

## IDENTIFICATION

**Species:** *Mimulus guttatus*

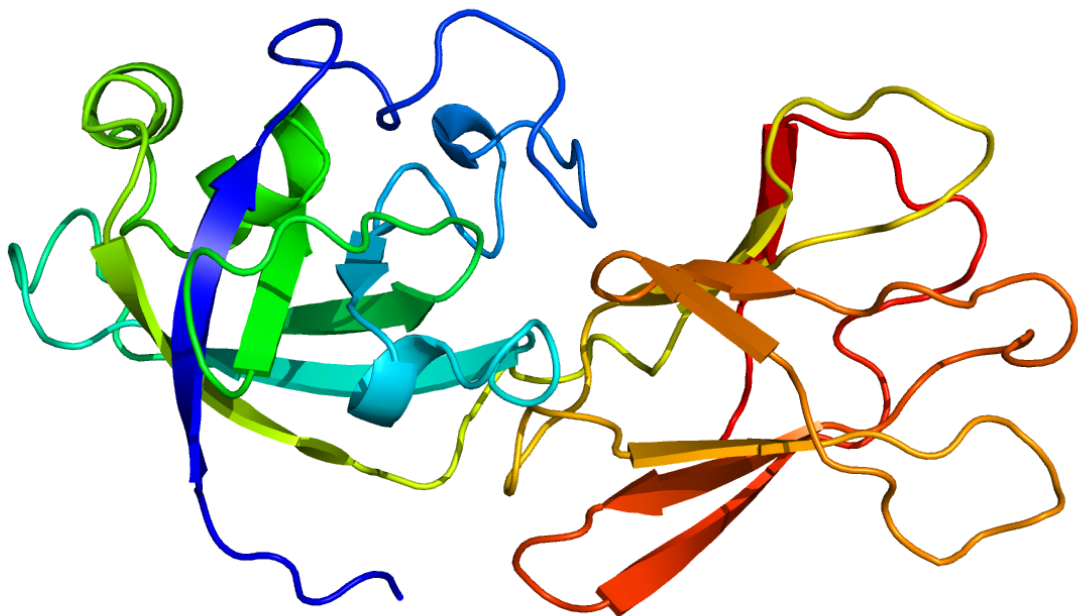
**Locus:** Migut.B01586

**Gene Model:** Migut.B01586.1.p

**Description:** MgEXPB-02

**Family:** Beta Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mguttatus\\_v2\\_0](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mguttatus_v2_0)

KEGG:-

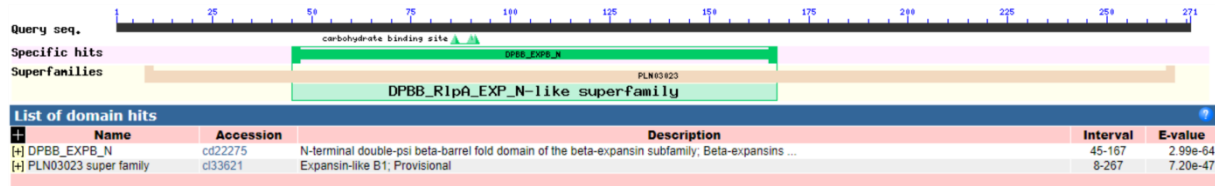
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>MgEXPB-02

MGIICNYLKPNYVLF AFILISILQNYCFCITTQKHNNSSAGSRFSA AVATWYGDPNGA  
GSVGGACGYGFNVEKRPFSAMIAAGNANLFQSGMGCGACYQVKRRSENPNCSGK  
AVTVTITDECGCDGQNVHFDLSGA AFGAMAKPGRAQALRNAGTFKVEYRRVRCNY  
PRTNLA FDIDKGSNPNYFACVVKYVNGDGDLSAVDLQTRNGNEWLPMQHSWGATW  
KVDLANGVKAPFSIRITRRTNKTIVARHVIPADWQP GKSYQSLAN\*

