

IDENTIFICATION

Species: *Mimulus guttatus*

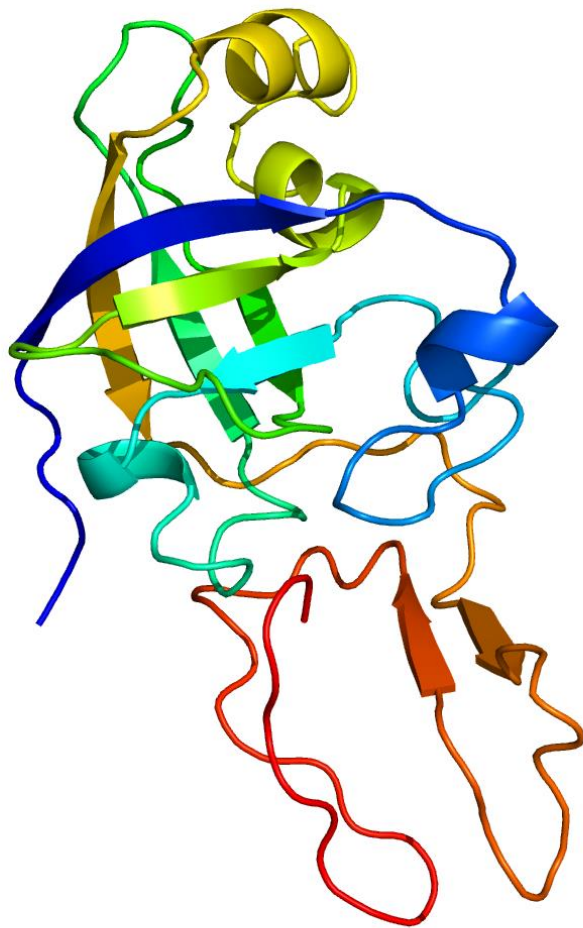
Locus: Migut.B00030

Gene Model: Migut.B00030.2.p

Description: MgEXLA-02

Family: Expansin Like Alpha

3D structure:



GENOME DATABASES

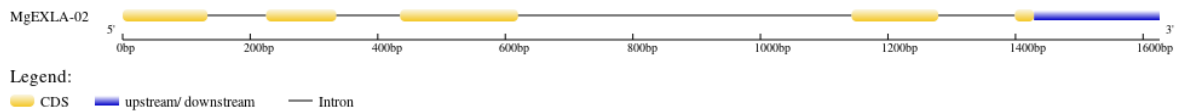
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mguttatus_v2_0

KEGG:-

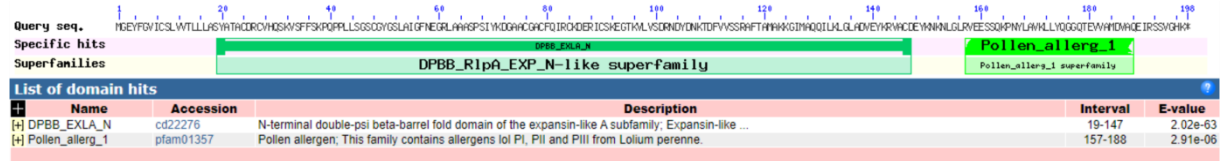
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>MgEXLA-02

MGEYFGVICSLVVTLLLSYATAACDRCVHQSKVSFFSKPQPPLLSGSCGYGSLAIGFN
 EGRLAAASPSIYKDGAACGACFQIRCKDERICSKEGTKVLVSDRNDYDNKTDVSVSS
 RAFTAMAKKGIMAQQILKLGLADVEYKRVACDEYKNKNLGLRVEESSQKPNYLAV
 KLLYQGGQTEVVAMDVAQEIRSSVGHK*

CDS (coding sequence)

