

IDENTIFICATION

Species: *Chenopodium quinoa*

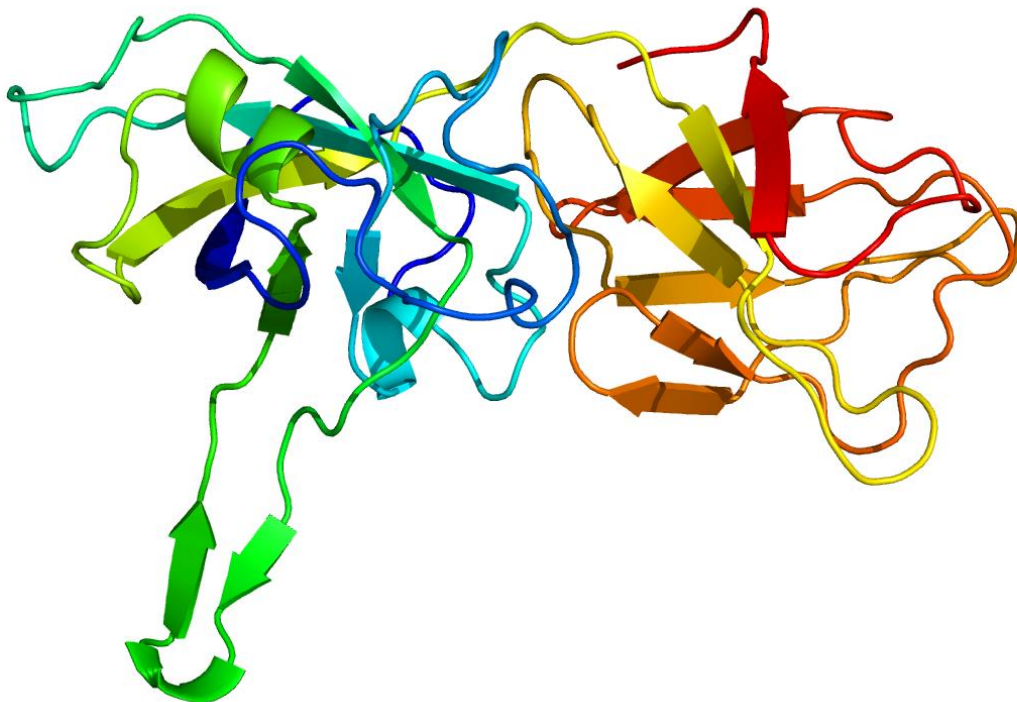
Locus: AUR62007934

Gene Model: AUR62007934

Description: CqEXPA-34

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa_v1_0

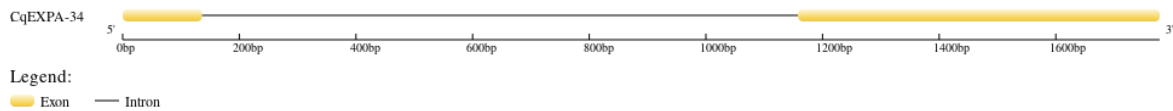
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05764>

EXTERNAL RESOURCES

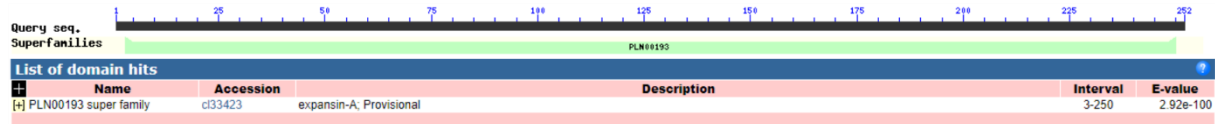
<https://www.cbrc.kaust.edu.sa/chenopodiumdb/>

<http://quinoa.kazusa.or.jp/index.html>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CqEXPA-34

MGAKLNITLVMLLTTIFAIDAKIENDWEFARATNYGGMDGRETMQGACGYGNLTQ
QGYGLETTALSTALFNDGLTCGACYQIMCKDSKWCLNGTQIHVTATNFCPPNYTKPN
ENWCNPPLKHFDSLQPMFRKIAVYEAGIVPVAYRRVNCNKQGGLKFEFKGNPNWIL
VLVYNVGGVGDVEDVKVKGSDTTSWLQMRRNWGQNWETNATLVGQSLSFQVTT
DGKMQADDVAPASWKFNQTYVCKRQFR*

CDS (coding sequence)

