

IDENTIFICATION

Species: *Nicotiana tomentosiformis*

Locus: XP_009615126

Gene Model: XP_009615126.1

Description: NtmEXPA-07

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

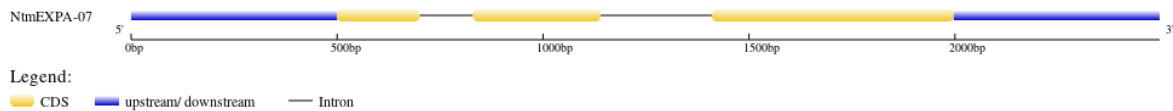
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Nicotiana+tomentosiformis>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T05025>

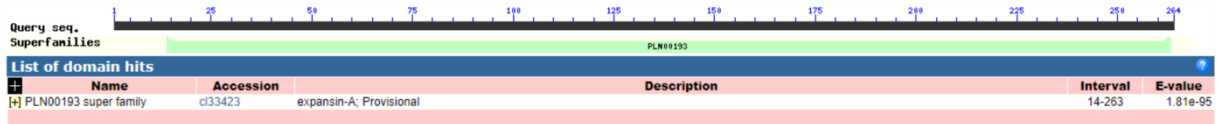
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>NtmEXPA-07

MASFNCRWILSVFLIATMALFHQAIASGYTTTPKFKAMPWKLAYATFYGDETA
SETMGGACGYGNLFSNGYGTASAALSTVLFNSNGYSCGQCFQIQCVKSKFCYK
GFTTVTANTLCPNWAQDSNHGGWCNPPRQHFDMAKPAFMKIAQWKAGIVPV
MYRRVPCIKKDGIRFAFQNGYWLLVYVMNVAGGGDVASMWVKGSKTGWMK
MSHNWGASYQAFATLAGQSLSFKLTSYTNHETIIAYNVAPSNWHVGMTYQAK
VNFH

CDS (coding sequence)

>NtmEXPA-07

AGTGAAACATTAGGAAATTACAAGCAACAATGGCATCTTTCAACTGCAGATGGAT
ATTGAGTGTCTTCCTCATTGCGACAATGGCACTTTTTCACCAAGCAATAGCCTCTG
GCTACTATAACCACCCTAAGTTTAAAGCCATGCCTTGGAAGCTTGCTTATGCCAC
GTTCTATGGAGACGAGACTGCTTCTGAGACAATGGGAGGAGCATGTGGATATGG
GAACTTGTTCAATTCTGGTTATGGAACAGCAAGTGCAGCATTGAGCACAGTACTA
TTAGCAATGGATATTCATGTGGGCAATGCTTCCAAATACAGTGTGTGAAGTCTA
AATTTTGCTACAAAGGATTTACCACAGTTACAGCCACAAACCTTTGCCACCCAA
TTGGGCCCAAGACTCCAACCATGGTGGCTGGTGAACCCACCACGTCAGCACTTT
GACATGGCTAAACCTGCTTTCATGAAAATTGCTCAATGGAAAGCTGGCATTGTCC
CCGTTATGTATCGCAGGGTACCTTGCAATTAAGAAAGACGGGATCCGGTTCGCATT
CCAAGGAAACGGTTACTGGTTATTGGTATACGTGATGAACGTCGCCGGAGGGGGT
GACGTGGCAAGCATGTGGGTGAAGGGAAGCAAAACAGGGTGGATGAAGATGAG
CCATAATTGGGGAGCATCATACCAAGCATTGCAACACTTGCAGGACAATCTCTT
TCTTTCAAGCTCACTTCCTACACAAATCATGAGACTATTATAGCTTACAATGTTGC
ACCTTCTAATTGGCATGTAGGCATGACTTACCAAGCCAAAGTCAACTTCCATTAG
TCACGTAATGAGTTAAATATTGGCTAATGCAGATTAGTCAGATCAGTGAATTTA
AATACTTTCCTCTAATCCTCTAGTAATCATGAGCCTCAACAAAGGCCGGATTTCTT
GGGTTTTCACTATCTAGGTGCCCGAAGGAGTGGTGCTATAGTTTTTACCGCAGC
CTTTAGTTTTATTTAAGATGTTATACCTAGTCTTCAACACCCGTATAAATAAGGA
TTGTACATTTCTGTATCTACTGATCATTTATAGTTACTATAATTTCTCTTT

