

IDENTIFICATION

Species: *Olea europaea*

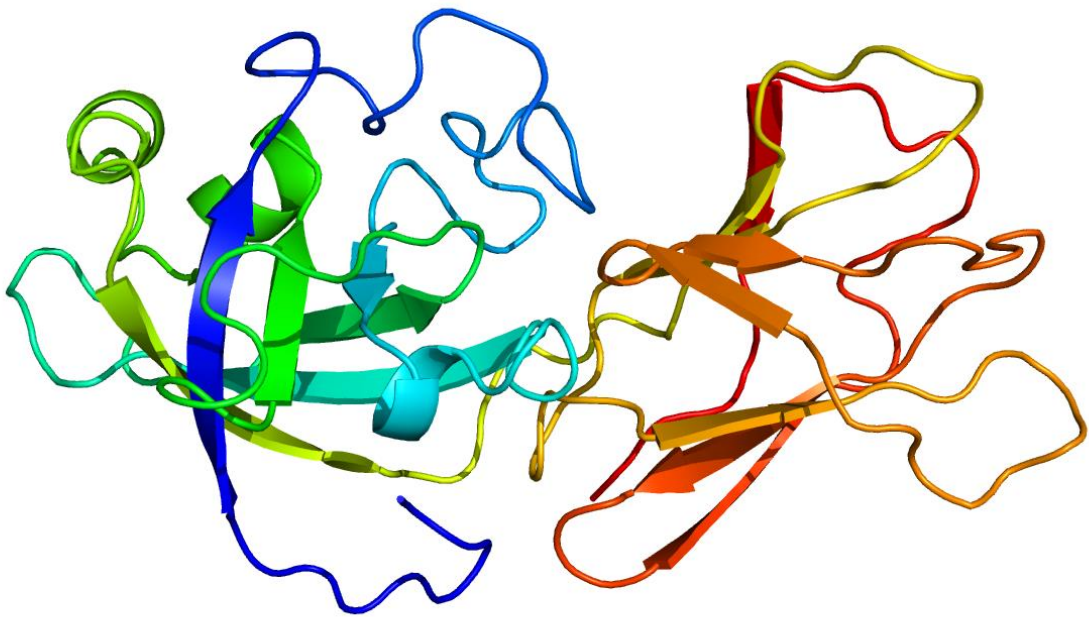
Locus: Oeu029921

Gene Model: Oeu029921.1

Description: OeuEXPB-07

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Oeuropaea_v1_0

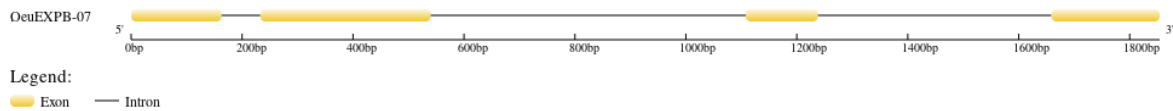
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05244>

EXTERNAL RESOURCES

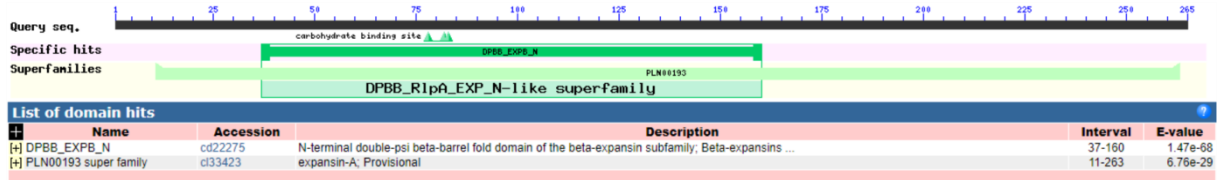
<http://olivegenome.org/>

<https://genomaolivar.dipujaen.es/db/index.php>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>OeuEXPB-07

MEGRRHIVHFLVSVILLLFHCLVAGASPLRQVFEPHWYPATATWYGSPEGDGSDDGGA
CGYGSLVDVKPLRARVGA VSPVLFKNGEGCGACYKVRCLDKSICSRRAVTVIITDEC
PGGYCSNGHTHFDLSGA AFRMAISGDGGGLRNRGEISVIYRQTPCKYRGKNIAFHV
NEGSTDYWLSLLVEFEDGDGDV GSMQIRQTNSNEWLEMTHLWGANWCIIGGPLRGP
FSVKLTTLSTGRSLSARDIIPRNWSPKATYTSRLNFY*

CDS (coding sequence)