>CqEXPA-34

ATGGGTGCTAAGTTAAACATCACCTTAGTCCTTATGCTGCTTACAACCATATTTGC
TATTGATGCTAAAATTGAAAATGACTGGGAATTTGCCCGTGCAACGAACACTACGGT
GGCATGGATGGACGTGAAACCATGCAAGGAGCTTGTGGGTATGGAAATCTCACC
CAACAAGGCTATGGACTCGAAACGACAGCATTAAAGCACGGCCCTCTTCAACGAC
GGTCTAACATGTGGCGCTTGCTACCAAATCATGTGTAAAGACTCAAATGGTGTC
TTAATGGTACCCAAATCCATGTAACAGCCACCAACTTTTGCCCTCCTAACTACT
AAACCTAACGAAAATTGGTGCAACCCTCCCTTGAAGCACTTTGATCTATCACAAC
CAATGTTTAGGAAAATCGCGGTGTATGAGGCAGGCATTGTCCCTGTGGCTTATCG
CCGGGTAAATTGTAATAACAAGGAGGCCTTAAGTTCGAGTTAAGGGAAACCC
GAATTGGATCCTTGTACTCGTTTATAACGTGGGTGGTGTAGGGGATGTTGAGGAT
GTTAAGGTTAAGGGTCCGACACTACTAGTTGGTTACAAATGAGAAGGAATTGGG
GACAAAATTGGGAGACTAATGCTACGCTTGTGGACAAAGTTTGTCTGTTTCAAGT
GACTACTAGTGATGGAAAATGGTGCAAGCTGATGATGTGGCTCCTGCTTCATGG
AAATTTAATCAAACCTTATGTTTGTAAAAGACAATTTAGGTAA

Nucleotide

>CqEXPA-34

ATGGGTGCTAAGTTAAACATCACCTTAGTCCTTATGCTGCTTACAACCATATTTGC
TATTGATGCTAAAATTGAAAATGACTGGGAATTTGCCCGTGCAACGAACACTACGGT
GGCATGGATGGACGTGAAACCATGCGTAAGTTTTTCAATATCTTATTTCTCTTTTT
TATATATCCGGCCTTATTTTATTTGACTTAAACGTTGATAAGTAATGTTGACATGT
TGTGACTATGTGTAAGTTCCGTACAAATTATCAGGTGCATTAGAGATCGGAGA
CATCACCATATATAACATGATTTCAACATGTCTTAAAATTGAATTTCAATTTAAAG

TTTTAGATCGGGATATTAATTGGGGAAATATAGGATGCATGGTAGAATTAACACT
GAAAAGATATAACTAGAGATAATTGGATTGGCGGGCCTTGTTATTTTTACACCTT
TTTTTTTTTTTTTTTTCTTTATTATAATTTTTTAACAGTATATTTACACCTAATTAAT
AAAGCAAAATAGATTTGAATGTATGAAGAATGAAAATTATTTTCTTGAATAGTTA
TTACCTACGACTATAACAAGTACATCATTTAATTGTAACCCGATCCCTATATTCTTT
TCATTACTTTTTCCAATTTGCATGACTTTTTGAGTTTTTCAATCTCAAAAAAAAAAATT
CTAATAGATTTAGGTGAGGCAAGTATATATATATATATATATATATATATATATATAT
ATTTTTTTTTTTAATGTCTAT
TTAATAGCAAGGGATTAGATTAACCATTTATTAATGTTATAGAAACGTAATTTTC
TTAAAGCTTTAACCCATGCATGAATTGTATGGTATCTAACTCTTTGCTTCAATTTTC
TCAAATCATCATCGATAAGAAAACAACAACAATTGATTGTAGAGAACAATAA
TGAACACAGACCTTAGATGCATGCATGCATGCATCATTCTAGGCAATAATTAAGT
TATACTCACAATTTGATTTTTGTTTGTATTATATATGCTTCAAGTAACAATTAGATA
TGCCCTAATCTAAGTTTTAATATGTTAAAACTATACAAAATTAAACTTGTTATTT
TTTTCACAATTTGGCCTGGTGATCATATTATGTACACTTGCAGAAGGAGCTTGTG
GGTATGGAAATCTCACCAACAAGGCTATGGACTCGAAACGACAGCATTAAAGCA
CGGCCCTCTTCAACGACGGTCTAACATGTGGCGCTTGCTACCAAATCATGTGTAA
AGACTCAAATGGTGTCTTAATGGTACCAAAATCCATGTAACAGCCACCAACTTT
TGCCCTCCTAACTACACTAAACCTAACGAAAATTGGTGCAACCCTCCCTTGAAGC
ACTTTGATCTATCACAACCAATGTTTAGGAAAATCGCGGTGTATGAGGCAGGCAT
TGTCCCTGTGGCTTATCGCCGGGTAAATTGTAATAAACAAGGAGGCCTTAAGTTC
GAGTTTAAGGGAAACCCGAATTGGATCCTTGTACTCGTTTATAACGTGGGTGGTG
TAGGGGATGTTGAGGATGTTAAGGTTAAGGGTTCCGACACTACTAGTTGGTTACA
AATGAGAAGGAATTGGGGACAAAATTGGGAGACTAATGCTACGCTTGTGGACA
AAGTTTGTCTTTCAAGTACTACTAGTGATGGAAAATGGTGCAAGCTGATGAT
GTGGCTCCTGCTTCATGGAAATTTAATCAAACCTTATGTTTGTAAGACAATTTAG
GTAA