

IDENTIFICATION

Species: *Amaranthus hypochondriacus*

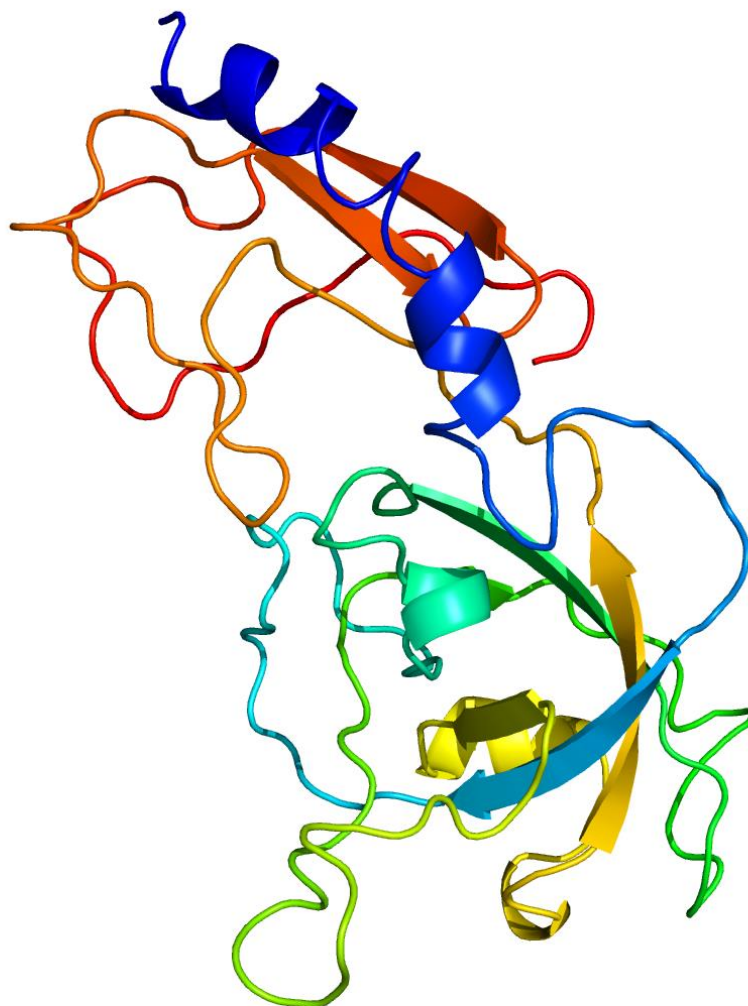
Locus: AH014827

Gene Model: AH014827-RA

Description: AhyEXPA-07

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Ahypochondriacus_v2_1

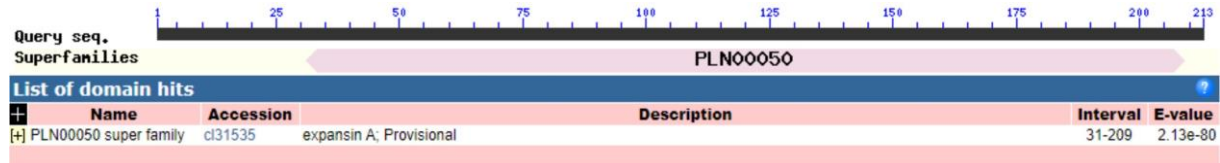
EXTERNAL RESOURCES

<https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=amaranthus+hypochondriacus>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AhyEXPA-07

MGQALLNMVWLSIVSITLSSVYGRIPGTYQGGPWLSAHATFYGNEDASGTMGYGTS
TAALSTQLFNKGLTCGACFELKCDNDPEWCYPGNPSIIITATNFCPPNYALPSDNGGW
CNPPREHFDSLMPIFSKLAQFRAGIIPVNYRRVKGTNTEWLSMSRNWQNWQSNVVL
VGQALSFRVTTGDHRTSTTLNVAPSSWQFGQTYVGKNFKVR*

