

## IDENTIFICATION

**Species:** *Citrus clementina*

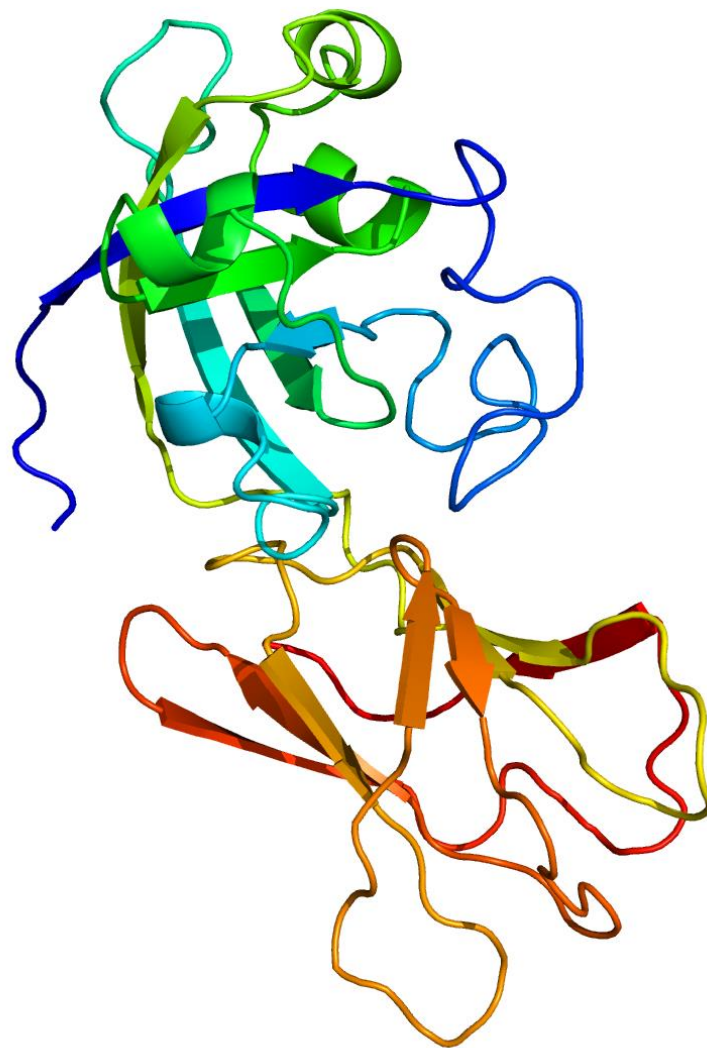
**Locus:** Ciclev10016660

**Gene Model:** Ciclev10016660m

**Description:** CclEXPB-02

**Family:** Beta Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

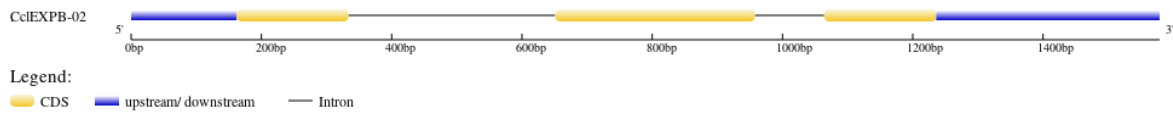
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cclementina\\_v1\\_0](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cclementina_v1_0)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02982>

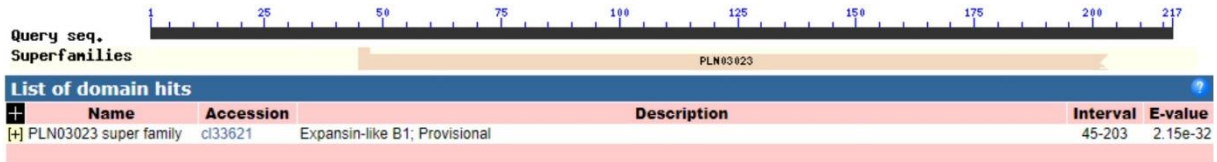
## EXTERNAL RESOURCES

<https://www.citrusgenomedb.org/organism/Citrus/clementina>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>CclEXPB-02

MQCQPEYSVSQVLTFCLLLAFKCSVVAPTQLNHQLSEPHWLPATATWYGSPDGDGS  
DGGACGYGSLVDVKPLRARVGA VSPVLFKNGGGCGACYKVRCLDKSICSRRAVTIIV  
TDECPGGYCSNGRTHFDLSGAAFGRMAIAGESGQLRNRGELPVIYRRAPCKYPGKNI  
AFHVNEGSTDYWLSLLVEFEDGDGDVGS MHIREVNFVYLLNFYFLG\*

