

## IDENTIFICATION

**Species:** *Trifolium pratense*

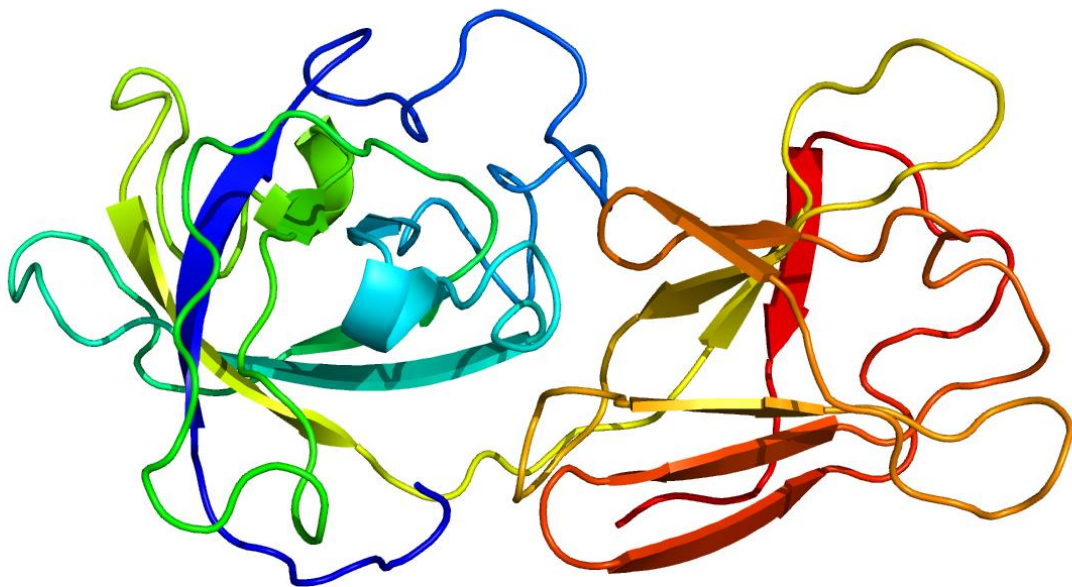
**Locus:** Tp57577\_TGAC\_v2\_mRNA39336

**Gene Model:** Tp57577\_TGAC\_v2\_mRNA39336

**Description:** TprEXPA-06

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

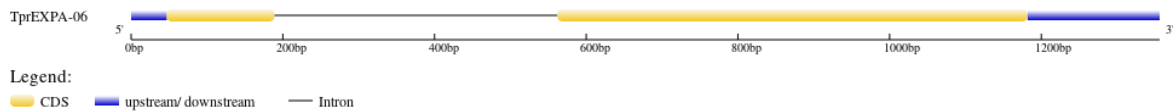
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Tpratense\\_v2](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Tpratense_v2)

KEGG:-

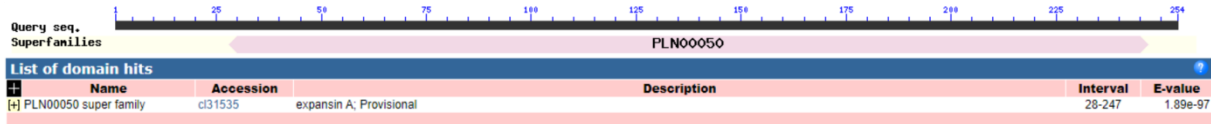
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>TprEXPA-06

MAKSYSLVPLALFTIFFVHALARTPLDSRWYDAHATFYGDMQGGETMQGACGYGD  
LFQQGYGLETAALSTALFNEGYS CGACFEIKCVNDPRWCLKNVNSITVTATNFCPPN  
YNKPDGNWCNPPLKHFDSLMMKFTTIAVYQAGIVPVQYRRVPCIKSGGVRFELRGNP  
YFLMVLVYNVANAGDVLRFVIKGSNTDWAQMTRNWGQIWHTGINLVGQDLSFWV  
TTSDKKALEFVSVIPSNWQFGQTYQASRNF\*

