

IDENTIFICATION

Species: *Olea europaea*

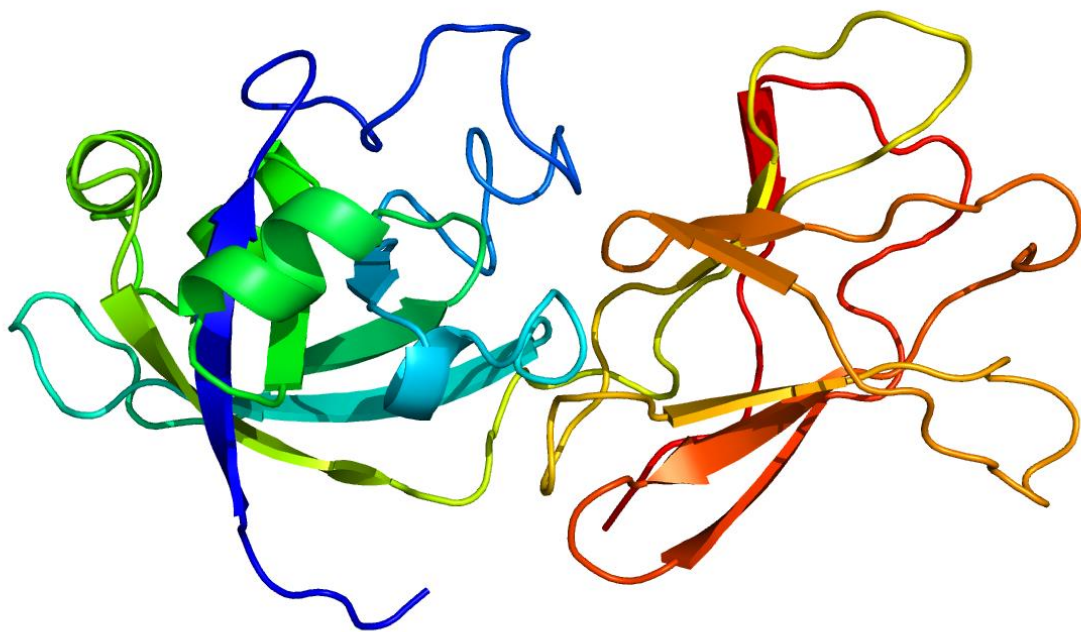
Locus: Oeu021696

Gene Model: Oeu021696.1

Description: OeuEXPB-04

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Oeuropaea_v1_0

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05244>

EXTERNAL RESOURCES

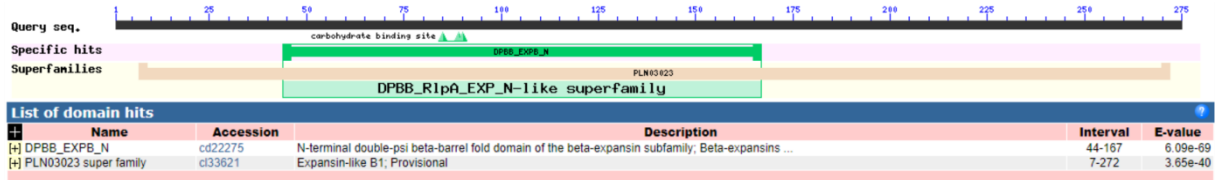
<http://olivegenome.org/>

<https://genomaolivar.dipujaen.es/db/index.php>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>OeuEXPB-04

MASLSQFSFSHLLVFILLAFFCFSNLCFCFKPKHFNLSLQAVHWSSAGATWYGSPDGA
GSDGGACGYGNIVSQAPFSSLVTGIGPSLYNSGKECGACYKIKCTKHPMCSGKPV
VITDFCPGGPCTSESAHFDLSGTAFGSMAIQGEENKLRDAGVLQIRYARVVC
DYSGKTIMFHVDPGSNHEYFAVEVEFEEGDGLARVDLLQASSEPD
EWWEMNQSWGAVVQLNAGTELHPPFSIRLTSHYSGQTLVAKNVIPIGWQPGATYRSLINYL*

