

IDENTIFICATION

Species: *Trifolium pratense*

Locus: Tp57577_TGAC_v2_mRNA9103

Gene Model: Tp57577_TGAC_v2_mRNA9103

Description: TprEXPA-07

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

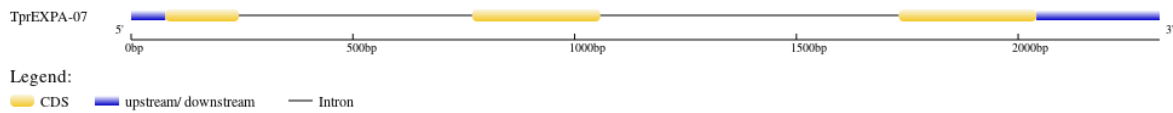
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Tpratense_v2

KEGG:-

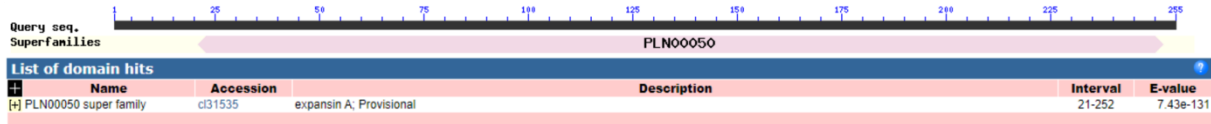
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>TprEXPA-07

MLFCCIYTGKMSHQSFVLVGLIMFSMISHVYGYGNWGWINAHATFYGGSDASGTMG
GACGYGNLYSQGYGTNTAALSTALFNGLSCGSCYEIKCANDPKWCLPGSIVVTATN
FCPPGGWCDPPNHHFDLSQPVFQHIAQYKAGIVPVVYRRVACRRRGGIRFTINGHSYF
NLVLVTNVGGAGDVHVSVAIKGSRTRWQAMSRNWGQNWQNSYLNQQLSFFVTTG
NGHSIVSFNVAPPSWSFGQTYTGRQFLY*

CDS (coding sequence)

>TprEXPA-07

ATGCTCTTCTGTTGCATTTATACAGGAAAAATGTCTCACCAAAGCTTTCTTGTCT
TGGAATTATGTTCTCCATGATTCACATGTTTATGGTTATGGAAACAATTGGGGTT
GGATTAATGCTCATGCAACCTTCTATGGTGGCAGTGATGCTTCTGGCACAATGGG
TGGGGCATGTGGATATGGAACTTGTATAGTCAAGGTTATGGGACTAATACAGCA
GCACTTAGCACTGCATTATTCAACAATGGTTTGTAGTTGTGGTTTCATGCTATGAAAT
TAAATGTGCAAATGATCCAAAATGGTGTCTCCCTGGCTCCATTGTTGTTACTGCCA
CTAATTTCTGTCCACCTGGTGGTTGGTGTGACCCTCCAATCACCATTTTGATCTC
TCTCAACCTGTTTCCAACACATTGCTCAATATAAAGCTGGTATTGTTCCCTGTTGT
TTATAGAAGGGTAGCATGTAGAAGAAGAGGTGGAATAAGGTTCAATCAATGG
TCATTCATATTCAACTTAGTCCCTGTGACCAATGTTGGAGGTGCTGGTGTATGTT
ATTCTGTAGCCATCAAAGGTTCAAGGACAAGATGGCAAGCCATGTCAAGAAATT
GGGGACAAAATTGGCAGAGCAACTCTTACTTAAATGGACAAAGTCTTTCATTTGT
AGTCACCACTGGTAATGGTCATAGTATTGTGTCAATTAATGTTGCCCCACCTAGTT
GGTCCCTTGGACAAACCTACACTGGAAGACAGTTCCTCTACTAA

Nucleotide

>TprEXPA-07

CTAACTCCCTCACATTTTTTCTGCATTTGCATGGTCNNNNNNNNNNNNNNNNNN
NNNTGATGATTTTTTGTCTGAAATGCTCTTCTGTTGCATTTATACAGGAAAAATGT
CTCACCAAAGCTTTCTTGTCTTGGAAATTATGTTCTCCATGATTCACATGTTTATG
GTTATGGAAACAATTGGGGTTGGATTAATGCTCATGCAACCTTCTATGGTGGCAG
TGATGCTTCTGGCACAATGGGTATGTATGATTTATGCATGAAATTAATGTTTGCA
TAAACATAGCCATGATTTAAGTTATGGTTATGTTGCGAATCTTTATATTACGGTA