Nucleotide

>NtmEXPA-07

GCTGCAATGAACGTTGAATTTGTCCTGATTTCCATAATCTACTTGCCACGTATCCA
TGCATACTAAACTCTCTCCTCCTCTTATTATTTTTTAAATTAATTATTCCTTCTACC
CTTCAAGATTTCTTGAAATTATTTGTCGGAAGGCCGATTACAACACTCATACAA
AATTCAGAGAATTTAGAGTCAATTTTAAAGTTCAATGTTAGCCTACATTCTTAGAAC
ATTTCTATTGTTAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAATCTAATGAACAGTTCTGCT
AAGCACAATAGCATAAAACCTGCTCACACGTTGCCAAAAGCAAATTAATGTAG
TTTGGTTACGTGGTATAAAGATAAATAAATTCTATAACAAAAAAGTTGACTTTAT
AGCCTAACATGTTTCGTGGGGGCACGAAGGCTACATTTTCTTATTCCTTACTTAAAC
ACAACTATAAAAGGCTTAAGTTACAAGTCAATTAAGCCATAACAAAATTTTCTG
AAGTGAAACATTAGGAAATTACAAGCAACAATGGCATCTTTCAACTGCAGATGG
ATATTGAGTGTCTTCCTCATTGCGACAATGGCACTTTTTCCACCAAGCAATAGCCTC
TGGCTACTATAACCACCCTAAGTTTAAAGCCATGCCTTGGAAGCTTGCTTATGCCA
CGTTCTATGGAGACGAGACTGCTTCTGAGACAATGGGTGCGTTACACTATAGTCA
ATCAACTATCCCTCGATTCCAACTAATTCAGACAGTTATTGAATTTTAACTTGTT
GTAGCAGATAACACTATCTAATTTTCAGATTACTAATTCCGTTTCGTTATTGTAGGA
GGAGCATGTGGATATGGGAACCTTGTTCAATTCTGGTTATGGAACAGCAAGTGCAG
CATTGAGCACAGTACTATTTAGCAATGGATATTCATGTGGGCAATGCTTCCAAAT
ACAGTGTGTGAAGTCTAAATTTTGCTACAAAGGATTTACCACAGTTACAGCCACA
AACCTTTGCCACCCAATTGGGCCCAAGACTCCAACCATGGTGGCTGGTGCAACC
CACCACGTCAGCACTTTGACATGGCTAAACCTGCTTTCATGAAAATTGCTCAATG
GAAAGCTGGCATTGTCCCCGTTATGTATCGCAGGTATGTCTGTTATGACACGTAA
AATTACACTGAATAGTATATAAAAGAACTCTAAATCAAGAGTTAAAAATCAATT
TAAGGACGAGTAAGTTGCTCTAGTAACAGAACACCTCCATCATCAACTAGTAGGT
TGAAGGTTTCGAGTCATATAACTTTAAGAAATTATTTTATATTTGAACTTTGTCCAT
CCAATTTAAGCTAATCTTGTATCATTCTTGCATCTCTAATGTGGTGATCTCTAAT
GTGGTGTTACTTATTTGTGGTTGCAGGGTACCTTGCATTAAGAAAGACGGGATCC
GGTTCGCATTCCAAGGAAACGGTACTGGTTATTGGTATACGTGATGAACGTGCG
CGGAGGGGGTGACGTGGCAAGCATGTGGGTGAAGGGAAGCAAAACAGGGTGGA
TGAAGATGAGCCATAATTGGGGAGCATCATACCAAGCATTGCAACACTTGCAGG
ACAATCTCTTTCTTTCAAGCTCACTTCCTACACAAATCATGAGACTATTATAGCTT
ACAATGTTGCACCTTCTAATTGGCATGTAGGCATGACTTACCAAGCCAAAGTCAA
CTTCCATTAGTCACGTAATGAGTTAAATATTGGCTAATGCAGATTAGTCAGATCA
GTGAATTTTAAATACTTTCTCTAATCCTCTAGTAATCATGAGCCTCAACAAAGGC
CGGATTTCTTGGGTTTTCACTATCTAGGTGCCCGAAGGAGTGGTGCTATAGTTTT
TACCGCAGCCTTTAGTTTTATTTTAAAGATGTTATACCTAGTCTTCAACACCCGTAT
AAATAAGGATTGTACATTTCTTGTATCTACTGATCATTTATAGTTACTATAATTC
TCTTTGAGTTTTGTAAAGATTCGGGGCTGTGACATTCCAATTAGTGAAAATAAAG
ACACACATTAAGATTGTCCTCAGGGCTAGCGAAAGAGAATCGCACCAAAGCTA
ATTCTAGCAATAATGGACAAATACTATAGTACTCTATAGTCTATACTCGTTTTGCT
CTAATTTATCCATTGAAGATAAGTAGGCAGCACGGATTACGAAATACCCACTAAT
AGTGGTACACAAATACTGAATTTTAAATCTTTCTCTAATCATAAGAGTGGCCTTCT
ATCTAGTCAAGAAGTTAATATGAGAAAATTATTAATACTTGAGATGTATGACAA
TAGAGAAGCAAAATTAAGCTTATTCATCTAATCAACAAATTAAGTGAAATGCACA
AAGTTCGTTCAAAGTGTCTGCTAGGGAATCTTATCATCATTCTCATGTATATGTT
ATGTTAAGAAAATGGACCTAACTCAACCCAAAGAAAAGATGCTTATTTTATGTAT
AGAATGTG