

IDENTIFICATION

Species: *Mimulus guttatus*

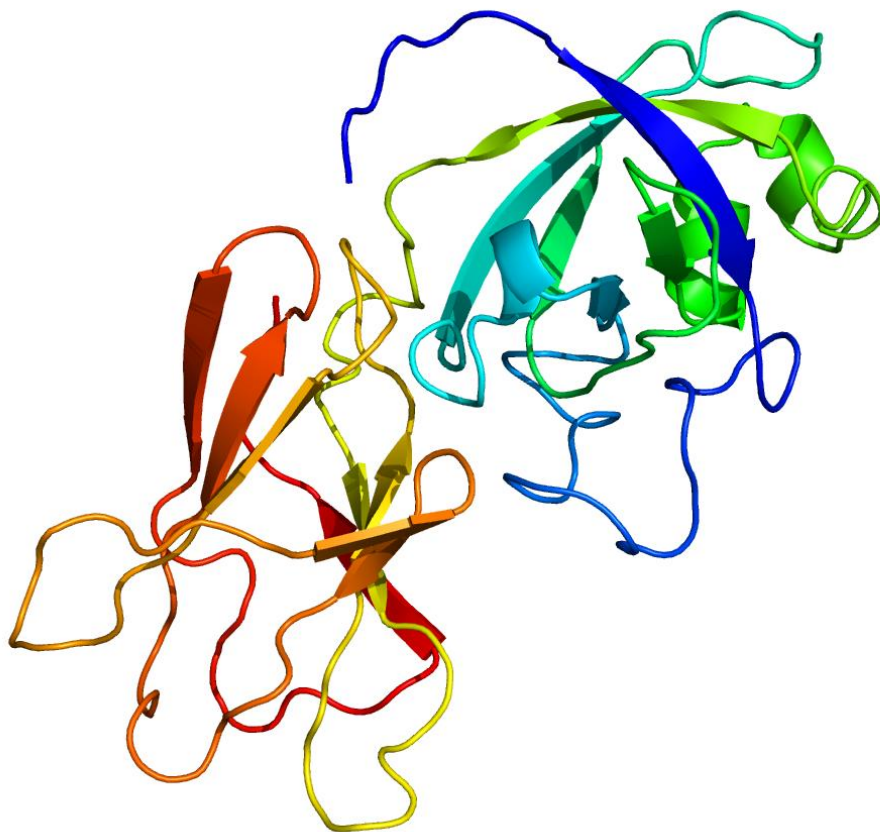
Locus: Migut.B00030

Gene Model: Migut.B00030.1.p

Description: MgEXLA-01

Family: Expansin Like Alpha

3D structure:



GENOME DATABASES

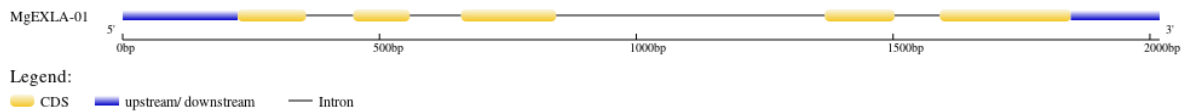
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mguttatus_v2_0

KEGG:-

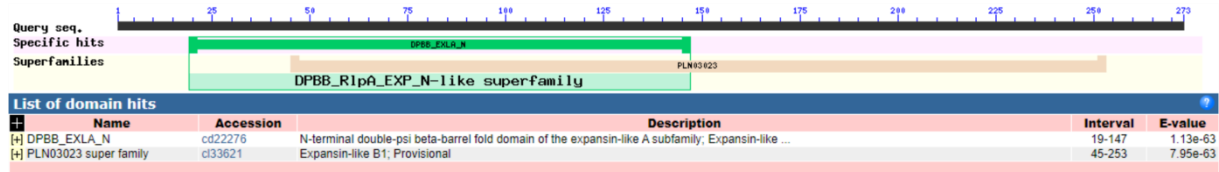
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>MgEXLA-01

MGEYFGVICSLVVTLLASYATACDRCVHQSKVSFFSKPQPPLLSGSCGYGSLAIGFN
EGRLAAASPSIYKDGAACGACFQIRCKDERICSKEGTKVLVSDRNDYDNKTDFFVSS
RAFTAMAKKGIMAQQILKLGLADVEYKRVACDEYKNKNLGLRVEESSQKPNYLAV
KLLYQGGQTEVVAMDVAQVGSSNWNYSRKYGAVWDTSRVPNGALQFRFVVTAG
FDGKWWAKSVLPSDWKNGSIYDSGLQITDIAQEGCSPCDDSTWKQSI*

CDS (coding sequence)