AAATGTGGATGATATAGTCAAAATTGTGGTTGCATGCAGTTGCAGAGACCTCAAA
ATTCTTTATATTGCAGTTGCAACCGCAATTTGAGTAGCTAACAGAATTTTTTTTTG
TCTAAGTTATGTGCTTTAGGTTCTAGCTATACTTTGTGGATATGTAACCAATTA
AAACCGAAAATTGAACCGGAGAGACTTCTTGATCATGGTTGAATTGCCTTAACTG
CTTTAACCAGGAAAAACCGTGATCGAACTAGTAAAATAATCAAACCTATAGTAAAT
ATTAGTTCATGGTTTAGCTATTATCCAATTCAGTTTGGTTTTTAAAACACTGTATG
TAAGACATATCTGATAATTAATTAACAAATATTTTTGGTAAAGTTATGTACTTTAG
GTTCTATACTATAATGGGTATATAACAAAAATCTCAAAATTTTCAGGTGGGGCATG
TGGATATGGAACTTGTATAGTCAAGGTTATGGGACTAATACAGCAGCACTTAGC
ACTGCATTATTCAACAATGGTTTGAGTTGTGGTTCATGCTATGAAATTAATGTGC
AAATGATCCAAAATGGTGTCTCCCTGGCTCCATTGTTGTTACTGCCACTAATTTCT
GTCCACCTGGTGGTTGGTGTGACCCTCCCAATCACCATTTTGATCTCTCTCAACCT
GTTTTCCAACACATTGCTCAATATAAAGCTGGTATTGTTCCCTGTTGTTTATAGAAG
GTAATTTAATGTTCTCAATTTATTTCCTTTATCATTAAATAACATGTAAGGTACTAG
AGATTGCATACATCTACCCTCTTCAAACCCCATCTGTTATGTCATTTTCTCAAACC
CCATCTAAAATGTCCTTATACTTTTCGGACACGAACACGATACCGACACTTATGA
TTACACTGAATTATGTCATTTTTTCAAATTATTATCGGTGTCGACGTATCAGTGTC
CGTGTCTATGTTGCTGCTCCGTGCTCCATAGGTCATGGCACATTAATAATACGGTT
GTTCCATGTGACTTGAGGCCACAAGCTATGTAGCATTGACACTTCAGATTGAAG
AAATATCTGACACCGAAATACGACAACGACATATGTGGTTATATTCAATGATTCT
ATTTTATTCAAATTGTTATTGGTGTGACATTGTCAGAGTCGTGTCAGTGCTTCAT
AGGTCATAGGTTAAAATTCTAAAAACAACATCTTCACTTATAGGGTAAGATTGCA
TACATCTAGTTGATACACAATTTAGATTTTTTTAGTTTAAAAGAATTTACAATAAG
ATCTTACAAAATGAGTGTGCAATTGTAATTTTTGCCAATATCATTAAATCTTTTACT
ACATGTTTGGCTTTGAAGCTAATTTTTTTTTTCTTTATGAATATATGGTTTGTGATT
AAAGGGTAGCATGTAGAAGAAGAGGTGGAATAAGGTTCAACAATCAATGGTCATT
CATATTTCAACTTAGTCCTTGTGACCAATGTTGGAGGTGCTGGTGATGTTTCATTCT
GTAGCCATCAAAGGTTCAAGGACAAGATGGCAAGCCATGTCAAGAAATTGGGGA
CAAAATTGGCAGAGCAACTCTTACTTAAATGGACAAAGTCTTTTCATTTGTAGTCA
CCACTGGTAATGGTCATAGTATTGTGTCATTTAATGTTGCCCCACCTAGTTGGTCC
TTTGGACAAACCTACACTGGAAGACAGTTCCTCTACTAACCAACCCTTTAAATGC
ATACATTAAAAAAATGCTAAGCCATAGTTGAATAGTGTAGATGTATCAATCTAT
GCAGCACCGACATCTCATATTGAAGATAGTCGAGTATTTGACATGTGTTGGCGGT
GTGTCCAATATCTAACAATGTTGGTATGGAACATTGATATGATCACACCCGACA
TATATAGTTATATTCAATCACGTCTATTTTTAAATTANNNNNNNNNNNNNNNNNNN
NN