CDS (coding sequence)

>OeuEXPB-04

ATGGCAAGTTTATCCCAATTCTCCTTTTCCCATTTGCTTGTCTTCATTCTACTTGCC
TTCTTTTGTCTTCTCCAACCTGTGCTTCTGCTTCAAACCCAAACATTTCAATCTATCC
ACTCAAGCTGTGCATTGGTCATCCGCCGGCGCTACTTGGTACGGTAGCCCTGATG
GTGCCGGAAGTGACGGAGGAGCCTGCGGATATGGAAACATAGTGTCAAGCAC
CATTTTCTTCTCTTGTCACTGGAATTGGCCCATCCCTCTACAACCTCAGGCAAGGAA
TGTGGAGCTTGCTATAAGATAAAATGTACAAAGCACCCGATGTGTTCCGGCAAAC
CAGTGAGGGTCGTTATCACAGATTTTGTCCCGGAGGCCCATGCACATCGGAATC
AGCTCACTTCGATCTAAGTGGAACAGCATTGGTTCCATGGCCATCCAGGGTGAA
GAAAATAAACTTCGCGATGCAGGAGTATTACAAATTCGATATGCAAGGGTTGTGT
GTGATTATTCGGGGAAGACCATCATGTTCCACGTGGATCCGGGGTCCAATCACGA
GTATTCGCGGTGGAGGTCGAGTTCGAAGAAGGAGATGGAGATCTTGCTAGGGTT
GATCTGCTGCAAGCATCAAGTGAACCTGATGAATGGTGGGAGATGAATCAATCAT
GGGGTGCAGTGTGGCAATTGAATGCTGGTACAGAATTGCATCCTCCATTTCAAT
CAGGTTGACATCTCATTATTCTGGCCAAACCCTAGTGGCGAAAATGTAATTCCG
ATTGGCTGGCAGCCTGGTGCTACTTATAGATCCCTAATTAACCTACCTTTGA

Nucleotide

>OeuEXPB-04

ATGGCAAGTTTATCCCAATTCTCCTTTTCCCATTTGCTTGTCTTCATTCTACTTGCC
TTCTTTTGTCTTCTCCAACCTGTGCTTCTGCTTCAAACCCAAACATTTCAATCTATCC
ACTCAAGCTGTGCATTGGTCATCCGCCGGCGCTACTTGGTACGGTAGCCCTGATG

