

IDENTIFICATION

Species: *Chenopodium quinoa*

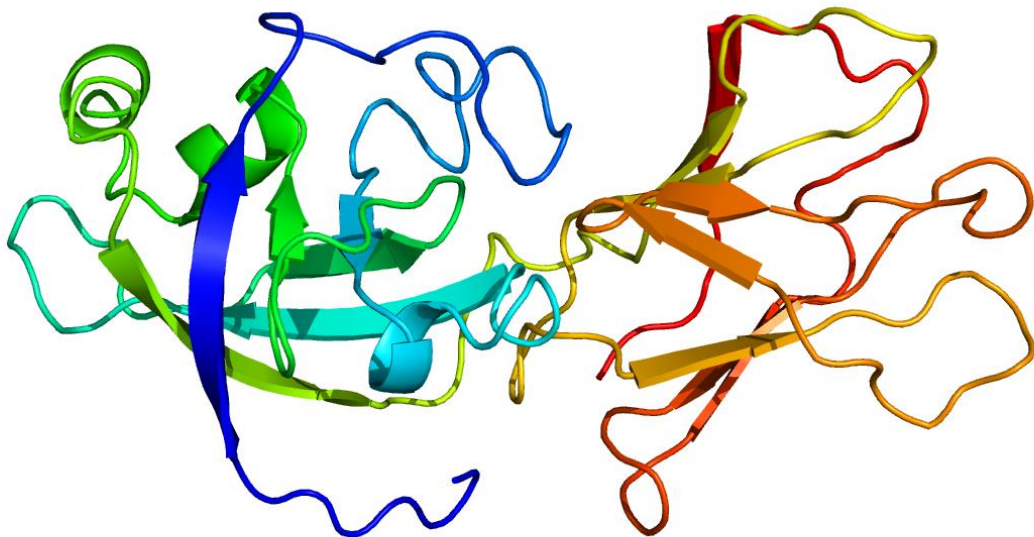
Locus: AUR62012950

Gene Model: AUR62012950

Description: CqEXLA-01

Family: Expansin Like Alpha

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa_v1_0

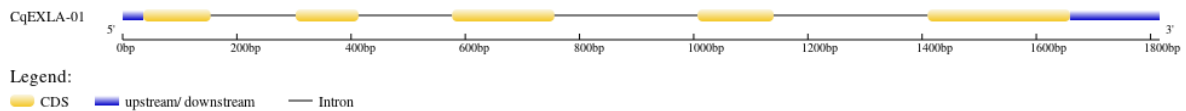
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05764>

EXTERNAL RESOURCES

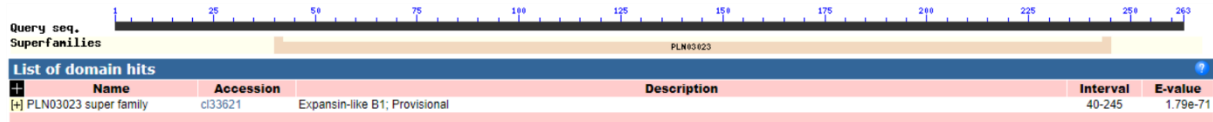
<https://www.cbrc.kaust.edu.sa/chenopodiumdb/>

<http://quinoa.kazusa.or.jp/index.html>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CqEXLA-01

MAGFVVVFIFMILFVSSVTACDRCVHRSKAAFFYNDSPLSSGACGYGSLALNLNRGFL
AAGVSKLYNDGAGCGACFQIRCKDNYLCSKAGTKVILTDLNTNKNDFVLSNRAFK
AMANPGKDL DVEKLGINDVEYKRIPCDYKGQNLAIRVDESSHNPGYLAIKILYQGGQ
TEIVAINVAQVGSFNWTFMSRNHGIVWDTSRAPNGPLQFRFVVTSGYDGKNIWAKN
VLPADWKPGVIYDTKVQITDIAQEACSPCDDDTQWK*

CDS (coding sequence)

>CqEXLA-01

ATGGCGGGATTTGTGGTCTTCATCTTTATGATACTGTTTGTATCATCTGTAACAGC
TTGTGATCGTTGTGTTTCATCGATCAAAGGCTGCTTTTTTCTATAATGATTCACCAC
TTTCATCTGGAGCATGTGGGTATGGTTCGTTGGCTTTGAACTTAAACAGGGGATTT
CTTGCAGCTGGTGTCTCTAAATTGTATAACGATGGTGCTGGCTGTGGTGCATGCTT
TCAGATAAGATGCAAAGATAATTATCTGTGTAGTAAGGCAGGGACTAAAGTGAT
ATTAAGTATCTGAATACAAATAATAAAAATGATTTTGTTTTGAGCAATCGAGCT
TTCAAAGCCATGGCCAACCCTGGAAAGGACCTAGATGTTGAGAAGCTTGGAATTA
ATGACGTGGAATATAAAAGGATCCCGTGTGATTATAAAGGTCAAATTTGGCTAT
TCGAGTTGATGAGTCTAGCCATAATCCTGGTTACTTGGCAATTAATTTCTCTACC
AAGGTGGACAAACAGAAATCGTAGCAATCAATGTTGCTCAGGTTGGTTCACCAA
ATTGGACTTTCATGAGCCGAAATCATGGAATAGTGTGGGACACAAGCAGGGCAC
CAAATGGGCCTTTGCAGTTCAGATTTGTTGTAACATCGGGCTATGATGGCAAAA
TATTTGGGCCAAAATGTCTTACCAGCAGATTGGAAGCCCGGAGTTATTTATGAC
ACCAAAGTTCAAATCACTGATATTGCTCAAGAGGCTTGCTCTCCTTGTGATGATG
ATACACAATGGAAATAA

