

IDENTIFICATION

Species: *Arachis duranensis*

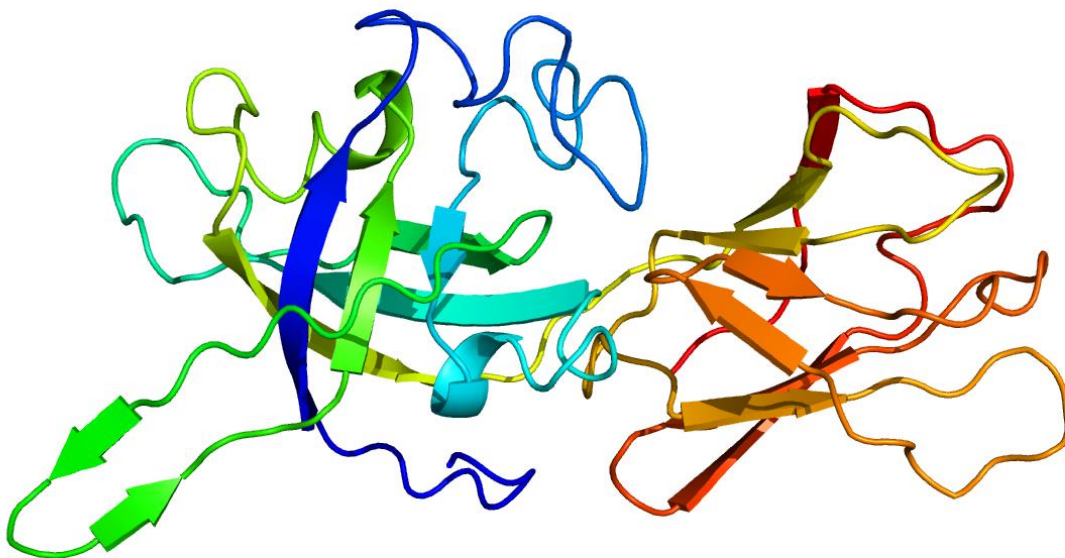
Locus: XP_015962303

Gene Model XP_015962303.2

Description: AdEXPA-13

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

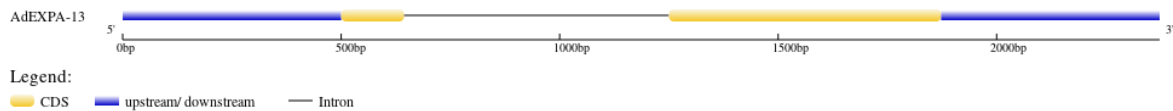
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Arachis+duranensis>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04300>

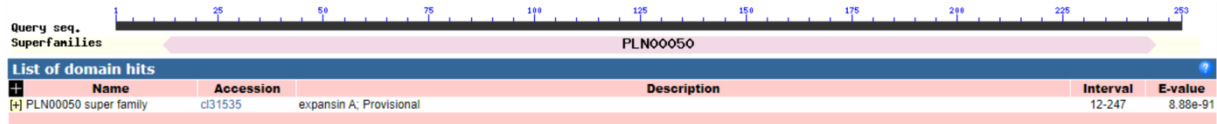
EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/duranensis>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AdEXPA-13

MAMATSRCLVPLVIFMYSLAISGAIDGNWYDAHATFYGDMQGGETMNGACGYGNL
FAQGYGLANTALSTALFNRLTTCGACFEIQC VNDPQWCIKGAGTIKVTATNFCPPTN
EKGRPPWCNPPQKHFDLSMKVFTTIAN YKAGIIPVRYRRTPCIKHGGVKFELKGNPH
WLLVLVFNVANAGDVTNVKIAGSTTRAWIPMTRN WGQNWQTGTPLNGQALSFMVT
TSDGKTLTFSNVAPPSWRLGQTFEAATNF

CDS (coding sequence)

>AdEXPA-13

TGACTATGGCTATGGCTACGTCTCGTTGTTGGTTCCTTTGGTCATTTTCATGTATT
CCTTAGCCATTT CAGGTGCCATTGATGGTAATTGGTATGATGCTCATGCAACATTC
TATGGTGACATGCAAGGTGGAGAAACCATGAATGGTGCATGTGGATATGGGAAT
TTATTTGCACAAGGGTATGGACTTGCAAACACAGCACTAAGCACTGCTCTATTCA
ACCGTGGCCTAACATGTGGTGCATGTTTTGAGATCCAATGTGTGAATGATCCACA
ATGGTGTATTAAGGGTGCAGGAACAATCAAAGTAACAGCAACAAATTTTTGTCCT
CCAACTAACGAAAAAGGTTCGTCACCATGGTGTAAACCCTCCACAAAAGCACTTCG
ATTTGTCCATGAAAGTGTTCAACAATAGCAA ACTACAAAGCAGGGATAATCCC
AGTTCGTTATAGGCGCACTCCATGCATTAACATGGTGGTGTCAAGTTTGAGTTG
AAGGGTAACCCTCATTGGTTGCTAGTGTTAGTTTTTAATGTTGCAAATGCTGGTGA
TGTTACAAATGTTAAAATAGCAGGTTCAACCACACGTGCATGGATTCCATGACA
CGTAATTGGGGGCAA AATTGGCAA ACTGGTACTCCATTGAATGGACAAGCATTGT
CTTTTATGGTTACTACAAGTGATGGCAAACGTTGACGTTTAGTAATGTTGCTCCT
CCCAGTTGGCGACTTGGACAAACTTTTGAGGCCGCAACCAACTTTTAG

