

IDENTIFICATION

Species: *Ricinus communis*

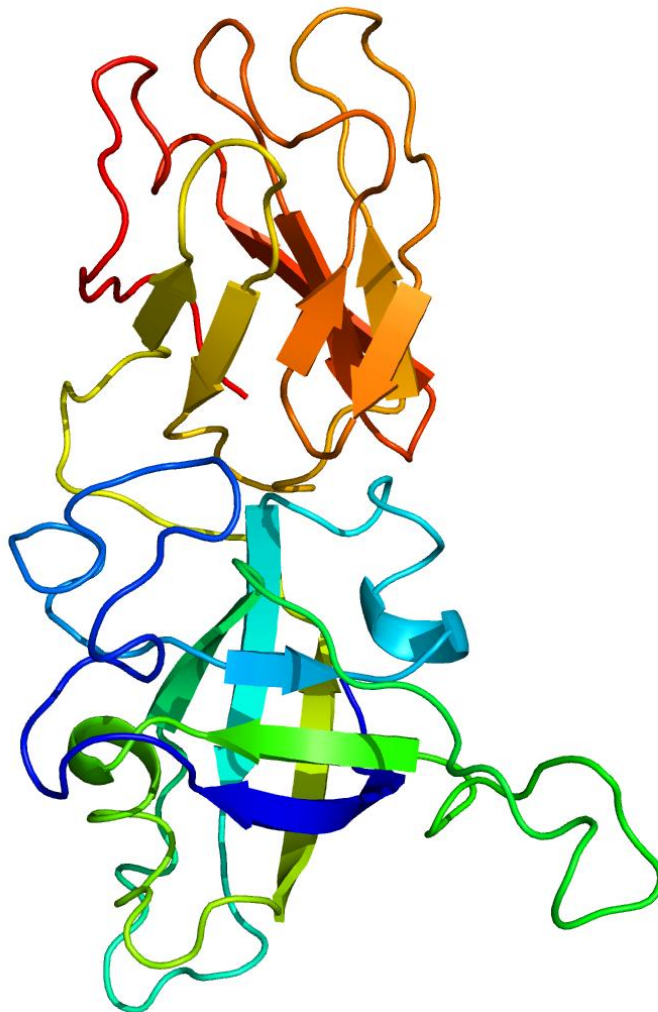
Locus: 29804.m001486

Gene Model: 29804.m001486

Description: RcEXPA-07

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Rcommunis_v0_1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T01087>

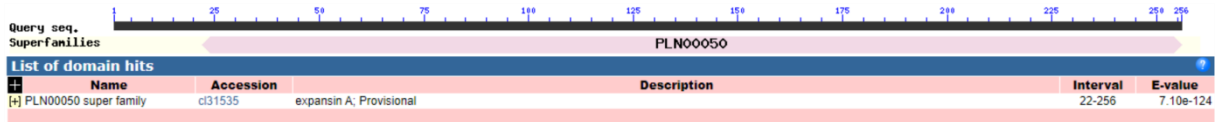
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>RcEXPA-07

MASHQTFSSPSLLLLCSCFLGLQLSGILADYGGWQGGHATFYGGGDASGTMGGACG
YGNLYSQGYGTNTAALSTALFDNGLSCGACYEMKCTDDPKWCLPGTITVTATNFCP
PNPALPNNGGW CNPPLQHFDMAEPAFLQIAQYRAGIVPVSFRRVPCVKKGGIRFTIN
GHSYFNLVLITNVAGAGDVRAVSIKGSKTGWQPMSRNWQNWQSN SYLNGQSLSF
QVTASDGRTLTSYDVAPSGWQFGQTFEGSQF

CDS (coding sequence)

>RcEXPA-07

ATGGCATCTCATCAAACATTTTCTTCACCATCTCTTCTTCTTCTCTGTAGTTGCTTA
TTTGGCTTACAACCTCAGTGGCATTTTAGCTGATTATGGAGGATGGCAAGGTGGTC
ACGCCACCTTCTATGGCGGTGGTGATGCATCTGGCACAATGGGAGGAGCATGTGG
ATATGGGAATTTGTATAGCCAAGGGTATGGAACAAACACTGCAGCGTTAAGCAC
AGCACTGTTCGACAATGGGTTGAGCTGTGGTGCTTGTATGAAATGAAGTGCAC
GATGATCCCAAATGGTGTCTCCCTGGAACCATACAGTTACTGCTACTAACTTCTG
CCCACCAAATCCTGCTCTGCCCAATAACAACGGCGGTTGGTGCAATCCTCCTCTC
CAACATTTGATATGGCTGAGCCTGCTTTCTTCAAATCGCCCAATACCGTGCTGG
AATTGTGCCTGTCTCCTTCAGAAGGGTGCCATGTGTCAAGAAGGGAGGAATAAGA
TTCACCATCAATGGTCACTCCTACTTCAACTTGGTATTGATAACCAACGTCGCGGG
TGCAGGAGATGTTTCGTGCAGTTTCAATCAAAGGGTCTAAAACAGGGTGGCAACC
AATGTCAAGAACTGGGGGCAAACTGGCAGAGTAACTCTTATCTGAATGGTCA
AAGTCTATCCTTTCAAGTCACTGCCAGTGATGGTAGAACTCTCACAAGCTATGAC
GTGGCGCCTTCTGGTTGGCAGTTTGGTCAGACCTTGAAGGAAGCCAATTTGA