Nucleotide

>CqEXLA-01

AAACCAATTCAAATATTCCACAAAATTGATCAAATATGGCGGGATTTGTGGTCT
TCATCTTTATGATACTGTTTGTATCATCTGTAACAGCTTGTGATCGTTGTGTTTCATC
GATCAAAGGCTGCTTTTTTCTATAATGATTCACCACTTTCATGTAAATAAATATCT
CCCCTGTTTTATTAGTCTAGTTTTAATATTGAATTTTGATTAACTGATTGTAATTA
GTACAATTTGAGATTGACCCAAATTATATTTTATGCCATTAATAAGTGGGTGATC

GTTAATTTTTTGAATTGATGCAGCTGGAGCATGTGGGTATGGTTCGTTGGCTTTGA
ACTTAAACAGGGGATTTCTTGCAGCTGGTGTCTCTAAATTGTATAACGATGGTGC
TGGCTGTGGTGCATGCTTTCAGGTATTTTATGTTTCGAAATTAGTTGTCACGTTGAT
ATTATCGTTTTAAAGTTGTATTGTATGTAAATTCAGACGGGGTTACTACGAATATGC
TTAGTAAGATAGATGATCACTGATGTTATATTGTTATATTATGTGCTAAAATCAG
TTATTTTTGTTATGGCAGATAAGATGCAAAGATAATTATCTGTGTAGTAAGGCAG
GGACTAAAGTGATATTAAGTCTGAATACAAATAATAAAAAATGATTTTTGTTTT
GAGCAATCGAGCTTTCAAAGCCATGGCCAACCCTGGAAAGGACCTAGATGTTGA
GAAGCTTGAATTAATGACGTGGAATATAAAAGGTTACATTTATTAACACTAATTT
TTATGTTACCTTGCTCATATTTCTTCGAATATATATTTATGAATGTGAAATGATACA
TTGAAAACAAATAAGTGTGAATGAATATAAATGTTCTGTCAATATTGATAATTTT
CAAAAATGCAATAACATGATTTGTGTTGAACATTATCTAAGATCTTATTATCTTGA
GTATGGAGTAGAAAGTCTTAAGGTTAAAATCGTTCTTACATCATTTTACATGTGC
ATAACAGGATCCCGTGTGATTATAAAGGTCAAAAATTTGGCTATTCGAGTTGATGA
GTCTAGCCATAATCCTGGTACTTGGCAATTAATAATTCTCTACCAAGGTGGACAA
ACAGAAATCGTAGCAATCAATGTTGCTCAGGTAACCATATTTTAAAATGTACTCC
ATCTATTTTCTCAAGCATATGAGCAAGTAGTTAAACTAGGGATATCTCCATAAA
TGAGAGGTTAGGAAAATATAGAATTCAAAAAATAGATCTTGCATGTCAAAAAAC
ATTAGCCACATTTTAAGAATATTTGTTTACATTTAATAAACTTTAATTTTTGTGTT
TATAGTGAAATGATAGGTTGGTTCACATTAATAATACCTTAATAAACTTTAATTTT
TGTGTTTGTGTATGAAATAATAGGTTGGTTCACCAAATTTGGACTTTCATGAGCCG
AAATCATGGAATAGTGTGGGACACAAGCAGGGCACCAAATGGGCCTTTGCAGTT
CAGATTTGTTGTAACATCGGGCTATGATGGCAAAAATATTTGGGCCAAAAATGTC
TTACCAGCAGATTGGAAGCCCGGAGTTATTTATGACACCAAAGTTCAAATCACTG
ATATTGCTCAAGAGGCTTGCTCTCCTTGTGATGATGATACACAATGGAAATAATT
TTAGATGTAGAAATGTTTAAGCTATAAGTTGTATGTTTTCTTTTATGTTATAGAAT
AATAAACTAAAAGTATATATTTATGTAAAAATTAATAAAGTATTTGTATGTAA
TAATAAAGAGATACATATGAATGTCAAGTCCAATTTTTCACTTT