATCTTGTCATCTGCCTCTGCC
TGCGATCGTTGCTTGCATCGATCCAAAGCTACTTACACCGATCATAAGTTTACATG
TAATTATCTTCATTTTCCAGCTCATATAAATTTTTTATTATTAGAGTACATATAATA
ATATACTGGCGCCTTAACCATTAGATTAAGCATTTTGGTTGAGATTAGCATTTGAT

CACATGATATCAGAGGCCATTTTTACAAAAAGGCATGATATGTTATACACACTTA
TTTTCTATCTTCATATAAAATATAAGGTCATGCATGAGCAAGAGTTCATAACAAC
TTGTTAAGATAATGGATAACCTAGAAATATTTTCTTAAGAGATTAAAGATCAATC
TATTGTTATTATTTTCATGTATTAGTCTTATTCTTTGAATTTATGCTATATGTTTAG
ATGAATGTATCAGTCTAGTTGACAAGGTTTTAATGTTGAAAATTTTTACTATATGA
GATTTTTTATAATTCATTTAAATGGTAAAAAAAAAAATTATGTTTGCGGCTATAAGT
TGAGCAAAAATAGTATTAATTGTTTCTTTACTTTTTAAATAAAGAATTTGATTAAAT
TTCACGAGTTTGCATGATGCAGCCGGATCATGCGGATATGGACAGCTGGCTCCCA
CTTTCAATGGGGGACTACTGGCTGCTGGCGGCCCTTCTGTTTATAGAGATGGTGCT
GGTTGCGGTGCCTGCTTTATGGTATGTTCTCTATCATTGTAACAGAGAGAAGATAT
AGTACCTTTGTTTCATTACCGATAGTGATAGTGAGATTTTTCCAGACAATAAGCTG
TAAGTATTTTAGATCAAAAGATAAATTTATTATAAGCTATCCCAAAATATGAAGG
TTTTGAATGTTTGTGCGATAAAACGAGCAACCTTGTGGTTCGAACAACAATAAAATT
CAAAAGTTCTATCTAATCGGATATAAATTGTTATAGCTCATTCTGAGAAAATTG
CATATACTTATTTTGACGGTTTTAAATATTTTCACAAAATTTTTAATATAAACCCA
ACAACATATATACTATCAAATAAATAAACAAAATGAAAATCAATTAGACTTTTATA
TCTTTAACTCATTAAAAAAGGCTAATGAACCATTTAACTTTTTAATGGTTTCAAAT
AATTGTCACGAATTAGTTAATGATTTTTATAATTATATAGGTGAGATGTAAGCATC
CTGGACTGTGCAAAAATGAAGGGACCAAAGTGATGGTAACTGATTCTCATGGTG
ATAATAGTCGTGACTTTGTCTTTAGTAAAATGGCTTTGGAAGCAATGGCTTACAA
CGCCAAGTCCAAAACCTCCTTAACTTGGTGAAGTAGACATTGAGTACAAGAG
GTAATAAATAATTTACTTCTATTTTTAAATAACACAATTACAATTATGGAGTATTT
AATTATATGCAATTTCAAGTATTAACCTTTCATTTTCTTAATTTAAAATTATAAAAA
TTATAAATAACATTACTAGTTACATATTTAATTTCTTCTTTTCAATTGTGTATACTT
ATTAATTGTGTGCTGGCTTACGATATAGGGTGGCCTGTGATTTCCAATACCGCAAT
CTAGCTATAAGAGTGGAAGAGGCCAGCAATAAACCCCTATTACTTGGCTGTTAAGA
TATTATATCAAGGTGGTCAAACCTGAGATTCTTGCAGTTGATGTGGCACCAGTAAG
TTTAGACAGTTTAAACAATAATAATATTATATATTACCTTGCCTAATTGTCCCGTT
TAGTTTTTTGCATTTTTCAAGGCAATATTTTTACACTTATATCTTAAATGATTCTTA
ATTATAAAAATTTGATATTAATAATCCTTGTATTGAGACGAATCAAATAAAAATCT
CACATGACTATGTTTTAACTAACAGATTAAGTAAAATATAAATTAAGAGTGAT
AAGTGAATAGTACAACAAAATGAGACAGTTAAGCTGAATAGGAGGGAGTATTA
TATTTTTTTGACTTTTTAGTTGGTTTGACTTCTCCTATTAGCTACTAAGTCAACTT
TTAACTTAATTGCTCACTTTTAATTAATGAAGATGTGGTCAAAAAAAGTTATTAG
GTACTCATTAATTATTTTATTAATTCATGAAAAGTGGGCTGAAAATCCAAAAGCT
AATAAAGATTGGCTTTTCCATTTTGCTCAAAGTAGATTTTTTTTAAATTTAAAAGT
CATTTTCTAAATAAATTTTTAGATTTTAAACCAACAAAATTCAGAAATCAACTAAT
GATATAGTGAAGAGTCATTTATCAAACAAAATTTTCATCTTTAAATATAATGTAGT
ATTAGTAAAGTAGCTTGCTCTTATTACTCCTATCGTACAATATATATTATAATTGA
AATTCATAATTTTCATATAAAATACTTATTCCCAAATACTACATTAAGTATTTGGC
GACTATAAAATTATTACTCCTACGTACATTATTATACAATAGTGATGAATGACAT
ATCTTTTGGTCTTTTTTCTGTACGAATTAAGGTGGGTTTCATGGAGCTGGAGTCCA
ATGAGAAGAATCTATGGTGCAGTATGGGACTTTCAAAAAATGTTATCAGGCCCTC
TTAAATTTAGGTTTCTTGTTAAATCTGGAGTTAAAACCAAATATTATGAACTCAG
AAAGTATTGCCTTCTTATTGGAAATCTGGAATTTTACGACGCTGGCTTCCAATT
TAAGGACATTGCCCAAGAATATTGTCCTCGTTGTGATTTTAGCACG