

IDENTIFICATION

Species: *Arachis duranensis*

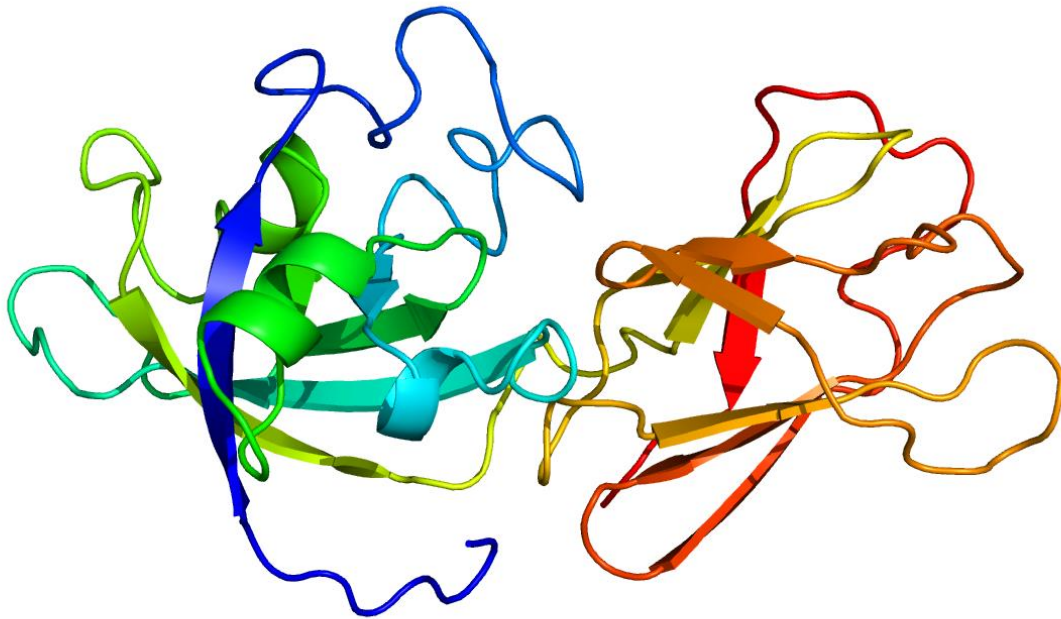
Locus: XP_015962748

Gene Model XP_015962748.1

Description: AdEXPA-12

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

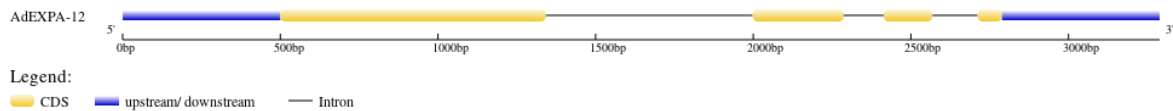
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Arachis+duranensis>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04300>

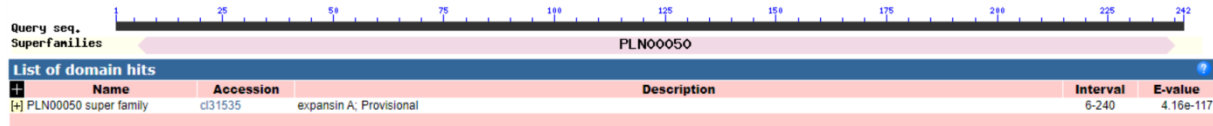
EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/duranensis>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AdEXPA-12

MALLGIFLVVAYFSVVSQHVIGYGNWINAHATFYGGSDASGTMGGACGYGNLYSSG
YGTNTAALSTALFNGLTCGACYEIKCVNDPQWCLPGSIVVTATNFCPPGGWCDPPN
HHFDLSQPIFQHIAQYKAGIVPVVYRRVRCRRRGGIRFTINGHSYFNLVLVTNVGGAG
DVHGVAIKGSRTRWQSMSRNWGQNWQSN SYLNGQSLSFIVTTSNGHKVLSYNVAPP
NWSFGQTYTGRQFN Y

CDS (coding sequence)

