

## IDENTIFICATION

**Species:** *Kalanchoe laxiflora*

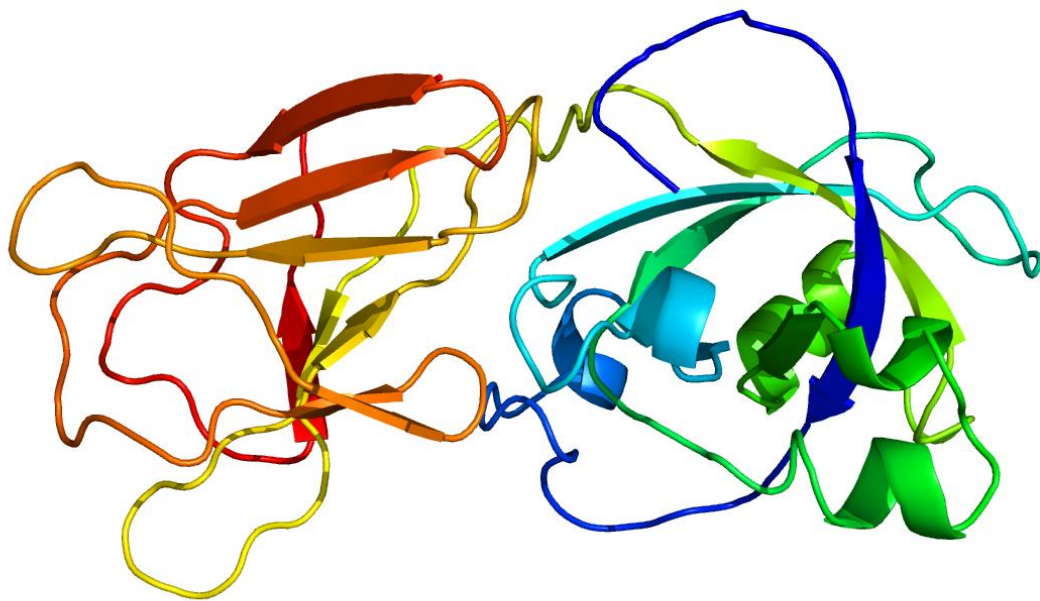
**Locus:** Kalax.0002s0015

**Gene Model:** Kalax.0002s0015.1.p

**Description:** KlEXPA-02

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

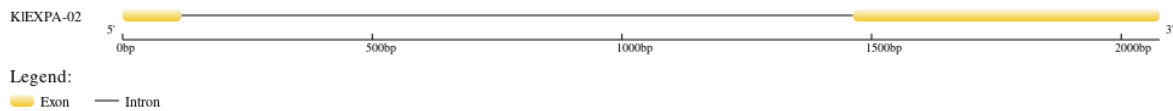
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/KlaxifloraFTBG2000359A\\_v3\\_1](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/KlaxifloraFTBG2000359A_v3_1)

KEGG:-

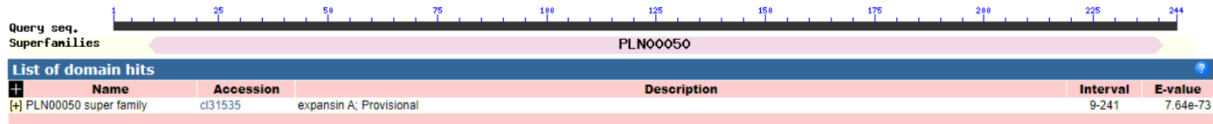
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>KIEXPA-02

MKNFISFSFQVLISLCLTFVVPTRAGGWINGRATFYQDASGAACGYNAGQSYGNQIA  
AVSEALFNNGALCGACYEIMCVNSPNCNRGAGSIKVTATNFCPSTSGPNAWCNPPQK  
HFDLSIAMFTKLAPYKFGIVPVQFRRIRCARSGGVRFTISGKTNPNWLEVLVHNVAGD  
GVVRDVQIKGSRGTWQMRRNWQNWQVSSPPNGQTLNFRVTTDGRSLVFNNVA  
PANWQSGQTFPGRQNF\*

### CDS (coding sequence)

>KIEXPA-02

ATGAAGAATTTTATTAGCTTCTCATTTC AAGTGTTGATTT CATTATGTCTCACTTTT  
GTTGTCCCAACACGTGCGGGGGGATGGATAAATGGGCGAGCCACATTCTACCAA  
GACGCAAGTGGAGCAGCGTGTGGGTATAATGCCGGTCAAAGCTACGGCAACCAG  
ATAGCCGCCGTGAGCGAAGCACTTTTCAACAACGGCGCCCTCTGCGGTGCGTGCT  
ACGAGATAATGTGCGTAAACAGCCCCAACTGCAACCGCGGCGCCGGATCCATCA  
AAGTCACGGCCACCAACTTCTGCCCTCCACCAGCGGACCCAACGCGTGGTGCAA  
CCCTCCCAGAAAGCACTTCGACCTCTCAATCGCCATGTTACGAAGCTGGCGCCG  
TACAAGTTCGGGATCGTGCCGGTGCAGTTCGCCGCATACGGTGC GCGAGGAGCG  
GAGGCGTGCGGTTACGATCAGCGGGAAGACCAACCCGAACTGGCTGGAGGTGC  
TGGTGCAACGTGGCGGGAGACGGGGTGGTGAGAGACGTT CAGATCAAGGGGT  
CGAGGACGGGGTGGATACAGATGAGGAGGAACTGGGGGCAGAACTGGGACGTTT  
CTTCGCCCGCCAATGGACAAACGCTGTCTTTAACGTGAGGACGACAGACGGGA  
GGTCTTTGGTGTTCAACAACGTCGCTCCAGCTAACTGGCAAAGTGGACAGACGTT  
CCCTGGACGACAAAATTTTAA

