

IDENTIFICATION

Species: *Amaranthus hypochondriacus*

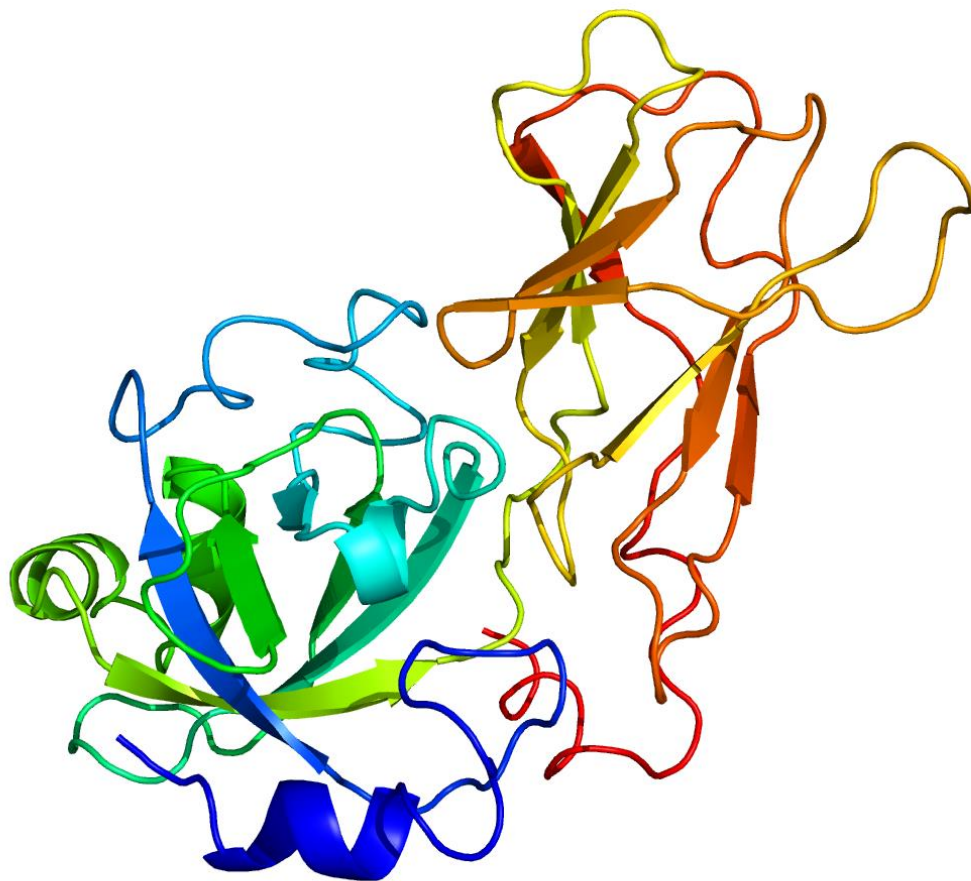
Locus: AH002339

Gene Model: AH002339-RA

Description: AhyEXLA-05

Family: Expansin Like Alpha

3D structure:



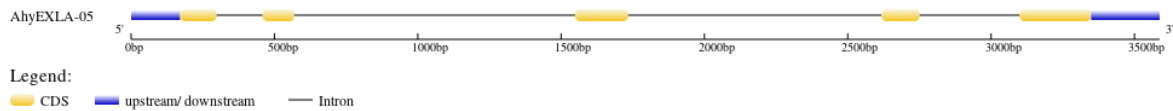
GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Ahypochondriacus_v2_1

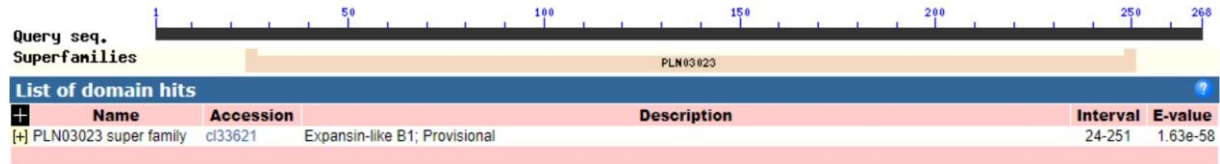
EXTERNAL RESOURCES

<https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=amaranthus+hypochondriacus>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AhyEXLA-05

MAVFLSFFFFILFSSANAASPTSCEQCVFQAKATFFRTSNALSSGACGYGPLALNFYGG
HLAAAHPSIYQKGEFCGACFQIRCKKSLCKGTGTSIIVTDLHPDKSNTTDFVLSRA
YRAMALPGKDKQLQLGIADVEYKRVPCVYKRKKLALQVEGFSKPPNYLAIKILYQ
GGQTSILGAEVASVDQPSTWVSLSRNYGAVWDTDKAPTGLTFRFIINSGFDAQFY
TNDGVL PANWKPGVIYNSTVQINNIGFIGCTPNCKPWK*

