

IDENTIFICATION

Species: *Arachis ipaensis*

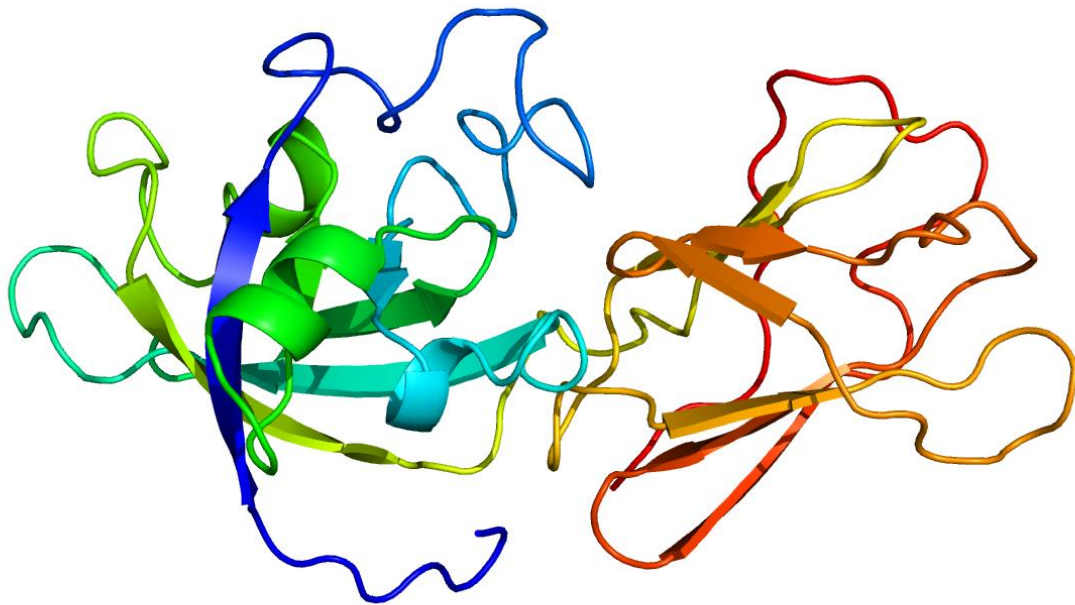
Locus: XP_016194296

Gene Model: XP_016194296.1

Description: AipEXPA-11

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

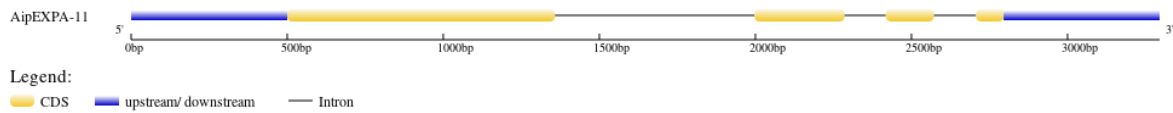
NCBI: https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/35711?genome_assembly_id=315604

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04301>

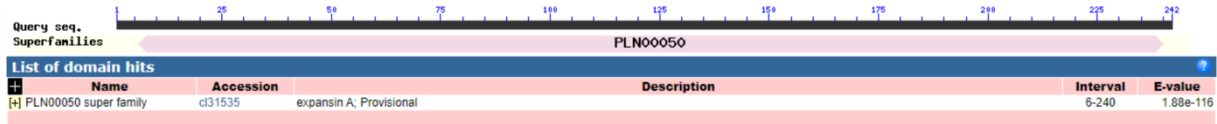
EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/ipaensis>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AipEXPA-11

MALLGIFLVVAYFSVVSQHVIGYGNWINAHATFYGGSDASGTMGGACGYGNLYSSG
YGTNTAALSTALFNGLTCGACYEIKCANDPQWCLPGSIVVTATNFCPPGGWCDPPN
HHFDLSQPIFQHIAQYKAGIVPVVYRRVRCRRRGGIRFTINGHSYFNLVLVTNVGGAG
DVHGVAIKGSRTRWQSMSRNWQNWQSN SYLNGQSLSFIVTTSNGHKVLSYNVAPP
NWSFGQTYTGRQFNY

CDS (coding sequence)

