

## IDENTIFICATION

**Species:** *Phaseolus vulgaris*

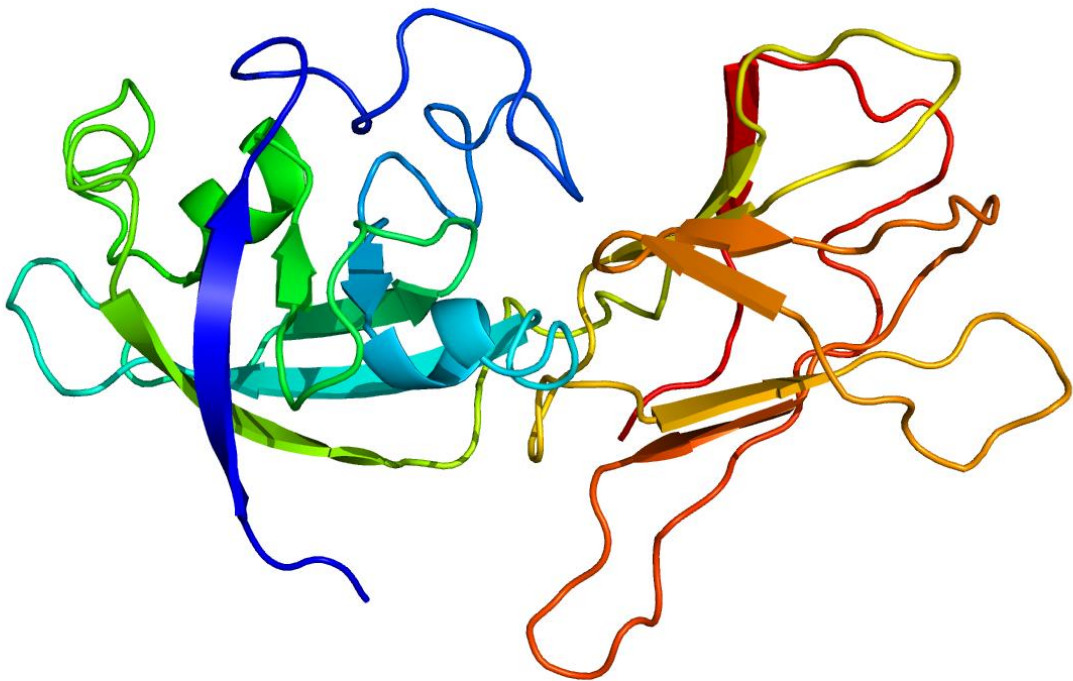
**Locus:** Phvul.003G228000

**Gene Model:** Phvul.003G228000.1.p

**Description:** PvEXLB-05

**Family:** Expansin Like Beta

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

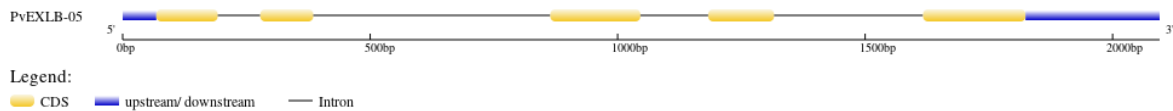
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Pvulgaris\\_v2\\_1](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Pvulgaris_v2_1)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T03093>

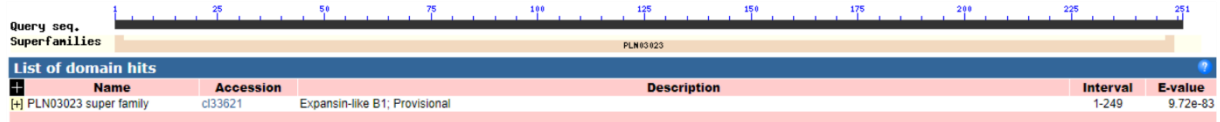
## EXTERNAL RESOURCES

<https://www.pulsedb.org/organism/636>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>PvEXLB-05

MALSLLCPLLATFLFMQTLADTSFVQSRAAYYPNSENGTDVGACGFGSFGATVNGG  
DVSAASNLYRNGVGCACGYQVRCNSVYCSGNGVTIVITDQGSSANTDFILSQRAFG  
GMAINKDAAASLLALGIVDIEYRRVSCSYPNKNITVKIHESNNPHYLGFWLWFQQGS  
RDITAVQLCETQNFVCKLLDRSHGAVWTTTAPPSGPLALRMLFSAEEEGDESWVVPV  
NDIPQDWKAGETYDLGIQVDQ\*

### CDS (coding sequence)

>PvEXLB-05

ATGGCTCTTTCTCTTTTGTGTCCTCTTCTTGCCACCTTTCTTTTCATGCAAACCTCTG  
GCAGATACTTCCTTTGTTCAATCTCGTGCAGCATATTACCCAAACTCTGAAGAAA  
ATGGCACAGACGTTGGTGCATGTGGATTTGGTTCCTTTGGTGCCACCGTTAATGGT  
GGGGATGTATCAGCTGCATCTAATCTTTATCGAAATGGTGTGGCTGTGGTGCCT  
GTTACCAGGTGAGATGTAGCAATAGTGTATTGCTCAGGAAATGGTGTCCACCAT  
AGTAATAACTGACCAAGGCTCAAGTGCTAACACTGACTTCATTCTTAGCCAACGT  
GCTTTTGGTGGGATGGCTATCAACAAGGATGCAGCTGCTTCTCTATTAGCTCTTGG  
CATAGTTGATATTGAGTATAGACGGGTTTCATGCAGCTACCCAAACAAAAACATT  
ACAGTTAAGATACATGAGAGTAGCAACAACCCTCACTATTTGGGTTTTGTCTTGT  
GGTTTCAACAAGGAAGTAGAGATATAACTGCTGTGCAACTTTGCGAGACTCAGAA  
CTTTGTGTGCAAGTTACTGGATCGGAGTCACGGGGCAGTATGGACCACTACCGCG  
CCACCAAGTGGACCTTTGGCTTTGAGGATGTTGTTTAGTGCTGAAGAAGAGGGAG  
ACGAATCATGGGTCGTTCCAGTTAATGACATTCACAAAGACTGGAAGGCAGGAG  
AAACGTACGACTTAGGGATACAAGTGGACCAATAG