CDS (coding sequence)

>AhyEXPA-07

ATGGGGCAGGCGTTGCTTAATATGGTGTGGTTGAGTATAGTATCAATAACATTAT
CCTCCGTCTATGGAAGAATCCCTGGTACTTACCAAGGTGGCCCTTGGCTGTCTGCT
CATGCTACTTTCTACGGCAATGAAGATGCTTCTGGAACCATGGGGTACGGAACAA
GCACAGCAGCATTAAAGCACACAATTGTTTAAACAAGGGTTTAAACATGTGGTGCTTG
TTTTGAGTTAAAATGTGATAACGACCCGGAGTGGTGTATCCGGGTAACCCATCC
ATCATTATTACTGCTACCAATTTCTGCCACCTAACTATGCTCTTCCCAGTGATAA
TGGCGGCTGGTGCAATCCTCCCCGCGAACATTTGACCTCTCCATGCCTATCTTCT
CCAACTTGCTCAGTTTCGCGCTGGAATCATTCTGTCAATTACCGCCGAGTTAAA
GGTACAAACACGGAGTGGCTAAGCATGAGTCGTAATTGGGGCCAAAATTGGCAA
TCAAATGTGGTTTTGGTCGGGCAAGCCCTCTCCTTTCGAGTCACCACGGGTGATC
ATCGCACCTCCACAACATTGAACGTGGCTCCCTCTAGTTGGCAGTTTGGTCAAAC
TTACGTTGGCAAGAACTTCAAAGTACGCTAA

Nucleotide

>AhyEXPA-07

ATGGGGCAGGCGTTGCTTAATATGGTGTGGTTGAGTATAGTATCAATAACATTAT
CCTCCGTCTATGGAAGAATCCCTGGTACTTACCAAGGTGGCCCTTGGCTGTCTGCT
CATGCTACTTTCTACGGCAATGAAGATGCTTCTGGAACCATGGGTATATACTTAC
ATATCATCTTTTTTTTCTTCTTGCTTTTATGTATGTCATTTTTAATTTTGTCTTCTAT
TTTATTTAGAGGCGAAGTAAAAATTGATAAATTCTTTTAAAGTCTTGTGCAATTTT
CAAAAATTACTATATGTTTCTAACAACACTATATCATTAAAGTGACGTAAATTAAT
ATTGAGACCTCCCTATGCGGTTAAACATATTGAACATGCTTAAAACCTCTCCTAAT