### CDS (coding sequence)

>CclEXPB-02

ATGCAGTGCCAGCCGGAGTACAGCGTCAGCCAAGTCTTGACCTTTTGTCTTCTGTT  
GGCGTTCAAGTGTTCAGTTGTTGCTCCAACGCAGCTAAATCACCAACTGTCGGAA  
CCACATTGGCTTCCAGCTACCGCCACTTGGTACGGCAGCCCCGACGGCGACGGCA  
GCGACGGAGGGGCTTGTGGGTACGGTTCATTAGTGGACGTGAAGCCACTTAGGG  
CGCGAGTGGGTGCAGTGAGCCCGGTGCTGTTCAAGAACGGAGGGGGATGTGGAG  
CATGCTACAAAGTTAGGTGCCTTGACAAGAGCATTGCTCAAGGCGGGCCGTCAC  
AATCATTGTAACGGACGAGTGCCCCGGTGGCTACTGCTCCAACGGTTCGCACCCAC  
TTTGACCTCAGTGGTGCAGCCTTTGGTCGCATGGCCATTGCTGGTGAGAGTGGCC  
AGCTCCGTAACCGAGGCGAGCTCCCAGTCATCTATAGACGGGCCCCATGTAAATA  
TCCTGGGAAGAATATTGCGTTCCATGTGAATGAAGGTTCAACAGATTATTGGCTT  
TCCCTTTTGGTGGAATTTGAAGATGGAGATGGTGATGTTGGCTCAATGCACATAA  
GGGAGGTAAATTTTGTATCTTTTAAATTTTACTTTTGGGCTAA

### Nucleotide

>CclEXPB-02

TTGTTGCTATTTATGGAACCTGACATGGAGCCTTCACACTATTGCTTCTGTCTTCA  
CTAATAAATGCAAAGAAGCTGTCGGCAAAGCTTTCTCTTGCTTTCTTCGTTGTTTT  
TCCCCGGGGAAGTGAGGCCGGCTGTTTAATTTTACAGTCAGACATACACAATGCA  
GTGCCAGCCGGAGTACAGCGTCAGCCAAGTCTTGACCTTTTGTCTTCTGTTGGCGT  
TCAAGTGTTCAAGTTGTTGCTCCAACGCAGCTAAATCACCAACTGTCGGAACCACA  
TTGGCTTCCAGCTACCGCCACTTGGTACGGCAGCCCCGACGGCGACGGCAGCGAC  
GGTAGGGCCCACTACGTACCCTTTTGTTCATTACTAGTAACTCTAGGCTCTAAC  
TACTATTCTTGAGTCAAGATCTGTTTAAAGCTATAGCTAATTTAAGTTCAGTTGTG

GGCGCGAACGGGGTCATAATATATGACACCAATTTTGAGGGACGCATAACATATT  
CATTATCAATTTGAGGGATCAAAAAATAAAAAATTTACATAAATTCGGTTTTAGTT  
GTTTGCTGATTTGTGATTTGACACAGAACCCGACTGTGTCAACTCAGTTAATTGAC  
AAGCATTTTGTGTAATTTGGGTAGTTATCATAATGTGCAGGAGGGGCTTGTGGGT  
ACGGTTCATTAGTGGACGTGAAGCCACTTAGGGCGCGAGTGGGTGCAGTGAGCC  
CGGTGCTGTTCAAGAACGGAGGGGGATGTGGAGCATGCTACAAAGTTAGGTGCC  
TTGACAAGAGCATTGCTCAAGGCGGGCCGTCACAATCATTGTAACGGACGAGTG  
CCCCGGTGGCTACTGCTCCAACGGTCGCACCCACTTTGACCTCAGTGGTGCAGCC  
TTTGGTCGCATGGCCATTGCTGGTGAGAGTGGCCAGCTCCGTAACCGAGGCGAGC  
TCCCAGTCATCTATAGACGGTATTCTCTTTGACTTTAAATGCCTCTCCTCTTTTTG  
TCACCTTAGGCTCGTTTATTTGTTTCGTTAATTTTTATAATTATTAATTTTTTTTGGC  
TAATCTTTTAGGGCCCCATGTAAATATCCTGGGAAGAATATTGCGTTCATGTGA  
ATGAAGGTTCAACAGATTATTGGCTTTCCCTTTTGGTGGAATTTGAAGATGGAGA  
TGGTGATGTTGGCTCAATGCACATAAGGGAGGTAAATTTTGTTTATCTTTTAAATT  
TTACTTTTTGGGCTAAAGAAAAGCATTTTCCCCATGTCGTTTAAAGACAGTAAAG  
TGTAAGACGTATATGCTTGCCACTTTCTCATTTCCAAGAAGGAAGTGTATAAA  
AAGGACAGCAAACCTCCACTAGTGGTATGTTGCTGTGACAGGGCGTAAGTTAAGAT  
TTAAAAAAAATGCTTAGAAAACCTTTCAGCAACGTTAAATATGCAGCAAATGAAAT  
TAAGTTGGTAGCGCATCCAAAAATTAAAAAAAAAAAAAAGTATGGTTCGAATTTTTTT  
TGGTAGATTAAATATTTAAACCCATTAATTAAGAAGACAGCTCCTAACATTGCGG  
ACATCACTCTTCTTAATCATGTGCCACTG