>AipEXPA-11

GTGTCAGTTTTTGGATGTTGACTGAGCTCTATTTATTCCCTCACCAATCCCCTCCCT
TTCCCATTTCCCTCAAACAACCTTTTTCTAAGGAGGAAAATAAAGTAACAACAAC
ATGGCTCTTCTTGAATCTTTCTTGTGGTGGCATATTTTTCTGTGGTCTCACAACAT
GTCATTGGATATGGAAATTGGATCAATGCTCATGCCACTTTCTATGGTGGAAAGTG
ATGCTTCTGGAACAATGGGGGGTGCTTGTGGATATGGAAACCTGTATAGCAGTGG
ATATGGGACAAACACAGCAGCACTAAGCACAGCACTATTCAACAATGGATTAAC
ATGTGGAGCATGCTATGAAATAAAGTGTGCGAATGACCCACAATGGTGTCTTCCA
GGCTCCATTGTAGTAACTGCCACTAATTTCTGTCCTCCTGGTGGATGGTGTGACCC
TCCAAATCACCATTTTGATCTCTCTCAACCTATTTTCCAGCACATTGCACAATATA
AAGCTGGAATTGTGCCTGTAGTTTATAGAAGGGTAAGGTGCAGGAGAAGGGGTG
GAATAAGGTTACCATCAATGGACACTCATACTTCAATTTGGTGTAGTGACAAA
TGTTGGAGGTGCAGGTGATGTGCATGGTGTGGCCATTAAAGGCTCAAGAACAAG
ATGGCAATCCATGTCAAGGAAGTGGGGGCAAAATTGGCAAAGCAACTCATACT
CAATGGCCAAAGTCTTTCTTTTATAGTCACCACAAGTAATGGACACAAGGTCTTG
TCTTATAATGTTGCCCCACCTAATTGGTCCTTTGGACAGACCTACACTGGAAGGC
AATTCAACTACTAACCAATTAATAATAAGTTACCCTTAAATTAATTGATAATAT
TATTTTTCAATAATTTTCAGTAATATTTCTCTATTTTAAAATATCTGTTTTTTCTAA
TATTTTCGATATGTCCATATATTTGACATATATATATGGATGTGTGCAATTTCTAAA
GTTGACAGATATTTTAATTAATAAAAAAAAAAATTTATTAGTATCCTTGGATTATAGTT
CGAAGAACTATGCGAAGGTTGAATTGTAGTGTAGGGTGAGTCATTGTTTGGCTGA
ATGGATAATTAAGAAGATTTAGCCCTTTTATTAATTATATGATAATAGTTTGGATTT
TTATATATAATTATTATAATAATTATATATTTGTATGTATTATAGCAAGGTGGGCT
TTTGCAAATGATGTTGTAGCTTTATTTATGCTATGCCTTTGCAGAAGGGCTACATT

ATGCTCCACATGTTAATCCATTGTTGAATAGTGCTGTGCTTAGTGCTGCTGTGTT
GTCCCATATCCACTGCTATACAGGTTTCCATATCCACAAGCACCCCCTGAATTTAC
AAATAATTATAACAATAATCTTACTACCGACAAATTAATAAACTAGTTTAATT
GTAGCATATAGTGACTGAACTTTCTTTTTGTCTATATAATTTGTGTAGTTATTATAT
ATATACATACCCATTGTTCCAGAAGCATCACTTCCACCATAGAAAGTGGCATGAG
CATTGATCCAATTTCCATATCCAATGACATGTTGTGAGACCACAGAAAAATATGC
CACCACAAGAAAGATTCCAAGAAGAGCCATGTTTGTTGTTACTTTATTTTCCTCCT
GCATATATATGTAAATGCAGCATTATTATTATTATTATTATTGGAGAGAGCATAGT
ATGGCAAGAACTAACAAAGTTAGCAATGTCTATAATATTATTGAAAGAAAGAAA
AAAGAAAGAAGAAGGGTGGATACCTTAGAAAAGAGTTGTTTGAGGAAATGGGAA
AGGGAGGGGATTGGTGAGGGAATAAATAGAGCTCAGTCAACATCCAAAACTGA
CACAATTTGTGGGAGTTGGGACCATGCAAATGCTCAAAAACACTCAGTGNNNNN
NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNTCCTCAGTTAAAAAATTTAAGATTCAAATCTAAA
AATTAATAATTTAAGATTTAAAATTTATAATTTAAAATTTAAAATCTAAAATTTTTT
TTATTCTTAATTTTTTTATTAATAATATTATTTTGTAATTGATTAATTTCAATTAAGA
GGCACGAATAATATAGATTATAGGTGACATGAGATATTCCTTCAAATTAACCAC
GTGTTAATAAAAAAAGATTTTATGAAAAAGAAACATATTATATATAATGATAGG
GATTTAAAACCTTACGTTTTAATCAACAAGTATCTTATATTTATATATCACAAATAG
CGAATCTAATTAATAATAATATATAATGTGTGCAACTTATTTATTTTTTTTTTC
ATCTCTCATATTAGGGTAATTATTAGAAGGGTTTGTACTTACACAGTTAGAGGTT
TTCT