>OeuEXPB-07

ATGGAGGGTCGCCGCCATATAGTCCATTTCTTGGTGTCTGTCATACTATTGTTGTT
TCATTGCTTGGTGGCCGGCGCCAGCCCTCTCCGGCAAGTGTTTGAGCCACATTGG
TATCCCGCCACCGCTACTTGGTACGGTAGCCCCGAAGGCGACGGCAGTGACGGTG
GGGCGTGTGGATACGGGTCACTGGTGGATGTGAAGCCATTACGAGCTCGAGTCG
GGGCGGTGAGCCCGGTATTATTTAAAATGGGGAAGGGTGCGGGGCGTGCTATA
AAGTGAGGTGCTTGGACAAGTCGATATGCTCTCGAAGGGCCGTGACAGTCATAAT
TACGGACGAGTGCCCTGGAGGTTACTGCTCGAATGGCCATACCCACTTTGACCTT
AGTGGTGCCGCTTTGGCCGGATGGCTATCTCCGGTGATGGTGGCGGGTTGCGCA
ACCGTGGCGAAATTTCCGTCATCTACCGACAGACACCATGTAAGTATCGTGGGAA
AAACATTGCCTTTCATGTCAATGAAGGATCAACTGACTATTGGCTCTCACTTTTAG
TCGAATTCGAAGATGGAGATGGCGATGTTGGGTCGATGCAAATAAGACAGACAA
ATTCGAACGAATGGCTCGAGATGACACATTTATGGGGTGCAAATTGGTGCATTAT
TGGGGGACCCTTGAGAGGACCATTTTCTGTAAAGTTAACGACACTATCAACGGGA
AGAAGCCTATCTGCAAGGGATATTATCCAGAAATTGGTCTCCAAAAGCCACTT
ATACTCCCGCCTCAACTTCTACTAA

Nucleotide

>OeuEXPB-07

ATGGAGGGTCGCCGCCATATAGTCCATTTCTTGGTGTCTGTCATACTATTGTTGTT
TCATTGCTTGGTGGCCGGCGCCAGCCCTCTCCGGCAAGTGTTTGAGCCACATTGG
TATCCCGCCACCGCTACTTGGTACGGTAGCCCCGAAGGCGACGGCAGTGACGGTA

TATATGCCCCACCATTCTCCGTTTATAATTATGTTTATTGTACTATCTAATCTTAT
TTTGTGAAGGTGGGGCGTGTGGATACGGGTCACTGGTGGATGTGAAGCCATTAC
GAGCTCGAGTCGGGGCGGTGAGCCCGTATTATTTAAAAATGGGGAAGGGTGCG
GGGCGTGCTATAAAGTGAGGTGCTTGGACAAGTCGATATGCTCTCGAAGGGCCGT
GACAGTCATAATTACGGACGAGTGCCCTGGAGGTTACTGCTCGAATGGCCATACC
CACTTTGACCTTAGTGGTGCCGCTTTGGCCGGATGGCTATCTCCGGTGATGGTGG
CGGGTTGCGCAACCGTGGCGAAATTTCCGTCATCTACCGACAGTAAGTCGTA
GACTAAACTACAATGTCCAGATCTGTTCTTTATTGGTGCAACTGTCTAATTCTTTT
TAGTCAATTTGAGATTAATTTGGTCAAATCTTGTGACATCTCAACTGACAAGTG
AGCTCAGATAGAACTAACAATCCAGTTACAGTGCTCGAATTTTTTTTTTTTTTTT
ATTTACATAGAGGATGATCGACTCTCACAATGGCGGGGTCCAATTTTTTGA
TTTTATTCATATAAGACCTAAGGCATGTGAGAGAGGCCAAAGTAATAAAATTCTAG
AATTAATTTTCAGAATCCAAACACTTGTGTTGCGTTGGCAGCTCTTGTATAGTGCA
TTTTCTCTCATATTTGAGTTCAAACTAATGAAAAGTTGCCAAGTATTTGTAAAA
AATTCTGTCAAATTTTCCTGTAGCATAGCTGGCTCAGATATTAATAAATTCTGTGG
CTATGTATTAGGAGAAAAATGTCTAGATGTAAATGATTTTTATTTTTTCAATTCTA
AAATTAATAATAATAATTAATTTATTTACAAAATTTATATGTAAATTTGCAGGAC
ACCATGTAAGTATCGTGGGAAAAACATTGCCTTTCATGTCAATGAAGGATCAACT
GACTATTGGCTCTCACTTTTAGTCGAATTCGAAGATGGAGATGGCGATGTTGGGT
CGATGCAAATAAGACAGGTAACATAACATCTCTCCATAATTTTCACGAATAAA
TCACAAGACTTAAAACAAAAAATATTTTTTTGACGAGATTCATAGTCAAAGAAGC
TTCAAGTGCCCTACGGTCATAGAACTTTGTCTAAAAAAAACCTCAATTACTTTT
AATATAGATCCCCGATTGAACATTTTTTTATTAATACGTAGTTTTTTATTAATTTTGT
TAATCGAGTATATCAAACATGTCCACGCATTTTAATTTCTCTAGTGAGCAATGTGC
ACCAAAACACCTCCCATAATTGTAATGGGATTTCTACTTCAAGTGCTTATAGTGTA
CACTATGAAGTATCTAACTTTATTTGTGCTTAACTTTTTGTCTGCCTCAACTTATA
ATAATTCAGATTGCAATAATCACGTAACAAAATTATAATCGTGCAGACAAATTCG
AACGAATGGCTCGAGATGACACATTTATGGGGTGCAAATTGGTGCATTATTGGGG
GACCCTTGAGAGGACCATTTTCTGTAAAGTTAACGACACTATCAACGGGAAGAAG
CCTATCTGCAAGGGATATTATCCAGAAATTGGTCTCCAAAAGCCACTTATACTT
CCCGCCTCAACTTCTACTAA