>MgEXLA-01

ATGGGTGAATATTTTGGTGTGATTTGCAGCTTAGTAGTAACTCTGCTTCTTGCTTC
CTACGCAACTGCGTGTGATCGCTGCGTGCACCAATCCAAAGTTTCTTTCTTTTCCA
AACCTCAACCCCCCTTCTGTCCGGAAGTTGTGGGTATGGTTCTCTGGCTATAGGA
TTCAATGAAGTCGTCTTGCAGCTGCATCACCTCCATTTACAAAGACGGAGCTG
CCTGCGGTGCATGTTTTAGATAAGATGCAAGGATGAAAGAATTTGCAGTAAAGA
AGGGACTAAAGTATTAGTGAGCGATCGGAATGATTATGATAACAAGACCGATTTC
GTGGTTAGCAGCAGAGCTTTCACGGCCATGGCTAAAAAGGGAATAATGGCCAG
CAAATTTTGAACTTGGCCTTGCTGACGTGGAATACAAGAGAGTAGCATGTGATG
AGTACAAAACAAGAATTTAGGCCTTAGAGTAGAAGAATCAAGCCAAAAGCCAA
ATTATCTGGCCGTTAAATTGTTATACCAAGGTGGTCAAACAGAAGTTGTCCGCAT
GGATGTTGCTCAGGTTGGATCGTCAAATTGGAATTACATGAGCAGGAAATACGGA
GCAGTGTGGGACACAAGTAGGGTACCAAATGGGGCGCTCCAGTTCCGGTTTGTGG
TGACGGCCGGGTTTGTGATGGGAAATGGTATTGGGCCAAAAGCGTGTTCCTTCTGA
CTGGAAAACGGGTCCATTTACGATTCGGGCCTCAAATCACTGATATTGCTCAA
GAAGGCTGTTCCCCTTGTGATGATTCCACCTGGAAACAATCAATTTGA

Nucleotide

>MgEXLA-01

GGATATATGTATTTAATTTCTCTCTCATTAGTTTTCTTATCTTTTATTATTAATTA
GTAATTACCTATACTCCATCCTCATCGTCTCACTTCTCCTTTTCTCCACTCACTCAC
ACGCGCAAACACACAAACACACTCTTCTCTCTGTCTATATATATATTCCCACT
TTGATCGATTCACATAATTAATTCTCAACAAAATTATTACATTAATAGTTATTAT
GGGTGAATATTTTGGTGTGATTTGCAGCTTAGTAGTAACTCTGCTTCTTGCTTCTCCT

ACGCAACTGCGTGTGATCGCTGCGTGCACCAATCCAAAGTTTCTTTCTTTTCCAAA
CCTCAACCCCCCTTCTGTGTAATTTTAATTTCTCTCTCACTAATTTTCTTTTCTTTT
CTGGCATAAATTTGAATATAATTTGAAATAAAATGATTTAATATTTGAATGCAGCC
GGAAGTTGTGGGTATGGTCTCTGGCTATAGGATTCAATGAAGGTCGTCTTGCAG
CTGCATCACCTCCATTTACAAAGACGGAGCTGCCTGCGGTGCATGTTTTCAGGT
ACTTTGTTTTTTTTTTTTTTTTGTTTTTTTAATTAATTATATACATACATATTTTCAAT
TGATTTTTGGTTAGTTAATTAATGAATTAATTATTGGCAGATAAGATGCAAGGAT
GAAAGAATTTGCAGTAAAGAAGGGACTAAAGTATTAGTGAGCGATCGGAATGAT
TATGATAACAAGACCGATTTTCGTGGTTAGCAGCAGAGCTTTCACGGCCATGGCTA
AAAAGGGAATAATGGCCCAGCAAATTTTGAACTTGGCCTTGCTGACGTGGAATA
CAAGAGGTTAGCCCTTACCACTTCTAATTAACCACTACTAATCTATTTTATTTATT
GACATTTGTATGAAAATATCATTCAATTATGATAATGATGGATTTTCAATTAGTTGC
ATAATTAATATTGCTGTTGGTTATACTTATGATGAATAACATATATAATTGGAAA
ACGATAAATGTAGCGCTAGTGGTCTTGTACACCCACCCACCTTTAGAGGATAGG
ATATACCTATATTGCCCCGAAATTTAATATTTATGGGTCCATTATGTGATCATATT
CTTTGAAAAACAATTTTAAAAAATTGTTCAATTAATGAATGCAGCTCATTATTATC
ATTTTAGCCGTTTCAATGTCCTTGATCTATATTTCTTTTCAACGGTCATATATATGA
TTTGTGTTCATACATTTATGGCATATGGTTACGTACACATATTTTTGAATTGTCGTT
GATTAATTAATTGAGATATACTAACTATCATAAAATATTAATGATCATATTAATTA
CATATATATTATGATTGAGCTGCAGAGTAGCATGTGATGAGTACAAAAACAAGA
ATTTAGGCCTTAGAGTAGAAGAATCAAGCCAAAAGCCAAATTATCTGGCCGTTAA
ATTGTTATACCAAGGTGGTCAAACAGAAGTTGTGCGCCATGGATGTTGCTCAGGTA
CATGCATATTCTTCTAGTTTTTCTTCCATTTACCAAATTTGTTAAAATATATTTCAA
TAAATAAATATTAATATAAATTTGTAGGTTGGATCGTCAAATTGGAATTACATG
AGCAGGAAATACGGAGCAGTGTGGGACACAAGTAGGGTACCAAATGGGGCGCTC
CAGTTCCGGTTTGTGGTGACGGCCGGGTTTGATGGGAAATGGTATTGGGCCAAAA
GCGTGTTGCCTTCTGACTGGAAAAACGGGTCCATTTACGATTCCGGGCCTCCAAT
CACTGATATTGCTCAAGAAGGCTGTTCCCTTGTGATGATTCCACCTGGAAACAA
TCAATTTGATGTAGGAAACAAGGCCATTGGGCTCAATCTTTTTATTCCATTTGAA
TGTCAATCGCCACGTTAGACTAGAGACATTAATTAAGAAAGATAGGCCGTCTAT
CATCATCATGTTTTGGGCATTAAATTCACAAATTACCAGTTGTGAACGGACAAGT
AATTGAATTAATAATT