Nucleotide

>RcEXPA-07

AATTGCACCTGCCCTTGCATAATAAGGTCCTTTAGCTGTCCTCTAGCTAGTATTGG
GAAAAAGTTAGCAACTTTAGCAATGGCATCTCATCAAACATTTTCTTCACCATCTC
TTCTTCTTCTCTGTAGTTGCTTATTTGGCTTACAACCTCAGTGGCATTTTAGCTGATT
ATGGAGGATGGCAAGGTGGTCACGCCACCTTCTATGGCGGTGGTGATGCATCTGG
CACAATGGGTAAGTTCTAGTTACTCTTAATACCATGTAATTTTGTTACAAGCAATA
TCTATAGAGTGTGTGCCGCAAAAAACAGTTTAAGAAATATTTTTTTAAATATATTT
AGTTTACTATGTCATCAGAAAGCGAACTAATTACATATTGACATATGGTATTAA
TTGCTCAATATAACATTTATATTGTTTGGAGTTATTTATTATCATTAACTCTTATAA

TTAAAAATTAATTAATATAATACTTAATAAAATAAAATATACAGTATGTCTATCTTA
AGCTAATTAATTAATTAGAAATTATATACATATGTGTAAATATCAATCATGGGTTT
TGGGTCTTTTTCTCTTTTTCTTTATAACAAAAGAATTA AAAATTTTTGCAGGAGGAG
CATGTGGATATGGGAATTTGTATAGCCAAGGGTATGGAACAAACACTGCAGCGTT
AAGCACAGCACTGTTTCGACAATGGGTTGAGCTGTGGTGCTTGTTATGAAATGAAG
TGCACTGATGATCCCAAATGGTGTCTCCCTGGAACCATTACAGTTACTGCTACTA
ACTTCTGCCACCAAATCCTGCTCTGCCAATAACAACGGCGGTTGGTGCAATCC
TCCTCTCCAACATTTTCGATATGGCTGAGCCTGCTTTCCCTTCAAATCGCCCAATACC
GTGCTGGAATTGTGCCTGTCTCCTTCAGAAGGTAAAATTTTTTGTTCGATTCT
AAGACACAGTAAATCAGTTACTTTCAAGATCATATTTGGACAAAAGAAAAGTTA
ACAGTTAAAATTTGATCTACAAGCAATGAGCTTTAGTTCAAATGATGTATATGA
GATTCTAAATGATAAAAAGAAAAAATTATACAAATGGAATAAAAAGAAAATTGC
TCATGTTATATGGAACAAGCTATTATCAATGAACATGAATTTTATTAATAATTTGT
TCCAATTTACCACAGTTTTTTCAAATTA ACTTTAAAGTGTTATTCTTTTTTAATTTT
TAAAAATCTAATTATTTTTTTAAAAAATAATAATTGAGATTAGCTTTATTTTAGTT
ATAAAATTTTAAATTATTCTATTTCAATTATTTAAATAAGTTAATTATTTTGTCAAT
AAAAGATTTTAGTATATCACATTTCTTTTTCTTTAATCACTTTTTCTTATTGAGTACT
TTTATTATATACCAATTTTTTTATTTATAAAATGACTATATTA AAAATATAGTTATATT
TAAATAATTAGTATAAAAATAAAATAAATTTTTATTATTA AAAATAGAATTA AATAT
AAAATTTAATAACTGTTTATTTAATCATCCCATGAATTTTCAGTATAGTTAAA AAT
CAGTTTTCTTTAAAATTATTTTTGAAATTACAAAATTA AAAATATGTATAATTCTAA
CTCTAGAATGCTATGTTAAAGGGGACTTTCAATTGTGTAATATTTGAAATTAGAA
TTTGTATGATTTTCTTTATCAAGAATTTTTCTAAATTGTTTCGTTGGCCTAATGAA
CTGCTGTGGTATCGCCAGGGTGCCATGTGTCAAGAAGGGAGGAATAAGATTCACC
ATCAATGGTCACTCCTACTTCAACTTGGTATTGATAACCAACGTCGCGGGTGCAG
GAGATGTTTCGTGCAGTTTCAATCAAAGGGTCTAAAACAGGGTGGCAACCAATGTC
AAGAACTGGGGGCAAACTGGCAGAGTAACTCTTATCTGAATGGTCAAAGTCT
ATCCTTTCAAGTCACTGCCAGTGATGGTAGAACTCTCACAAGCTATGACGTGGCG
CCTTCTGGTTGGCAGTTTGGTCAGACCTTTGAAGGAAGCCAATTTTGACTTCCTAT
ATTTTTCTTATATTTTTTTATTGAGTCTAAAATTTGTATATTTATTTATCTTAGCTTC
TTACGTAGAAGAAGGGAAAAAAGAAAAGAAAAGAAAGAAAGCAAAGTAATTA A
GTGTTTATTTATAGTTTGAGGCTTGAATCTCTGGCCTTATAGAAAAGCTGAGGTTG
CTAAAGTAGCACCCGCTTGGGCCTTCCACATTGAAAAATATATAGTATTTGTAT