### Nucleotide

>PvEXLB-05

ATTGCATTGCCAAGCTTGTCTTCTTATCTTATTCCTTGCTTTTAGTCTTTCATAATT  
CTGTCATACACATGGCTCTTTCTCTTTTGTGTCCTCTTCTTGCCACCTTTCTTTTCAT  
GCAAACCTCTGGCAGATACTTCCTTTGTTCAATCTCGTGCAGCATATTACCCAAACT  
CTGAAGAAAATGGCACAGACGGTGAGAGAATTAACCTGATTGATGAAAACAAAA  
TACAAAGATGTATGAGATTTTGCTAATAAATGTTCTTATAACTTGATGCAGTTG  
GTGCATGTGGATTTGGTTCCTTTGGTGCCACCGTTAATGGTGGGGATGTATCAGCT

GCATCTAATCTTTATCGAAATGGTGTGGCTGTGGTGCCTGTTACCAGGTGAGTTC  
ATCAAGCTATATATAATATTAAGTATATATTACCACAACCTAAAGGATGATTAGT  
TTAGTTACATGTGACCATGCATGTTTTCTGATGATAGAAACCATAATTAATTAATG  
CAAAAGCCACATATATATCACTTTTTAATACTCATACTTACAAGCAACTTTTTACT  
TTTTTTTTGTTATGTTTGACCTTTCCTCCGGTAATCCTTGTTTCATAATCTATAATT  
ATGAGCAGACCCATCAAAAGTTCAAGATATATATTAATAACAATAAAGTATA  
GGCAAATTCAAACTAAAGTTATTAATTTTAAATTATTTTCACATTATTTTATTGT  
CAAAAGTATCATTTCTCTATTTTATTAGTTGTACTTAATAGGCATGCTACAACAGT  
GCGTTGCAAAATAACAGTATACATTATATTACAGTTCATTGTTTGAAAATAATATT  
TGTCATTATATTTTACTTTGGCCAGGTGAGATGTAGCAATAGTGTTTATTGCTCAG  
GAAATGGTGTCAACCATAGTAATAACTGACCAAGGCTCAAGTGCTAACACTGACTT  
CATTCTTAGCCAACGTGCTTTTGGTGGGATGGCTATCAACAAGGATGCAGCTGCT  
TCTCTATTAGCTCTTGGCATAGTTGATATTGAGTATAGACGGTGGGATAATTCTTC  
CAGATATATATATAGAACAATCTTTTTAATTCATGCCTGCATAAACCTTTGCTTTT  
TGTTAATTATACGTAGATTGTAGTCAATAAATTAGAAAGACTGAACTAGCCTCTT  
CTTATCTGCAGGGTTTCATGCAGCTACCCAAACAAAAACATTACAGTTAAGATAC  
ATGAGAGTAGCAACAACCCTCACTATTTGGGTTTTGTCTTGTGGTTTTCAACAAGG  
AAGTAGAGATATAACTGCTGTGCAACTTTGCGAGGTATGCTTTATCCTTCGCGTG  
GTAATAGTTAATCAGAATTTTTTTTTAACAATCTCTGAATATGTAATTTAGTCATG  
AACTTGGTAAAAATTGAATATTTAATTTAAGATCATTTTACTGATTTTCTATAATA  
ATGAAGCTTATAATTTTTTTTATCCAGTAGTTAACTAGTAGACATCAGTATATTTGA  
CAAGACACAGTGAATGGTTCAACTCTTCATTCAGTTTAAAAGGGTGTATCAGTAG  
GGTCCAGTTAGATAGATGAAAAGTAATGTGAGTGTAATATCTTTTTTGCCAAGTGC  
AGACTCAGAACTTTGTGTGCAAGTTACTGGATCGGAGTCACGGGGCAGTATGGAC  
CACTACCGCGCCACCAAGTGGACCTTTGGCTTTGAGGATGTTGTTTAGTGCTGAA  
GAAGAGGGAGACGAATCATGGGTCGTTCCAGTTAATGACATTCCACAAGACTGG  
AAGGCAGGAGAAACGTACGACTTAGGGATACAAGTGGACCAATAGAAGCAGAA  
ATGACTGATTAATCTGCTTTGTCTGTAACGAAATAAAAAATAAGTTAATTATATT  
GAGTTCAATCGATTTACCCTATTTAATTGCCCTCCAATAATTTGTTTTTCTCCAAA  
GTAGTGAGAACTGAGGAAATTCTATGATCTTGCTGTAACATGTCACCCTACTCCC  
TGGTTATTTCAATTGTTTAAAGTATCTCGATCATATTCACAAGCATGTTGAAATATC  
ATTTAGTTTCTCTGCAGCTTTC AATCGATCAACAATTGAGC