

## IDENTIFICATION

**Species:** *Nicotiana sylvestris*

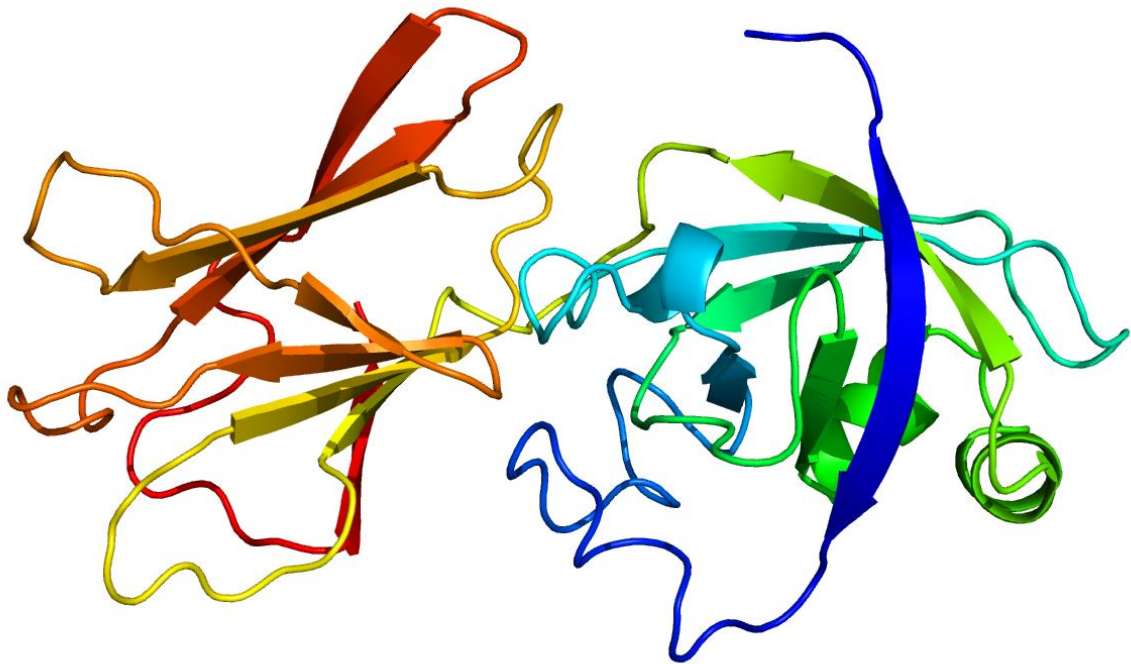
**Locus:** XP\_009768114

**Gene Model:** XP\_009768114.1

**Description:** NsEXLA-02

**Family:** Expansin Like Alpha

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

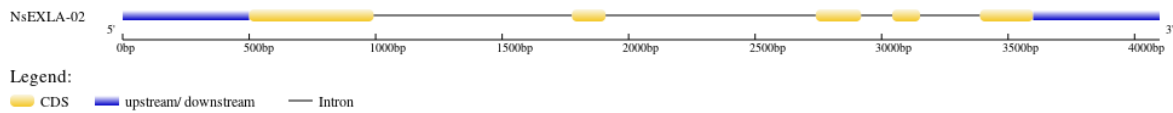
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Nicotiana%20sylvestris>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T05026>

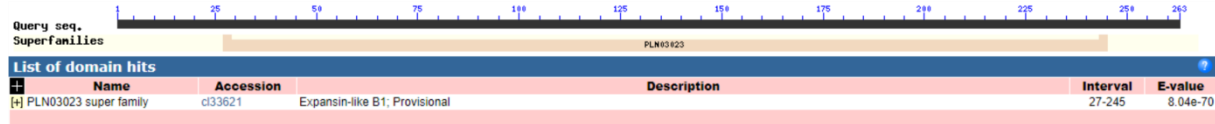
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>NsEXLA-02

MAVKFLPFLFLLVSSATACDRCVHQSKVAYFASASALLSGACGYGDLAIGFNGGRL  
AAIAPSLYKEGAGCGACYQIRCKDSTLCSKEGTTVIVTDLNNTNNQTDVVISSRAFMAM  
ANKGKAKDVLKLGIAEVEYKRVSCDYKSKNLAIRVEESSQKPNYLAIISFLYQGGQTEI  
VAVDVAQVGSSSWNFMSRNHGAIWDTSRVPTGALQFRFVVTAGYDGKWNWAKSV  
LPADWKNGVIYDTGLQITDIAQEACSPCDDGNWKLN

