

IDENTIFICATION

Species: *Sesamum indicum*

Locus: XP_011075523

Gene Model: XP_011075523.1

Description: SinEXPA-06

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Sesamum+indicum%5Borgn%5D>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T04135>

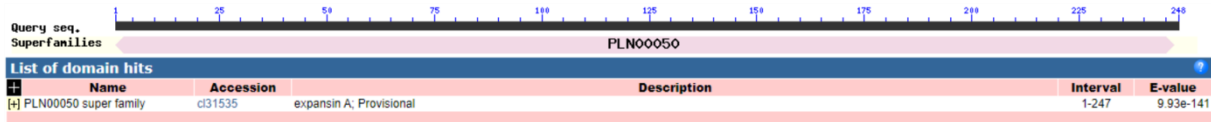
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>SinEXPA-06

MGFLGALLVGFLAMVSHVHGYGGGWIDAHATFYGGSDASGTMGGACGYGNLYSQ
GYGTNTAALSTALFNGLSCGSCYEIRC VNERRWCLPGSIVVTATNFCPPNNALPNN
AGGWCNPPLRHF DLSQPVFQHIAQYKAGIVPVS YRRVPCRRRGGIRFTINGHSYFNLV
LITNVGGAGDVH AVSIKGSRTGWQPM SRNWGQNWQNNAYLNGQSLSFKVTT SNGQ
TVVSYNAAPASWSYGQTFAGAQR

CDS (coding sequence)

>SinEXPA-06

ACCCTCAACACCCACCCTACCCCCACCCCCACCCTCATACCTCTATTTATAACAC
CATACTCCATTTTCTCTTCATTCAACTTCCCTCGCCTCATATTCTCCGCCTACCATT
TCCCCTAAACCTCAAAGGAAAATGGGTTTTCTTGGAGCTTTGTTGGTTCGGTTTT
CTTGCAATGGTTTCACATGTTTCATGGGTATGGAGGGGGTTGGATTGATGCCCATG
CAACCTTCTATGGAGGGAGCGATGCTTCTGGAACAATGGGTGGGGCTTGTGGGTA
TGGGAATCTCTACAGCCAGGGGTATGGTACAAACACTGCAGCGTTGAGCACAGC
CCTTTTCAACAATGGGCTGAGCTGTGGCTCATGTTATGAGATCAGGTGTGTGAAT
GAGAGGAGATGGTGCTTGCCAGGGTCAATTGTGGTGACTGCCACCAATTTCTGCC
CCCCAAACAATGCCTTACCCAACAATGCAGGGGGGTGGTGCAACCCTCCCCTCCG
CCACTTTGACTTGTCTCAGCCTGTCTTCCAACACATTGCTCAGTACAAAGCTGGAA
TTGTCCCTGTTTCTTACAGAAGGGTACCCTGCAGAAGAAGGGGTGGTATCAGGTT
CACAATCAACGGCCACTCCTACTTCAACCTAGTACTCATAACCAACGTCGGCGGT
GCCGGCGACGTACATGCAGTTTCCATCAAGGGATCGAGGACCGGTTGGCAGCCC
ATGTCAAGAACTGGGGCCAAAATTGGCAAAAACAACGCATACCTCAACGGTCAA
AGCCTCTCGTTTAAGGTCACCACGAGCAATGGCCAAACCGTCGTCTCCTACAACG
CAGCCCCAGCAAGTTGGTCTACGGCCAGACCTTTGCCGGAGCTCAATTCCGTTG
AGACGGATGGACGTTGGTGTGGAGAGACTACCCACGACTAGATGGACTACTCTTT
TCCCTAATGGGAGTTAGGTGTTTGGACATTCTACCAATATATTGGTCACTAGTATT
AGTAGTGTGACTTATTTGCAATTCTAGTAAAATTAAGGGGCCAAATTTTAAATGG
TCCTTGCTTTTTGAGTTTGAAAGGAGGGTGGATTTCTTTTTTTGTTTTTCTAATTT
TTGTCTGTTTATTGTCCTCTGTGTTGTAAGGGAGACGGTTGCTGAGGTGGATTTA
TTACCACCCGTTTCAGATTAAGTAGTAGTAGTAATTATAGTACTCTTTTTATAGT