TTATTATTTTCAATAAGCTAATATACCACATTGTTCTTGTCTAGAAATTATCTCTTA
GAAAATTATAATATTAATAATCATATAAATTAATAAAAAATTTAATTAATATAG
GCCGAATAAATAAAAGATGTTTAATGTGTTAGCTTAAGCTTTTGGTTGAGTTGTTT
TTAAAATAGTATCAGAAGTCATCGTGATAAAAGGAATGAGTACGATTCTCAATC
GCCCTTCATTAAGTGCACATTTAATGTCAGATATGAAGATGCTTACACTGCA
TCCACATATTTAGCTCAAAAGATTGTTATCAACGGTGTATTATAAGATATCCTAA
GACCTAAACTATCCGCCTAAAAGTTTGGAGTAATTAAGATGTAAAAATTGCAGG
AGGAGCATGTGGGTATGGAACTTGTACAGCGCAGGGTACGGAACAAGCACAGC
AGCATTAAAGCACACAATTGTTTAACAAGGGTTAACATGTGGTGTCTTGTTTTGGAG
TTAAAATGTGATAACGACCCGGAGTGGTGTATCCGGGTAAACCCATCCATCATT
TACTGCTACCAATTTCTGCCACCTAACTATGCTCTTCCCAGTGATAATGGCGGC
TGGTGCAATCCTCCCCGCGAACATTTGACCTCTCCATGCCTATCTTCTCCAACT
TGCTCAGTTTTCGCGCTGGAATCATTCTGTCAATTACCGCCGGTCAGTCTTCCGAT
CCTTCTCTTCTTCAAATCTTATTACACATCTTTTCGTCTCGTATATAACATATCTT
GGGTCCTCAATCATCAGCTTAAGCTTTTGGTTGAGTCGATTTTTTGACATGGTATC
AGAGCCACCCCGGCCCTCATTTAAAGTGGAAATTTAACACCAGAGGAGGGCAT
GTGCTGCATCCACACTTCTAGACCAAAGGGCTTTCGTGTGAAGGACGTGGTAGAG
TATATAACATATTTTGGGGCCTCAACCATTAACAGTTTTACACATGAATTGAGTGC
ATAAGCCATAAAGTATAAAGTATAACTTCTTAGGTTTCTAATACTTGCTATATT
TAATATTATGAAAATATGCAATAAGACGAATCAAATAAGATCTCACTTGACTAAT
ATTTCTATGTTTTATATTATACATAAGAATTGCATGCCCAAAAAATCAGTTGATGA
TGAATAGTAGTTGGTACAACAAGTGTAGCAACTTTTAAAATCAAAGTAATATATA
CACTCTCGGCTTCTTAAGTTTTCTTGAATTGATTCTTAATTAGTATTATATAAAC
GTCGTTATAACAAAAAATTCACATGTTCAAATCGATTACGTATTTAATTTAAAG
GCTCTTATATAAAGAAACGTGATAAAATTTATAACATATTATAGACTATGTATTA
ATTCGAATTTTTGTGCGAAGTTGGTTCATTGATACTTTTCATCAATAATAACCTCA
TAATACCATTAATTTAAATTAATTTCTTTATTATTATTATATTATTATTTTTTTT
TATATAAAAAATTTTATATCAAAGAGAAAACTTTACAAGAAATTAATTGAGAGT
CGAGCAATAAGCTGAGCATCCATACCTTTCTGATTATTATTATTATTATTATTATT
ATTATTATTATTATTATTAGTAATTTATTATTACTACTACGTTTATAAAAAGAACAA
AAAAATGAGAATAGAAAAATACGGGCGTATGAGACGGGGGAATGCACGAGATA
CACGTAAGTGCTTAATGAACTGAGAGAGGAAGGCGGCTGAGTTAATATGATTAG
CGGAGAATCCGAATGCGCACATGCAGCATATCCGATCATGGATCTCTCCTCGTTT
ATGGGAATGGGCTTAAACGTCTTATGTCCCACCTTAATAAATGGGAGTGAACATA
CTTCACATATTAACAGATTCACAATTAATGTATGTACCACCTTGTATAATCAAATT
TAATTTTAAACAATGACTTTAAAATAAATTTATAATGATGTTAAACTAGTGTGAC
CTGAACTGAATCACTTGATTTGAAATCAATCGTTCCCACACCTCTTAGTTATGCAG
AGTGCAAGATAAGCCCACTTAGCTAGACGATATGGGAACCAAAGTTACACTCAA
TAAAACAGACAACATATAATCATATACTTAGAGATATTTATATGTTTACTATGA
GTTGTTACCCTCCTTAGATCTTGATTGTAGTTTTTCGATACACTGGGTATGATGAT
GATGATGTGCATGTTTGGTTGTGCAGGGTGCCATGCAGGAAGACAGGAGGAATT
AGATTCACAATGAACGGCTCACGCTACTTTAATTTGGTATTAATCACCAATGTGG
CTGGAGCCGGAGACATTATACGCGTAAGAGTTAAAGGTACAAACACGGAGTGGC
TAAGCATGAGTCGTAATTGGGGCCAAAATTTGGCAATCAAATGTGGTTTTGGTCCG
GCAAGCCCTCTCCTTTTCGAGTCACCACGGGTGATCATCGCACCTCCACAACATTG
AACGTGGCTCCCTCTAGTTGGCAGTTTGGTCAAACCTTACGTTGGCAAGAACTTCA
AAGTACGCTAA