Nucleotide

>AdEXPA-13

CAAATTTTTAGTAATAAAAATAAAAATACTAGAAAATAAAAAAATATCTTTTTT
GAGAAGCTGTAATTTACATTTTTTTTAAAAGATCTTTTTTTTTTAAAAAATGTTTTT
TATGTAATAAATAAACAAAAAAGTACTTTATATTATTATACCCAAATATAATTAA
TAAATAAAATTTTTTTTGTATAAAATATCTAAACATAAAATTACTTTTATTTTTAC
ATAAAATCTTTTAAAAAATAAATAAAAAAGATATATTTTTTAAAAACTCACCCAA

GCAAACCCTATATATTACGCCTGTAATTCATACAAAAATCATATACTTCTAAAAC
TTCTCACAAATCTAATTTGTGGTTTAAATATTATCTTGATTCTCCTATAAGAAATA
CTAATAGCCTTAATTCACAACACAAATTAACCGTTAATTTTACTATAATCATATC
ATCGTATATATAGTTTTTCATTCTATTATAATTTATAAAAAGAGGCATATATGTTTAT
GACTATGGCTATGGCTACGTCTCGTTGTTTGGTTCCTTTGGTCATTTTCATGTATTC
CTTAGCCATTTTCAGGTGCCATTGATGGTAATTGGTATGATGCTCATGCAACATTCT
ATGGTGACATGCAAGGTGGAGAAACCATGAGTAAGTAACTGCAACATTGGATTG
CAATCACAATTTTAGACCATGCTACTCAATCATAGCATACTATCATGATTCATGTG
CATGCATCATAACATGCATGTAATATTTAGGCTTTGTTTTTGGTAAAATTTATAATT
TGTTTTTGGTAAAAATCATACGTTTAAACTTATAATTAAGTTAGAAATGTTTTTA
AAAGCATAGAATGAGGTACTTTTTAAAATTAGCTTATATTTAGTAAATATTCAA
TTTAGTTTTATATTTATGTCTACATGGTCTTATTCAATTTTTAAAAATTATTTTATC
AAATACATTTATTGTCACTTGTGTTTGTAAAAATTATTTTTAGGTTAATTTATCG
AATATAAGTGCTATAACTTTTAGACACCTATCTTTTAAAAATTAATTTTAATAAAC
TACTTAAGTAAAAGGTATAAACTCAGTTACAGTCGATTTACATGTAATTGAGAG
TTGTTAGATGAAAATTTAGTCAAATCATCTAAGGACTCTCAATTATCAACTTCACG
TGAAATCGACTGCACCTGAATTTTCATGTAAGGAAAAATTGGGGGTGATAAATAA
GTTTTGATTTTTGTGATTATCCAGATGGTGCATGTGGATATGGGAATTTATTTGCA
CAAGGGTATGGACTTGCAAACACAGCACTAAGCACTGCTCTATTCAACCGTGGCC
TAACATGTGGTGCATGTTTTGAGATCCAATGTGTGAATGATCCACAATGGTGTAT
TAAGGGTGCAGGAACAATCAAAGTAACAGCAACAAATTTTTGTCCTCCAATAAC
GAAAAAGGTCCGTCACCATGGTGTAAACCCTCCACAAAAGCACTTCGATTTGTCCA
TGAAAGTGTTCCACAACAATAGCAAACACAAAGCAGGGATAATCCCAGTTCGTTA
TAGGCGCACTCCATGCATTAACATGGTGGTGTCAAGTTTGAGTTGAAGGGTAAC
CCTCATTGGTTGCTAGTGTAGTTTTTAATGTTGCAAATGCTGGTGTATGTTACAAA
TGTTAAAATAGCAGGTTCAACCACACGTGCATGGATTCCTATGACACGTAATTGG
GGGCAAATTTGGCAAACCTGGTACTCCATTGAATGGACAAGCATTGTCTTTTATGG
TTACTACAAGTGATGGCAAACGTTGACGTTTAGTAATGTTGCTCCTCCCAGTTG
GCGACTTGGACAACTTTTGAGGCCGCAACCAACTTTTAGTGCCCTCTTCAATTCA
GTACCTAAGTATAATGTAATGTTGTTAATTGCTGTCATCAAGTATATATTCTGTAT
CTATATTATTCCATCACCTTTGAATACCACACTACAAATAAATAAATAAATTCAA
GGTGTCTCTCATTTATTTGCATTGTGTATCATTTACTAGGCCATTTCTCAGTCTAAT
TCTTTGATTTTATACGATATTTCAATTCCTTTTTTTTTCTGATTCGAGTATAATGAAC
GACCTGATATATTTTTAAAATACTAAATAATTCTAATAATATCCTCTAAAAAAAT
AAAGTGATTTGTAATTAATTATAAAATAAATCCATAAAATTTACAAATCAAATCA
ATTTAATTTAGACGGAAAGTGAATCAAGCTGAATCGAACTAGACCAAGATGAA
GTTTGACTCACGAAAATTAAGCTTCATAACAAAAACATAATTTATAATTCTATAT
CAATAACTTATAATGTATATATTAAAAAATATTTAAAAAG