

## IDENTIFICATION

**Species:** *Chenopodium quinoa*

**Locus:** AUR62024925

**Gene Model:** AUR62024925

**Description:** CqEXPA-15

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa\\_v1\\_0](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa_v1_0)

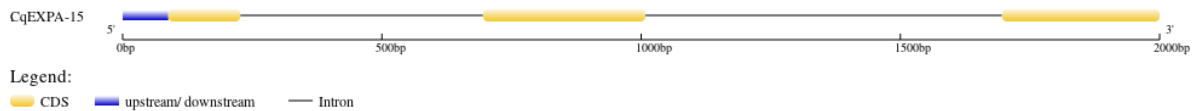
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05764>

## EXTERNAL RESOURCES

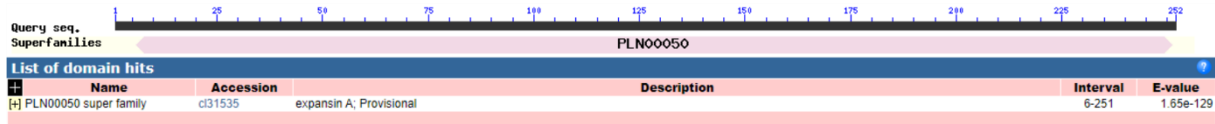
<https://www.cbrc.kaust.edu.sa/chenopodiumdb/>

<http://quinoa.kazusa.or.jp/index.html>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>CqEXPA-15

MASPTMLASTLFLVVLVINLCLRGVYGDAGWTNAHATFYGGGDASGTMGGACGYGNL  
YSQGYGTSTAALSTALFNSGMSGACYELKCNDDPKWCIAGSIIVTATNFCPPNYALS  
NDNGGWCNPLQHFDLAEPSTYLKIAQYRAGIVPVSFRRVPCVRKGGIRFTINGHSYFN  
LVLITNVAGAGDVHSVSIKGSKTGWQAMSRNWGQNWQSNANLNGQSLSFQVTSSD  
GRTITSNNIVPGNWQFGQTFEGGQF\*

### CDS (coding sequence)

>CqEXPA-15

ATGGCTTCTCCTACCATGTTGGCCTCAACCCTCTTCGTCTTGGTCATTAATCTTTGC  
CTTCGCGGTGTATACGGTGACGCCGTTGGACGAATGCCCATGCTACATTTTATG  
GTGGAGGTGACGCCTCTGGCACAATGGGGGGAGCATGTGGGTATGGAACTTGT  
ACAGCCAAGGGTACGGGACTAGCACGGCGGCACTAAGTACCGCGTTATTTAACA  
GTGGAATGAGTTGTGGAGCTTGCTACGAACTTAAATGCAATGACGACCCAAAATG  
GTGCATAGCAGGGAGCATTATTGTCACTGCTACCAATTTTTGCCCACCAAATAT  
GCATTATCTAATGATAATGGTGGATGGTGTAAACCCTCCTCTACAACATTTTGATTT  
GGCTGAGCCTTCTTACTTAAAAATTGCTCAATATCGTGCTGGAATTGTCCCCGTTT  
CTTTTAGAAGGGTACCCTGTGTAAGAAAGGGAGGAATAAGGTTTACAATCAATG  
GACACTCCTACTTCAACTTGGTCCTAATCACTAATGTTGCCGGTGCCGGTGACGTC  
CACTCGGTGTCGATAAAGGGTTCGAAAACCGGGTGGCAAGCGATGTCAAGGAAC  
TGGGGACAAAATTGGCAAAGCAATGCTAACCTCAATGGGCAAAGCCTCTCATTCC  
AAGTACTTCTAGTGATGGAAGGACTATTACTAGTAACAACATTGTTCTCTGGCAA  
TTGGCAATTTGGTCAAACCTTTGAAGGAGGACAATTCTAA