ACACTTTGCTGTGGTTGGTTTTGTATGAAAGCAAGATGTAAATTCAATTTGACTAG
TAATGAAATGGCTTGTTTCTACCTA

Nucleotide

>SinEXPA-06

TAATAAAAAAAAAAAGGTTGAGCTCTCACAATGAACTCGACTTATATGAATGTAGG
TATTTAATATATTTTTAATAATAGTATATTATTTTTTATTTACTTTAAATTTATTAA
TTAATTTAGAAATATTAATACAAAAAGTGAAAGAGAAGGAATCAAACCTGGACTA
CTGCCAATAATATTCGGCTCAATTATTTCAATAATATTAAGAGAATTGCAAACCT
ATATTTTGGTCTCTTTGCAGTTTTTTTTTAATATTATTGAAATAATTAACCAACAA
AAAAATAACATGGTTTATGAAATTGTGGGAAAAACAATAAAGTAAAAACCCAGA
AAATAAAATTAAAAAAATAGTTTATAAAAAGTAAAAGAAGGTAGTGGGACCCAC
TTATAATAAGGCCCACTAAAACCATGAAATTACCTTTCTGGGCACCATCAGAAG
CTGTAACCCAGCACTCTGCCTGCACCCTTCAAAGTTTGAGTTAGTTGTGGC
GAATGACCCTCAACACCCACCCTACCCCCACCCCCACCCTCATACCTCTATTTAT
AACACCATACTCCATTTTCTCTTCATTCAACTTCCCTCGCCTCATATTCTCCGCCTA
CCATTTCCCCTAAACCTCAAAGTAACTATCTAACTACATTTCTACTTTTCCCCTC
TTGAAAAATGCTGAGAAATTTGCTCATTTCATTGCTTTTTTGGTTTTGTTTTCTGCAG
GGAAAAATGGGTTTTCTTGGAGCTTTGTTGGTCGGTTTTCTTGCAATGGTTTCACA
TGTTTCATGGGTATGGAGGGGGTTGGATTGATGCCCATGCAACCTTCTATGGAGGG
AGCGATGCTTCTGGAACAATGGGTATATATACTGTTGTTTGCACAATTTTCACCCA
TTCTTGTAAGACGTTTTTGGCTGACTCTTTGTACTTTCTCAAATTTCTTCAACAG
GTGGGGCTTGTGGGTATGGGAATCTCTACAGCCAGGGGTATGGTACAAACACTGC
AGCGTTGAGCACAGCCCTTTTCAACAATGGGCTGAGCTGTGGCTCATGTTATGAG
ATCAGGTGTGTGAATGAGAGGAGATGGTGCTTGCCAGGGTCAATTGTGGTGACTG
CCACCAATTTCTGCCCCCAAACAATGCCTTACCCAACAATGCAGGGGGGTGGTG
CAACCCTCCCCTCCGCCACTTTGACTTGTCTCAGCCTGTCTTCCAACACATTGCTC
AGTACAAAGCTGGAATTGTCCCTGTTTCTTACAGAAGGTAATTAGCCTAACATTA
ATTAATCTCCTTAATTAACCTATAATCTCTGTTTTTTAGTACTAATTGTTGAATCCC
ACGTAACTTTGGTCTTAACTAAGGACTAAACACCTCTTTAATGGCTTCTTGGTG
CGTTCTTCACTCACATTAACATCTTTAATTGTCTGTTTGTGGTCACTAATCACTAA
GTTTCTTCTGGACAGTTTTTGCCCTCATCTTTTATCCCCCTCCCCTCTCTACCCTCTC
TGAAACTAAATTCTTGAATTTTGTGGCTGCTGTTAGGTTTCCCATTTGGCCCCTCA
ACTATGAAAAATCTGCAAATTTGACCCAAAAACTTTTACTCTGAACATTTGTA
GGGTACCCTGCAGAAGAAGGGGTGGTATCAGGTTTACAATCAACGGCCACTCCT
ACTTCAACCTAGTACTCATAACCAACGTCGGCGGTGCCGGCGACGTACATGCAGT
TTCCATCAAGGGATCGAGGACCGGTTGGCAGCCCATGTCAAGAACTGGGGCCA
AAATTGGCAAAACAACGCATACCTCAACGGTCAAAGCCTCTCGTTTAAAGGTCACC
ACGAGCAATGGCCAAACCGTCGTCTCCTACAACGCAGCCCCAGCAAGTTGGTCCCT
ACGGCCAGACCTTTGCCGGAGCTCAATTCCGTTGAGACGGATGGACGTTGGTGTG
GAGAGACTACCCACGACTAGATGGACTACTTTTTCCCTAATGGGAGTTAGGTGT
TTGGACATTCTACCAATATATTGGTCACTAGTATTAGTAGTGTGACTTATTTGCAA
TTCTAGTAAAATTAAGGGGCCAAATTTTAAATGGTCCCTTGTCTTTTGTAGTTTGA
GGAGGGTGGATTTTCTTTTTTTGTTTTTCTAATTTTTGTCTGTTTATTGTCCCTCTGT
GTTGTAAGGGAGACGGTTGCTGAGGTGGATTTATTACCACCCGCTTTCAGATTAA
GTAGTAGTAGTAATTATAGTACTTTTTTATAGTACACTTTGCTGTGGTTGGTTTT

GTATGAAAGCAAGATGTAAATTCAATTTGACTAGTAATGAAATGGCTTGTTTCTA
CCTACAATTATTTCTAATTTATGTTAATGTAATATATTTGACCTGTAATAAATTAG
AGGTAAGTAATTTATACATAGTCCGAACATGTGGTAAATGTTTCGGTTAGAAATCT
TTTTCTTTAGTTCAATAAAAAATAAAATTAATCACACTTAGACCCCATTTAAAAA
CGTAAAATTATATTTTTTACTAAATAAGATTTAAAATTATATTTACAGTCTTTCTA
AAAGTCATTGTTTACGCTTGTCCCTTTTTTGTACAAATTTGATAAAAAATATTGAC
TTTAGCAAGTAAATATACTTAAACATTCTTATAAAATAATTTTATACTTATAAAAT
AAAAAGTATAACGATGTTACCTCATTCTATATACATATATAAAATTTCTATTGTCC
CTTTATAAGTACAAACAATACACATGAAAATGCTTAAATGAACGGATAAAATTA
AAAATTATGTAATATTTTTTTTTTGTCCAAATCCTACCTAGAAGTAGTTCAGTTAA
AT