CDS (coding sequence)

>AhyEXLA-05

ATGGCTGTTTTCTCAGCTTCTTCTTCTTCATTTTGTTCATCTGCTAATGCTGCT
TCTCCTACTTCTTGTGAGCAATGTGTGTTTGCTAAAGCTACTTTCTTTCGTACCTCT
AACGCTCTTTCATCTGGAGCTTGTGGGTATGGTCCTTTAGCTCTCAATTTCTATGG
TGGACATCTTGCTGCTGCTCACCTTCGATTTATCAAAAAGGTGAAGGTTGTGGT
GCTTGCTTTCAGATAAGATGCAAGAAAAGTGGTTTGTGCAAAGGAACAGGAACA
AGTATAATTGTGACTGATCTCCACCCTGATAAGAGCAATACCACAGATTTTGTGC
TAAGTAGCAGAGCTTACAGGGCCATGGCCTTACCTGGCAAGGACAAACAGCTTTT
ACAGCTTGGCATTGCCGATGTCGAATATAAAAAGGGTACCCTGTGTGTACAAACGT
AAGAAGTTGGCTCTCCAAGTGAAGGATTCAGCAAACCTCCCAACTATTTGGCCA
TCAAATCCTCTACCAAGGCGGACAGACCTCAATCCTTGGCGCTGAAGTAGCTTC
GGTTGATCAACCAAGTACCTGGGTTTCATTGAGTCGAAACTATGGTGCAGTGTGG
GACACAGACAAAGCTCCAACCGGAAACTAACATTCAGGTTTATTATAAACTCG
GGCTTTGATGCTCAGTACTTCTATACTAATGATGGAGTTTTGCCTGCAAATTGGAA
ACCTGGTGTCATATACTACTGTCCAAATCAACAACATTGGCTTCATTGGTT
GTACTCCTAACTGTAACCATGGAAATAG

Nucleotide

>AhyEXLA-05

TAAATAATCACAATATATTCATAATAATTCACGTGTTCCCAAATTAATAAATT
ATGCTGACCTGTACTCCATTTCTCGATGTTTCTCAGTTCTCATTCTCAGATTACT
TTAAATAGCAAACATAACAATCTCATGTTCTCAAACAAATTCAAATCAAATCTTA