### CDS (coding sequence)

>NsEXLA-02

CTCAA ACTATTATATATAGGCCTTACTACTCACCATTTAGTAAGTCAAACATTCAA  
AATCCTTCAAAGTATTAAAACACAAAAACAAATATTATGGCTGTCAAATTCCTTC  
CCTTCCTTCTCTTCCTTCTGTCTCCTCAGCTACAGCCTGCGATCGCTGTGTTACC  
AATCAAAGTTGCTTACTTTGCCAGTGCTTCTGCCCTTCTGTCTGGTGGCTGTGGT  
TATGGAGATTTAGCAATAGGTTTTAATGGGGGTCGACTTGCTGCTGCTATTCCCTAG  
CCTTTACAAAGAAGGAGCTGGTTGTGGTGCTTGTATCAGATTAGATGCAAGGAC  
TCAACACTCTGTTCAAAGAGGGCACAACTGTAATTGTAAGTACTGATCTAAATACCA  
ATAACCAGACGGATTTTGTGATCAGTAGCCGAGCTTTTATGGCCATGGCCAATAA  
GGGAAAAGCTAAAGACGTTCTCAAATTGGGAATTGCTGAAGTTGAATATAAAAG  
AGTTTCATGTGATTACAAAAGCAAGAATTTGGCCATTCGTGTGGAAGAATCAAGT  
CAAAAACCAAATTATCTAGCAATTAGCTTCTGTACCAAGGTGGTCAAAGTAAA  
TTGTGCTGTCGATGTAGCTCAGGTTGGATCATCGAGTTGGAATTCATGAGCCG  
AAATCACGGAGCAATTTGGGACACAAGTAGAGTGCCAACAGGAGCATTGCAATT  
TAGGTTTGTGGTGACAGCAGGGTATGATGGCAAATGGAATTGGGCAAATCAGT  
GTTGCCAGCAGATTGGAAAAATGGGGTAATTTATGACACTGGACTTCAGATCACT  
GACATTGCTCAAGAGGCTTGTCTCCATGTGATGATGGAACTGGAACTTAATT  
AGTGCTAAAATTAATAAAATTTAGTTGTAATAATCTATGTGAATACACGTA  
CTAAAAGTAAAAGAGATCCAAAATTAATAAAATTGTAGATTGATGCAGTTGGA  
TAGACAGATAGGGATACAAATTCCTGATTTTTTCTTCTTTAAGTCATATTCATA  
TTGCTTTCTGAGGACTAAATATGTAATGTTAGAGTTATCTTCATATTTATATAACA  
TTAGATTCTTTTCGGCATCAA

### Nucleotide



ACAAATCTTTTGATTAGAAAGAACTCATGTGTATTTACTAATGTAAAAAAGGCA  
GGCTTGTGCACTAAGCTCCTCCTATGTGCGGAGTTCGAGCTCCTCCTATGTGCGGA  
GTTTCGGGGAAGAAGCTGGACCACAAGAATCTAATATACGGAGTTTAAAAGAGTAA  
AATAATTCTTAACCTAATTAGTATATGATCATTGCATCAAATAATATACGGTGTAT  
AATTTAAAATATGTGGTAATTTTACTACGAACCTTTTATATTCAACTTCAGCAATT  
CCCAATTTGAGAACGTCTTTAGCTTTTCCCTTATTGGCCATGGCCATAAAAGCTCG  
GCTACTGATCACAAAATCCGTCTGGTTATTGGTATTTAGATCAGTTACAATTACAG  
TTGTGCCCTCTTTTGAACAGAGTGTGAGTCCTTGCATCTAATCTGCAATTCAAAC  
AAGTTTATTATTCATATTTACCAATTCAAATTAATACTGCGTAGATTAATTAATTG  
TCTTGAATTTATGAGAAATTAATTTGAAGGTTCTGTTAATGATCAAGAATTAACC  
TGATAACAAGCACCACAACCAGCTCCTTCTTTGTAAAGGCTAGGAATAGCAGCAG  
CAAGTCGACCCCATTAACCTATTGCTAAATCTCCATAACCACACGCACCAGC  
TGCAAAAATAGGAAATTCACATAAAATGAAAAACACATAAAAAAAGCAGCCACT  
GCACTAAGCTCCCGCTATGCGCAGGGTCAGGAAAAGGGGTCTGTTGTACACAGCC  
TTATCCTGCATTTCCGCAAGAGGGCTCATACCCGTGACCTTCTAATCACCTAGCAG  
CAACTTTACCAATTACGCCACGGCTGCACCTCTTTTTCAAATTTTAAGAAGCAAGA  
AAATAAAAGGCTTACACAGAAGGGCAGAAGCACTGGCAAAGTAAGCAACTTTTG  
ATTGGTGAACACAGCGATCGCAGGCTGTAGCTGAGGAGACAAGAAGGAAGAGAA  
GGAAGGGAAGGAATTTGACAGCCATAATATTTGTTTTTGTGTTTTAATACTTTGAA  
GGATTTTGAATGTTTGACTIONTAAATGGTGAGTAGTAAGGCCTATATATAATAG  
TTTGAGATAGTGGACATGGAAAATGGGGTTATTTAATTAATGGGTGCACTGAACT  
CTATTTATGAATCTTTTCTATTTATTACCATAAATAGAGAGTTAGTAAACGAGTAA  
ATAAGCGCAAACATATGATGGAAAAAAGGAATATAATGCTCAATACGCGGTGA  
AATGAACTAGATAAAAAATGAAGATTTAATTATAGTGCGATGTGGACATTTGAC  
ACTTACGCCGACCAGCTGCCTATGCAACATTTACAGCTGTGGAGAGAAAATCACT  
AATCGCTACTCTTTAGTCCCGCATTTACAAGTATTTGCGTCTGCCCTTTTTTTTCC  
CTTTAGAGTGAGACATTTTAGTTATTGAAAATTGTGTAATCCCTTTTATCTACAAG  
TTTACAAAAGTTAAAGAATTTTAAATTTTATTTTATTTATTGTAGTTTTACAACAAT  
TATGTCCACATGTATTTGCTCATATTATCGATTTCAAGCTCGGAATAACATGGGAG  
GATAG