GTGCCGGAAGTGACGGTATGTCAAAGATTAAGTTTAAATATATTAATTTGTTTCGT
CCTCCATATCAACTCAAACCTTTTAAATGAAACGATTCAATATCGTAATAAAAGTC
CTGAGTTCAAGTTAAGGTTCTTCTCATTACGAAATTTGTGTACATAAAACAAGC
GTGTTGATTTAAAGCAGTAAGGTAGTCATGGTGTACGAATAGCTTATGTTAAGT
ATACTAAAGAGTGACATAATATCATTGCACGCAGGAGGAGCCTGCGGATATGGA
AACATAGTGTCAACAAGCACCATTTTCTTCTCTTGTCACTGGAATTGGCCCATCCCT
CTACAACCTCAGGCAAGGAATGTGGAGCTTGCTATAAGGTATATACAAATCACCCA
GTTCTGTAAAACTTTTGAGATATATTTAGTACACAGTATTAGACTGGAATGAAC
ATAAAGCACAAACCGTGTAAAGTTTTTAATGCATTTAACATTTTTTCTTTCCTGTTGT
CAATTCAATAGTGTGGACTGTACCTAAAACCTTCAATTAGCCAAATTTATTAAT
AGAGAAAAGGTAAATATATTTATACTATAGTTTTCAATAACTGGACTACATTTA
ATTACATGAGATGTTTATAATTTTTATACGCTATCACATTTATGTCTCAAACCTTTT
TACATCATAATCTTATTATCAAATTAATAAATTGTTCCCGATTATAATTTTTCTC
TAACTTTTCTTTAAGATAGAGTAAAAGGACTCACTTCTCATAATTTTTTGAAT
AAGCAAACAATAAATTGGATTATACTACTTGTACATAAAAAATTTACATAAG
GGATTACATAAAATGAAATGGAGGAAAAAGATTTGTTGAAAAAGTTGATTGTGTT
TCAAACCTGACAAATGATGGCGTGACATGTAGCATTATGTAATTCATTATGTAAG
TTTAATGTACATGTAGCAAAGTCCAATAATACTACATAATGTGATTAATATTTG
ACATTCATTTTAAAGTATGTTAACAACATTTTTGGACAGAGACCAAATTAAGGA
CAAATTTTTCTTATCATTAAATGACAAAAAAGTTATGTATATAAATTTGATAACGA
TAAAGGTTAATGATCTTTAATATAATTAATAAATAGTGTATTTAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATAAAAAAAGTTTAATAACTTTAAAAAATT
AAAAAAGTTATTTAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAGATGATAACCATCCTT
AAGAGAAATAATGACCAAGTTAAAATAATAAAATTTAATATTTATTGTTTTTGT
ATTCTTATATGTGTAATATATTCATGTTCTGATAATTGTTAGATAAAATGTACAAA
GCACCCGATGTGTTCCGGCAAACCAAGTGAGGGTTCGTTATCACAGATTTTTGTCCC
GGAGGCCCATGCACATCGGAATCAGCTCACTTCGATCTAAGTGGAACAGCATTG
GTTCCATGGCCATCCAGGGTGAAGAAAATAAACTTCGCGATGCAGGAGTATTACA
AATTCGATATGCAAGGTAAGTTGACGGCCTATTACCACCAACGACGATGTAAGAA
AATTTCAAATGGCTAACATTTTATTTTGAATATGTTTCAAAAACCTAAAATACTCT
TCGGAAACTCTAAAAAGGTTTCAAAAACCTTCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
ACCTTAATATTTTTTATTTGGATTAATTTTGTGTACATTGGCTTCTGCATAAGGGT
GTCCATAATGGACGCTCAGCGTCTCAACATTGGTCGAGGGCGCCTGTGGGCCCGAG
CGTGACAGGCACCTCGGCCAATGCTGAAACTTCGGGTGTCCATAATGGACATCCT
TATGTAGAAGTCAATGTACACATCTTCTTTTTTATTTTTAAAGAACTATAAATAA
AAAATATAGATAGATTGGAATGGTGGTCATTGACTAGGAATACAATTGACGGTG
GGCTTTAACTTTTTATAAAAAGGCTAACAAATAATTTAGAACTTTTTCCAGTGATA
GAATGAATAACTTTTAATATATATGCCATAATGCATCGAGTTAATATCTTGATTTG
ACAGTTCGAATGGTTCTGTAATTTTTAATATTTGATTAATGTTAAATATTTTTTAA
ATAAATTATTGAATTATAATTGCTATCATATATATTTTCTCTCGTTGTTTTGTGTCC
TTTTGCCAACAAAATAACTCTTCCATATATCATGTATGTTTGGTTTGGTCTATG
CATAAACTAAACTTATAAATATCAAGCATTATTCTCAATTCCTGAAAAACGG
AATTAATACTCTCGTCACATTTAAAAGTTAAAATCCTCAATATCACGACTCCACCT
TGATCATTTTTTGTGGTAGGGTTGTGTGTGATTATTCGGGGAAGACCATCATGTTCC
ACGTGGATCCGGGGTCCAATCACGAGTATTTTCGCGGTGGAGGTCGAGTTCGAAGA
AGGAGATGGAGATCTTGCTAGGGTTGATCTGCTGCAAGCATCAAGTGAACCTGAT
GAATGGTGGGAGATGAATCAATCATGGGGTGCAGTGTGGCAATTGAATGCTGGT

ACAGAATTGCATCCTCCATTTTCAATCAGGTTGACATCTCATTATTCTGGCCAAAC
CCTAGTGGCGAAAAATGTAATTCCGATTGGCTGGCAGCCTGGTGCTACTTATAGA
TCCCTAATTAACCTTTGA