>AdEXPA-12

TGGATGTTGACTGAGCTCTATTTATTCCCTCACCAATCCCCTCCCTTTCCCATTTC
TCAAACAACCTCTTTTCTAAGGAGGAAAATAAAGTAACAATAAACATGGCTCTTCT
TGGAATATTTCTTGTGGTGGCATAATTTTCTGTGGTCTCACAAATGTCATTGGAT
ATGGAAATTGGATCAATGCTCATGCCACTTTCTATGGTGGAAGTGATGCTTCTGG
AACAAATGGGGGGTGTCTTGTGGATATGGAAACCTGTATAGCAGTGGATATGGGAC
AAACACAGCAGCACTAAGCACAGCACTATTCAACAATGGATTAACATGTGGAGC
ATGCTATGAAATAAAGTGTGTGAATGACCCACAATGGTGTCTTCCAGGCTCCATT
GTAGTAACTGCCACTAATTTCTGTCCTCCTGGTGGATGGTGTGACCCTCCAAATCA
CCATTTTGACCTCTCACAACTATTTTCCAGCACATTGCACAATACAAAGCTGGA
ATTGTGCCTGTAGTTTATAGAAGGGTAAGGTGCAGGAGAAGGGGTGGAATAAGG
TTCACCATCAATGGACACTCATACTTCAATTTGGTGCTAGTGACAAATGTTGGAG
GTGCAGGTGATGTGCATGGTGTGGCCATTAAGGGTCAAGAACAAGATGGCAAT
CCATGTCAAGGAACCTGGGGGCAAAATTGGCAAAGCAACTCATACTCAATGGCC
AAAGTCTTTCTTTTATAGTCACCACAAGTAATGGACACAAGGTCTTGTCTTATAAT
GTTGCCCCACCTAATTGGTCCTTTGGACAGACCTACACTGGAAGGCAATTCAACT
ACTAACCAATTAATAAAGTTACCCTTAATTAATTAATTCAAAATATTATTTT
TCAAATAAATTTTCAGTAATATTTCTCTATTTTAAAATATCTGTTTTTTCTGATATT
TCGATATCTCCATATTTAACATATATATGGATGTGTGCAATTTCTAAAGTTGACAG
ATATTTTAATTTTAAAAAATTATTAGTATCCTTGGATTATAGTTGGAAGAACTAT
ATATGCGAAGGTTGAATTGTAGTGTAGGGTGAGTCATTGTTTGGCTGAATGGATA
ATTAAGAAGATTTAGCCCTTAATAGTTTGTATTTTATATATAATTATTATAATAAT
TATATATTTGTATGTATTATAGCAAGGTGGGCTTTTGCAAATGATGTGGTAGCTTT
ATTTATGCTATGCCTTTGCAAAGGGCTACATTGCTCTATTGAGAAAGATTAATGT