AAAAATGGCTGTTTTCTCAGCTTCTTCTTCTTCATTTTGTTCATCTGCTAATGC
TGCTTCTCCTACTTCTTGTGAGCAATGTGTGTTTGGCTAAAGCTACTTTCTTTTCGTAC
CTCTAACGCTCTTTCATGTAAGGGTTTTTATTTTTTTTCATTTTAAAGGCTGATTTT
CTTGATTTGTTAAAGACCCAGATGAGTTTTTTTTGTTTATTTTTGCATAATTTGAGC
ATAACCCAGTTGAAATATTGTCAAAAAATGAAGTGGGTAACATTTGATTTGTTGA
AATAATGCAGCTGGAGCTTGTGGGTATGGTCCTTTAGCTCTCAATTTCTATGGTGG
ACATCTTGCTGCTGCTCACCTTCGATTTATCAAAAAGGTGAAGGTTGTGGTGCTT
GCTTTCAGGTATACCCCTTTTCTCACTTCCCTTCACTTAAAAATCAAGCCGTTTTTTG
GGTGCTTTATATTTGGTGCAACCTAATTTTTTTGGTTAAAATAAGAATTGTGTTCA
TTTATTTAATCTTTTTTTCTTTTGCAAATGAGCTATAGTATGACAGTCTGAGTAAG
ATTTTGCATTTTACACTAATGTGGATCTAATATTGTTTCCATTTTCTCTATCTTTTG
CTCATTTTTATGTTTCAGAAGTAATTCATTTAATAAATTATTGTTTAAATTTTATTTGAT
TTTTAAGGCACTTGTCAATTAAGCAAGGGAATTTCAATGCAAGTTGCATTTAAAAA
AGCAAGGGAGGTTGCTTTTATTGTTAAAAAGAAAAACATACAACTTTACATGAC
TAAACATAATTTAACGAGTTATTTTACGTCTATTATAAATTTATAATCGAAAATC
AAAAAGTTACTTTCTAAATTTTTGGCTTTATAAATTGGACTAGCTCCTTGATTTT
TATTATGTTGTATAGAGAAATCAACACTTCAATGACACATTTTAAAATTAATAATTT
TCTTATTAATACCGTAATTTGTAAATCTCCGATAAAGTACACAAAACAAAAAAT
AATTTAGAATCTAAACGGCTCCACCCTATCACATTCTTCCACATAAGGGTTATTTA
CCAATATTATAAATTACCGTTATTTACTTAAAATACCTCTTTTAAAACCCATTAGA
GGGTTTTCTAATGTGAGCTAGTATGACAAGTTAGATTATAGACTATGATTTTGACT
AGACAGACTAATTCTTGGAACATTGACTAGTACATTGCTCACAATTTACACAAAA
CTGTATAGATGTAGATTATGTAGTATGGTTTCATGGTTACTCCTTATACAACTTGA
AGGTGCTATAATTTCTCAACTAAGGTTGGTTGATATTTCTACAAATATTTCTACAA
GTTCTAGATTATGTGATGTGATATATTGTGTTGAGCAGATAAGATGCAAGAAAAG
TGGTTTGTGCAAAGGAACAGGAACAAGTATAAATTGTGACTGATCTCCACCCTGAT
AAGAGCAATACCACAGATTTTGTGCTAAGTAGCAGAGCTTACAGGGCCATGGCCT
TACCTGGCAAGGACAAACAGCTTTTACAGCTTGGCATTGCCGATGTGCAATATAA
AAGGTGAAACCATTGATTTTTGTCATTCTATAGTTATGGATGCAAATGTTATAGAA
CTTGCATTACATTGATTTTTGATTTGCTACATGTTTATGAACTGACTAAGATTTTGT
GAATTGATTTTTGTTTTGGAGATTTTAACTTTGTGTTTTCTATTGAATCTTCATTT
GCAATACTTTTATGAGTCCAGCTTGAGTTTGACAATAAAACAACATTTTCATTACCT
CAATGCTATTCCTACGAGGTAGATAGCTCCCATCTAAGCAGGTTTTTTGGGGTTGG
ATATACGCAACTTTACCCTGTTAATTAAGATAAAGAGGTTGATTTTCGATTGAACC
CTTGTAGCAAACATCATATACTATTTACATAAAATTAGAAGTGAACATGTTTTAGT
GGGTCATTTAAATATAATCCGTTATGATTCAAAATCAAATAACTATAAATCTTTG
ACTATAATTTTAAATAAATGGCTCTAGTTTAAATGAGAGAGTATGTATGTAACAAC
GCAACTATGTGGTGCAAAAAAATAGGGACATAGGGAGTAAGGTACATTTTCGATT
TTAGTTCTCTATTCATTTTCTAATTAGTACTCCAATAGACCTTTGATGGACTATTAT
TTTCTCATGCGTGGTATCTGCTCATTAATATTAATCATTGTAAAAAGATTCCCTTCC
TAAAGTTCAGGCAAAAGTTTGATCTTCTTGCTGTGTTGATAACCAACAGATTGTC
ATTCATGTTTTTACTTTACTTTCTTTTTGGTTTCGACTTTTAGCTAGCGGACATCATT
CCGATCATCTTCTATACACTCGAATTTCTACACAACGATTAGAGTTGACTAATAA
AGTAATACTATATTACTAACACAGTGATATTGAATTCGCTTATTCGCATCAGGGT
ACCCTGTGTGTACAAACGTAAGAAGTTGGCTCTCCAAGTGGAAGGATTCAGCAAA
CCTCCCAACTATTTGGCCATCAAATCCTCTACCAAGGCGGACAGACCTCAATCC
TTGGCGCTGAAGTAGCTTCGGTGAGTTGCAAAGCTTTACATATTCCAATCCCTATA

TTGGTTGTTAAGGTCAAGTAGGTGTCAGAAAAATAACCCATATGCGATCCTACAT
GGAAGAATTACAGAGAAGTTGACTAACATAAAGCTTGATAGTCTACTCCTCTTAT
AACTTGTTGGTTTGTGTGCAATTAATCTCGTCTTATGCGGGTTTTGTTGTATGCA
AGCCAATATCAATAGGTTCATTCCCTAATTTTTGTTATTAGGAAGAGTACTTATT
TCCTTACATGTGTTTATGTACATAAACATTGATTTGCCAAAAATAGTCTCATGTGT
TTTTTCCGATGACTTTTGGCTATATTTGTGTATAGGTTGATCAACCAAGTACCTGG
GTTTCATTGAGTCGAAACTATGGTGCAGTGTGGGACACAGACAAAGCTCCAACCG
GGAAACTAACATTCAGGTTCATTATAAACTCGGGCTTTGATGCTCAGTACTTCTAT
ACTAATGATGGAGTTTTGCCTGCAAATTGGAAACCTGGTGT CATATACAACTCTA
CTGTCCAAATCAACAACATTGGCTTCATTGGTTG TACTCCTAACTGTAAACCATGG
AAATAGACGGTCAGTCGTGTTTTGATCGCCTCTAGCTCGAAGTAGTGTGGCTGTT
GGGTGTTATTGTATGGAGATTTTAGTGTAGTGTGTTTCATGTCATGTTGTAGTTTT
GTTACATGAAACTTGTATTCAGTCTTGAGTTCAAGTTATGTAATTCTCTTGCTTAA
TACTACTACAATTACTTCTTTCAAGA ACTTAATTTAGGCTCTTATCTTTAACTTAT
AATTAATTCAGTTAAAATCC