### Nucleotide

>CqEXPA-15

ACCACAAAGCAAATAGCTTTCTTTCAAACCTCCCTTCTATTTTTCCCTCTCCCTCC  
CAAAATTAACCTCTTGTCTCTAACAATACATGGCTTCTCCTACCATGTTGGCCT  
CAACCCTCTTCGTCTTGGTCATTAATCTTTGCCTTCGCGGTGTATACGGTGACGCC  
GGTTGGACGAATGCCCATGCTACATTTTATGGTGGAGGTGACGCCTCTGGCACC  
TGGGTAAGTTCACGTAATTATATATTGTCTAAACGTTAGACCTTTAGCATTTTGT  
ACTCAACGACGTAACACTCATAAGTCATAACCAATGTTGTTGTTTCAGAAATTAAT

GTCACATTGTCGTTAATCGACTCTTTTGGATATGTACACCTATCAAGAAGTTATTA  
GTCACTCTATTGGTAACCTACTAAACTGACAAATATAATAGCGTTACTATTAAC  
AAGTAATGGTGCATTGATATTTTAAAACCAATATTAGCATTAAATGTAAAACAAGT  
AATGATGCATTGTCATTGTAAAACCAATACAATATGACATGCATTAGTTAAGTAG  
TTAATAAAAAGTACTAATAAATAAATAAATGTTGACTGTACGAAGTTTTACTACAA  
CAGTAATTAATTTTCGGACAGAGGGAGTACATACGTAGTTTATGCTTATAGTTATA  
TCTAATTAATTATCGTAACGAAAATGCAGGGGGAGCATGTGGGTATGGAACTTG  
TACAGCCAAGGGTACGGGACTAGCACGGCGGCACTAAGTACCGCGTTATTTAAC  
AGTGAATGAGTTGTGGAGCTTGCTACGAACTTAAATGCAATGACGACCCAAAAT  
GGTGCATAGCAGGGAGCATTATTGTCACTGCTACCAATTTTTGCCACCAAATA  
TGCATTATCTAATGATAATGGTGGATGGTGTAACCCTCCTCTACAACATTTTGATT  
TGGCTGAGCCTTCTTACTTAAAAATTGCTCAATATCGTGCTGGAATTGTCCCGTT  
TCTTTTAGAAGGTACACTCTTTATTTATTTTTTTCTTATGTACTTGTCTTATTTAGA  
ATCTTTTCGTCAGATAAAATTTAATTTAAGTGAGAAAAACAAAAAGGATCGGAGAA  
AATGTTAAGAATGTTAAGTATTTATCTTTAATATATTCAATTGATAGATGTTAAAC  
TGTTAAATGGTTTTTTTTGAAAAGGAAGCTACACTCATATGGTTAAGTTGAATTTG  
GATGCAAGTAGGGACTAGGGACATTTTTGTAAAAGAAAACAAAAAATTGGAAA  
AGAAAAGTAATGAAAATGACACTTAGGCCCTTTTTCTTCATTGGATTTTAAATGT  
ATTTTTATACTCACGACCTGTTCTCTTCAGCCTAATTTCAATTCATTTAGTTTATT  
TCCTAATTTCAATCTCTTATAAAACAATTCAATTCAGCTCAGTAAATCAGAATAAAC  
TCTAAGTTGTTAACAAATGACTTAAACCAAATTCATTAAGTAAACATTAATTACTT  
GTAAATATTATTTACCGACAAAATAAATTTTAACTCCGTACTGATTAAACTACTT  
TTTTAATGACAAGTCTCTTAGATAGGGTCAAATTCGGTATTTAAATAATTTCATA  
AAGGGTTATTTAAGGCATTTAAGCCAATTGTTTCTTGGGTACATAATTCTAGTAG  
TCTAATATTGTATGCTATGAATTTTCAGGGTACCCTGTGTAAGAAAGGGAGGAAT  
AAGGTTCAACAATCAATGGACACTCCTACTTCAACTTGGTCCTAATCACTAATGTTG  
CCGGTGCCGGTGACGTCCACTCGGTGTCGATAAAGGGTTCGAAAACCGGGTGGC  
AAGCGATGTCAAGGAAGTGGGGACAAAATTGGCAAAGCAATGCTAACCTCAATG  
GGCAAAGCCTCTCATTCCAAGTTACTTCTAGTGATGGAAGGACTATTACTAGTAA  
CAACATTGTTCCCTGGCAATTGGCAATTTGGTCAAACTTTTGAAGGAGGACAATTC  
TAA