### Nucleotide

>KIEXPA-02

ATGAAGAATTTTATTAGCTTCTCATTTC AAGTGTTGATTT CATTATGTCTCACTTTT  
GTTGTCCCAACACGTGCGGGGGGATGGATAAATGGGCGAGCCACATTCTACCAA  
GACGCAAGTAAGTCTAATCAGCGTGTCAATTTGAAAATCTAATGTAATGATTCA  
ATATTATTTTAAATTTTTTTATAATTTTTATAGCGTCATGTGATTAATCAAAATG  
ACACGTGATAATTCCACATTGATGTTACGTTGATGGATTGTGTTTACTCAAAAAT  
TTCATCATAATATAAAGTTTAAAATCTTTGTGATTGTTTTAAAATATTACAATTT

CATCAAGCTAGATATATCTACGCTATTTTACCTATAAATAATCCTCCTCCATGTTG  
CATTGATTTTTTTTATGGGTAAATTCTGAACTTGATACACACAGAAAGGTGTAATAT  
ATAAAAAAGTTCAATTAATTTTTGTATAAAATTTAATGTCAAATGAAAATTTTCAT  
GTAAATATTACAAATAAAGAAATAAATAAAGGACTCGGCGGACATAACCATGTCA  
TGGCATATAATCTACGTACTCTATCGACTTAATGAAGTCGTTTTATGTTATTTTTA  
TGAGATTTATGATTTTTAAGTTTTATAATTTTTATTGTCTTAGGGTTTTAAAGATTT  
TTTTTCAAATTTTCATATTTTTAGTGTCTTCTGTATGTTTTCAAACCTCATTTAAAA  
CGACGTCATTTTATAACTATAAACCTCAATTTTAAAATCGTAAAAATATTTAAAA  
AAATAAACCTAAAACCCCTCAAACCTTATAGTAAATCTTAGAATATTTAAAA  
TTTAAATCATTAATTTCTAAAACCTTAAACACCATTCAAATGAAGTCATTTTTAA  
CCGTTAGGGTACATAACTTATATACCCTGATAGAATATATTTTTTTCCATAAATAA  
ATGAGAAACACTTAAAAAGGCATGTGAAGATTGTCACAAATAATTAATTTAAA  
ATTTTTAGTTATAATGTTGTATTTGGGTATAGTACTTAGTTTGATCCGTTTCTGCT  
TATTTATAGGACTCGAAAATTATGAAGATTGTCACTTGAAACAAATAATAATTAT  
TAATTTATTTAAGATCTTATATAATAACATTATAGGATGTCGCGATCCCGGCGGT  
TATGCTCCCGGCGGTTATGCTCCCCCTCCCGAATCGAACCGATTCCGTTGAAATC  
GGTTGGTTCGGTTTGAAATCAGTCAGTTCAGTTCGATTTGAAATTTTAAAAAATTG  
TTCGGTTTGAAACGGGTAGGTTCCGGTCCGGTTTGAAATATTAATAGTTTGATTGCG  
GTTCAAATTTTAAAAAACCAATGACTAATAATTTGATTTCGAAATTTAATTTTTAC  
GAACCGAACCAACCCGTCGAGTCGACGGGTACCTCCCTAGTATTTAATAATATT  
ATATTTATAATCAGGTGGAGCAGCGTGTGGGTATAATGCCGGTCAAAGCTACGGC  
AACCAGATAGCCGCCGTGAGCGAAGCACTTTTCAACAACGGCGCCCTCTGCGGTG  
CGTGCTACGAGATAATGTGCGTAAACAGCCCCAACTGCAACCGCGGCGCCGGAT  
CCATCAAAGTCACGGCCACCAACTTCTGCCCTCCACCAGCGGACCCAACGCGTG  
GTGCAACCTCCCCAGAAGCACTTCGACCTCTCAATCGCCATGTTTACGAAGCTG  
GCGCCGTACAAGTTCGGGATCGTGCCGGTGCAGTTCGCGCCGATACGGTGCGCGA  
GGAGCGGAGGCGTGCGGTTACGATCAGCGGGAAGACCAACCCGAACCTGGCTGG  
AGGTGCTGGTGCACAACGTGGCGGGAGACGGGGTGGTGAGAGACGTTTACAGATCA  
AGGGGTCGAGGACGGGGTGGATACAGATGAGGAGGAACCTGGGGGCAGAACTGG  
GACGTTTCTTCGCCGCCGAATGGACAAACGCTGTCTGTTTAACTGAGGACGACAG  
ACGGGAGGTCTTTGGTGTTCACAACGTCGCTCCAGCTAACTGGCAAAGTGGACA  
GACGTTCCCTGGACGACAAAATTTTTAA