### CDS (coding sequence)

>TprEXPA-06

ATGGCTAAGTCTTATTCTTTGGTTCCTTTGGCCCTTTTCACAATCTTCTTTGTACAT  
GCCCTAGCTCGCACTCCCCTTGACTCAAGGTGGTACGATGCCCATGCAACCTTTTA  
CGGTGATATGCAAGGCGGTGAAACCATGCAGGGAGCTTGTGGTTATGGTGATCTC  
TTCAACAAGGGTATGGGCTTGAAACCGCGGCACTAAGCACTGCATTATTCAACG  
AAGGCTATAGTTGTGGTGCATGTTTTGAGATCAAATGTGTCAATGACCCCGATG  
GTGTTTAAAAAATGTGAACTCAATCACCGTTACTGCAACAAATTTTTGTCCTCCCA  
ATTATAACAAACCTGATGGCAATTGGTGTAACTCCTCCACTTAAACACTTTGACTTG  
AGCATGAAAATGTTTACAACCTATTGCCGCTACCAAGCAGGTATCGTCCCTGTTC  
AATATCGACGTGTTCTTGCATCAAAGTGGTGGTGTAGGTTTGAAGTTAGAGG  
AAACCCTTATTTCTTAATGGTTTTGGTATAACAATGTGGCCAATGCTGGTGATGTTT  
TACGTGTGTTTATCAAAGGATCTAATACAGATTGGGCTCAAATGACACGTAATTG  
GGGACAAATTTGGCATA CAGGAATAAATTTGGTTGGACAAGATTTATCTTTCTGG  
GTTACTACAAGTGATAAAAAAGCTTTAGAGTTTGTTCAGTTATTCCTTCCAATTG  
GCAATTTGGACAAACTTATCAAGCTTCCAGAAATTTTTAG

### Nucleotide

>TprEXPA-06

CCTGTGATTT CAGCCATTTTCCTGTACTTTTCCTTTATAACCAAAGTATGGCTAAG  
TCTTATTCTTTGGTTCCTTTGGCCCTTTTCACAATCTTCTTTGTACATGCCCTAGCT  
CGCACTCCCCTTGACTCAAGGTGGTACGATGCCCATGCAACCTTTTACGGTGATA  
TGCAAGGCGGTGAAACCATGCGTAAAGTATCAAATTA AACTCCCCTTTTTTTGTCTT  
TAAAGAAATTGATCATCATCAAGTTCTAATTTTTACTTTTTACAATTGATCATAAT  
ATGAGTCATTTGATCTTCATTAAATAGTCAAGATCATTGTCTATGTGTGTGATTA

TTTTTTTTGGATTGATTTGTATTTTAATACAATTGAATTTGTGACCATTAGTCAATT  
TTGTTCATAAATTTGGTGAAAATATAATATGAATCATTTAATTTAATTTTGTAAAA  
TAGTCAATATCGCTTGAGTGTGTTATTACATTTTTCATCCAAATCTCACATATATG  
TACATGTTACACGTTGATTAATCCTAAGAAAAGTTGCATTTAATTATTTTATGTA  
GAGGGAGCTTGTGGTTATGGTGATCTCTTCAACAAGGGTATGGGCTTGAAACCG  
CGGCACTAAGCACTGCATTATTCAACGAAGGCTATAGTTGTGGTGCATGTTTTGA  
GATCAAATGTGTCAATGACCCCCGATGGTGTTTAAAAAATGTGAACTCAATCACC  
GTTACTGCAACAAATTTTGTCTCCCAATTATAACAAACCTGATGGCAATTGGTG  
TAATCCTCCACTTAAACACTTTGACTTGAGCATGAAAATGTTTACAACCTATTGCCG  
TCTACCAAGCAGGTATCGTCCCTGTTCAATATCGACGTGTTCCCTTGCATCAAAAGT  
GGTGGTGTAGGTTTGAACCTAGAGGAAACCCTTATTTCTTAATGGTTTTGGTATA  
CAATGTGGCCAATGCTGGTGATGTTTTACGTGTGTTTATCAAAGGATCTAATACA  
GATTGGGCTCAAATGACACGTAATTGGGGACAAATTTGGCATAACAGGAATAAATT  
TGGTTGGACAAGATTTATCTTTCTGGGTTACTACAAGTGATAAAAAAGCTTTAGA  
GTTTGTTCAGTTATTCCTTCCAATTGGCAATTTGGACAACTTATCAAGCTTCCA  
GAAATTTTATAGATCAGTTGAATTTAGGTTACAATTAAAAAAATCATTATGTATTC  
TTTTGTTACGAATGGAAAAGTTTTATGTAATTTAAATTCTAGTATTTTGGCACC  
AGTTAAAAGCCTATCTTATTCTTATTAATTATATTAATTATTATTTTCTTTAATA  
ATTCTAGCATTATAAT