CAAAAGAAGAAGAGGATTATTGTTGATTGTGCACTTAATTAATTGTATTTTCGTTA
TTGAAGAATGAATGAGAAATGTCATAATGAATA

Nucleotide

>AdEXPA-12

ATATTGTTATTTTATAAGGATGTATTGTAATTTCTTTCGTCATATAAAAAGTGCAAC
TTATTAGCATTGGCATAAAAATTTGACACATGTTTTGAATAAAAAAAAAACGAAATG
AAAAATGTATGCACATTTTAATATTTTTATTTATATATAGAATAACATGGTCTTTA
GTAATTCAGCAATTAGTAAATTATTATAATAACTAAATTATTTGGATTATTTATT
AAAAAGAAAATTAATTCAATAAGAATTTAGTAATAATCTTTTACATACATTTA
ATATAATGATAATATAACTCCTATATATGTCATCGTGATGTTATTTGTCTCAAAAA
TTTAGGTTAATAAGAACAAAAAATTTAATACGTATCTGATATCATATTATTATAT
ATTTATTTTAAAAGTGTAACGAATAAAAAAATCACATAAATAATTGTATCTTAA
AAATAATAATAAAAAAACTATTACATCTTCTCTTACTTTTTACACATGGGGGGG
TATTCATTATGACATTTCTCATTCTTCAATAACGAAAATACAATTAATTAAG
TGCACAATCAACAATAATCCTCTTCTTTTGACATTAATCTTTCTCAATAGAGC
AATGTAGCCCTTTTGCAAAGGCATAGCATAAATAAAGCTACCACATCATTTGCAA
AAGCCACCTTGCTATAATACATACAAATATATAATTATTATAATAATTATATATA
AAAATCAAATAAAGGGCTAAATCTTCTTAATTATCCATTCAGCCAAACAATG
ACTCACCTACACTACAATTCAACCTTCGCATATATAGTTCTTCGAACTATAATCC
AAGGATACTAATAATTTTTTTAAAATTTAAAATATCTGTCAACTTTAGAAATTCGAC
ACATCCATATATATGTTAAATATGGAGATATCGAAATATCAGAAAAAACAGATAT
TTTAAAATAGAGAAATATTACTGAAAATTATTTTGAAAAATAATATTTTGAATTA
ATTAATTAAGGGTAACCTTATTAATTTAATTGGTTAGTAGTTGAATTGCCTTCCAGT
GTAGGTCTGTCCAAAGGACCAATTAGGTGGGGCAACATTATAAGACAAGACCTT
GTGTCCATTACTTGTGGTGAATAAAAAGAAAGACTTTGGCCATTGAGGTATGAG
TTGCTTTGCCAATTTTGCCCCAGTTCCTTGACATGGATTGCCATCTTGTCTTGAC
CCTTTAATGGCCACACCATGCACATCACCTGCACCTCCAACATTTGTCACTAGCAC
CAAATTGAAGTATGAGTGTCCATTGATGGTGAACCTTATTCCACCCCTTCTCCTGC
ACCTTACCCTTTAACACACATCAACATAAAAAGAACAAGGGGAAAAAGTTGTGAG
CTTCAAGGACAAAATAAATAAAAATATCAAAAATATTGTCCGTATATTAATAATTAG
TTAAAATATATTTTATATTAATAACTGATTTTAGTATACTTCTAACATAATTAATA
AATATAGTATTGCACATGTGCTAATATAAAAAAATTAATATAAAATTAATTA
TAACAATAATATTTTCAAGGATGTTAAGAGTAGTAGTATCTAGTGTATAAATAA
TATTATTAATAAATTCCAAATTACACTTATATTACAAAAAATTTTAAGTTTCC
ATGTCTATGTTGAGCTTTTTATATATAAAAATATAGGAATATCGAATGTTATGAAAT
TTAAATATAATAAAGAAAAATCAAATATAAATTTATAAACACAAAATATATATA
ATAAAACCAAACCTTTGAAAGCTATATAAAGTATGATATATAAAGAATTAACGG
GCCTAACTTATCTTAAAATTTAGCTCAAGAGAGAAGAATTACCTCACACTTATAA
AGACTATCAGGCTTTTAAATTTAGACAATGTGAGACTTAATAGGATATTTTACCCT
AAGACCAAATATAAAAAGCAAATATAATAAATTAAGATGTATATGAAGTTATT
ACCTTCTATAAACTACAGGCACAATTCCAGCTTTGTATTGTGCAATGTGCTGGAA
AATAGGTTGTGAGAGGTCAAATGGTGATTTGGAGGGTCACACCATCCACCAGG
AGGACAGAAATTAGTGGCAGTTACTACAATGGAGCCTGGAAGACACCATTGTGG
GTCATTCACACACTTTATTTCATAGCATGCTCCACATGTTAATCCATTGTTGAATA
GTGCTGTGCTTAGTGCTGCTGTGTTTGTCCCATATCCACTGCTATACAGGTTTCCA

TATCCACAAGCACCCCCTGAATTTACAATTAATTATAATAATAATCTTACTACCGA
CAAATTA AAAATGTCTTAATTTTGATGCATTGTCAATGTAAC TTTTTTTTTTGTCTAT
ATAATTTGTGTAGTTATGATATATACATAACCCATTGTTCCAGAAGCATCACTTCCA
CCATAGAAAAGTGGCATGAGCATTGATCCAATTTCCATATCCAATGACATGTTGTG
AGACCACAGAAAAATATGCCACCACAAGAAATATTCCAAGAAGAGCCATGTTTA
TTGTTACTTTATTTTCCTCCTGCATATATATGAAAATGCAGCATTATTATTAATATT
ATTGGAGAGAGTATAGTATGGCAAGAAGTAACAAAGTTAGCAATGTCTATAATA
TTATTGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAAAAGAAAGAAGAAAGAAGGGTGGATACC
TTAGAAAAGAGTTGTTTGAGGAAATGGGAAAGGGAGGGGATTGGTGAGGGAATA
AATAGAGCTCAGTCAACATCCAAAAACTGACACAATTTGTGGGAGTTGGGACCAT
GCAAATGCTCAAAAACTTCCATAGATTA AAAAAAAAAAAAAACATATAAAATTATTTA
TTTTTTTTTATTACTTAAATACTGACCAAATTTTAATAACACAGCTAATTTGTTAGA
CTTTCTCACAACGCAATTCAAATGGGATTGCATTCACACTACTATGAGGCTTTGG
GATACCATTGTGCTAGTTCACATACTAGCAAGATAAGTTTGTGGCCAGAAATAA
TTAAAAATAAAAAAGATAAAATTATGTTGCAGTAAAATTCATCTCCTATATCTAT
AGGGGCCTGGGGGTAAAATCATCTTGCTCAAAGTCCTCTATCTCTTAGGCTTGAT
GAATAGAGTTTTTCAGAATCTTTCTTTTGGAGATTGATACATTGTTTGGGAAGATT
ATTAGTGGGATTATACTCTCTACTTTTTTTTATTTATTCAACGTGTGTAATATATATA
TAATAATAAAATTAATCAAAGCG