>MgEXLA-02

ATGGGTGAATATTTTGGTGTGATTTGCAGCTTAGTAGTAACTCTGCTTCTTGCTTC
 CTACGCAACTGCGTGTGATCGCTGCGTGCACCAATCCAAAGTTTCTTTCTTTTCCA
 AACCTCAACCCCCCTTCTGTCCGGAAGTTGTGGGTATGGTTCTCTGGCTATAGGA
 TTCAATGAAGTCTGCTTGCAGCTGCATCACCTCCATTTACAAAGACGGAGCTG
 CCTGCGGTGCATGTTTTAGATAAGATGCAAGGATGAAAGAATTTGCAGTAAAGA
 AGGGACTAAAGTATTAGTGAGCGATCGGAATGATTATGATAACAAGACCGATTTC
 GTGGTTAGCAGCAGAGCTTTCACGGCCATGGCTAAAAGGGAATAATGGCCCAG
 CAAATTTTGAACTTGGCCTTGCTGACGTGGAATACAAGAGAGTAGCATGTGATG
 AGTACAAAACAAGAATTTAGGCCTTAGAGTAGAAGAATCAAGCCAAAAGCCAA
 ATTATCTGGCCGTTAAATTGTTATACCAAGGTGGTCAAACAGAAGTTGTCCGCAT
 GGATGTTGCTCAGGAAATACGGAGCAGTGTGGGACACAAGTAG

Nucleotide

>MgEXLA-02

ATGGGTGAATATTTTGGTGTGATTTGCAGCTTAGTAGTAACTCTGCTTCTTGCTTC
 CTACGCAACTGCGTGTGATCGCTGCGTGCACCAATCCAAAGTTTCTTTCTTTTCCA
 AACCTCAACCCCCCTTCTGTGTAATTTAATTTCTCTCTCACTAATTTCTTTTCT
 TTTCTGGCATAATTTGAATATAATTTGAAATAAAATGATTTAATATTTGAATGCAG
 CCGGAAGTTGTGGGTATGGTTCTCTGGCTATAGGATTCAATGAAGTCTGCTTGC
 AGCTGCATCACCTCCATTTACAAAGACGGAGCTGCCTGCGGTGCATGTTTTAG
 GTACTTTGTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTTTTTTTTAATTAATTATATACATACATATTTCA
 ATTGATTTTGGTTAGTTAATTAATGAATTAATTATTGGCAGATAAGATGCAAGG
 ATGAAAGAATTTGCAGTAAAGAAGGGACTAAAGTATTAGTGAGCGATCGGAATG
 ATTATGATAACAAGACCGATTTCGTGGTTAGCAGCAGAGCTTTCACGGCCATGGC
 TAAAAGGGAATAATGGCCCAGCAAATTTGAAACTTGGCCTTGCTGACGTGGAA

TACAAGAGGTTAGCCCTTACCACTTCTAATTAACCACTACTAATCTATTTTATTTA
TTGACATTTGTATGAAAATATCATTTCATTATGATAATGATGGATTTTCAATTAGTT
GCATAATTAATATTGCTGTTGGTTATACTTATGATGAATAACATATATAATTGGAA
AACGATAAATGTAGCGCTAGTGGTCTTGTTACACCCACCCACCTTTAGAGGATAG
GATATACCTATATTGCCCGAAATTTAATATTTATGGGTCCATTATGTGATCATAT
TCTTTGAAAAACAATTTTAAAAAATTGTTTCATTAATGAATGCAGCTCATTATTAT
CATTTTAGCCGTTTCAATGTCCTTGATCTATATTTCTTTTCAACGGTCATATATATG
ATTTGTGTTCATACATTTATGGCATATGGTTACGTACACATATTTTTGAATTGTCG
TTGATTAATTAATTGAGATATACTAACTATCATAAAAATATTAATGATCATATTAAT
TACATATATATTATGATTGAGCTGCAGAGTAGCATGTGATGAGTACAAAAACAAG
AATTTAGGCCTTAGAGTAGAAGAATCAAGCCAAAAGCCAAATTATCTGGCCGTTA
AATTGTTATACCAAGGTGGTCAAACAGAAGTTGTCGCCATGGATGTTGCTCAGGT
ACATGCATATTCTTCTAGTTTTCTTCCATTTACCAAAAATTTGTTAAAATATATTTCA
ATAAATAAATATTAATATAAATTTGTAGGTTGGATCGTCAAATTGGAATTACAT
GAGCAGGAAATACGGAGCAGTGTGGGACACAAGTAGGGTACCAAATGGGGCGCT
CCAGTTCCGGTTTGTGGTGACGGCCGGGTTTGATGGGAAATGGTATTGGGCCAAA
AGCGTGTTGCCTTCTGACTGGAAAAACGGGTCCATTTACGATTCGGGCCTCCAAA
TCACTGATATTGCTCAAGAAGGCTGTTCCCCTTGTGATGATTCCACCTGGAAACA
ATCAATTTGATGTA