### CDS (coding sequence)

>MgEXPB-02

ATGGGGATTATTTGTAATTATCTTAAGCCTAATTACGTCCTATTTGCATTCATAAT  
TCTTATTTCAATTCTGCAA AATTATTGTTTTTGCATCACAACACAAAACATAATA  
ATTCTTCGGCGGGAAGTCGTTTCTCGGCAGCCGTGGCGACATGGTACGGAGACCC  
TAACGGAGCCGGCAGTGTAGGAGGAGCCTGTGGGTACGGTTTCAATGTCGAGAA  
ACGACCATTTTCAGCGATGATAGCAGCCGGAATGCGAATCTATTTCAATCGGGA  
ATGGGTTGCGGGGCTTGCTACCAGGTA A AATGCAGACGCAGCGAAAACCCAAAC  
TGCTCTGGTAAAGCAGTGACGGTGACAATAACAGACGAGTGCGGCTGCGACGGT  
CAA AATGTACATTTTCGATTTAAGTGGGGCCGCCTTCGGTGCTATGGCGAAGCCTG  
GCCGGGCTCAAGCGCTTCGTAACGCCGGCACATTTAAAGTTGAATATAGAAGGGT  
GCGGTGCAATTATCCTCGTACGAATTTGGCGTTCGACATCGACAAAGGCTCGAAC  
CCGA ACTATTTTCGCATGCGTAGTTAAGTACGTGAACGGAGACGGTGACCTTTCTG  
CCGTTGACCTGCAAACAAGAAACGGTAACGAGTGGCTACCCATGCAGCATT CATG  
GGGTGCTACTTGGA AAGTTGACTTGGCTAACGGCGTTAAAGCTCCGTTCTCAATC  
AGGATAACCACTCGGCGAACCAACAAA ACTATCGTCGCCAGACACGTCATTCCTG  
CTGATTGGCAGCCTGGAAAATCTTATCAATCACTTGCTAATTAA

### Nucleotide

>MgEXPB-02

ATGGGGATTATTTGTAATTATCTTAAGCCTAATTACGTCCTATTTGCATTCATAAT  
TCTTATTTCAATTCTGCAA AATTATTGTTTTTGCATCACAACACAAAACATAATA  
ATTCTTCGGCGGGAAGTCGTTTCTCGGCAGCCGTGGCGACATGGTACGGAGACCC  
TAACGGAGCCGGCAGTGGTAATTAATTAATCTAGATCAACTCATTTCGAATATAA  
ATTTGATTATTTGCTATTATTTTCGATAATTATTTTATTTTATATTTTTCAGTAG

GAGGAGCCTGTGGGTACGGTTTCAATGTCGAGAAACGACCATTTTCAGCGATGAT  
AGCAGCCGGGAATGCGAATCTATTTCAATCGGGAATGGGTTGCGGGGCTTGCTAC  
CAGGTTTTATAAATCACTTCTTATTTTCTACTAATTAATTACTGAATTAATTAAC  
ATTTTAATTTAATATATGAAAAATTAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT  
GACGCAGCGAAAACCCAAACTGCTCTGGTAAAGCAGTGACGGTGACAATAACAG  
ACGAGTGCGGCTGCGACGGTCAAATGTACATTTTCGATTTAAGTGGGGCCGCCTT  
CGGTGCTATGGCGAAGCCTGGCCGGGCTCAAGCGCTTCGTAACGCCGGGCACATTT  
AAAGTTGAATATAGAAGGTGAACATTTTTTTGGCCGGGCTCAAATTATTTGTTTAA  
TTTCGTTTAGGCAATATATTTTTTTATTTATTTTATATTCTTATATGCATTGAATATA  
AAAAAAATTAAAAAAATTATTAGTAATGCTAACTATAGGTTACGATTTTCAAATG  
CAGGGTGCGGTGCAATTATCCTCGTACGAATTTGGCGTTCGACATCGACAAAGGC  
TCGAACCCGAAC TATTTTCGATGCGTAGTTAAGTACGTGAACGGAGACGGTGACC  
TTTCTGCCGTTGACCTGCAAACAAGAAACGGTAACGAGTGGCTACCCATGCAGCA  
TTCATGGGGTGCTACTTGGAAAGTTGACTTGGCTAACGGCGTTAAAGCTCCGTTT  
TCAATCAGGATAACCACTCGGCGAACCAACAAAAC TATCGTCGCCAGACACGTC  
ATTCTGCTGATTGGCAGCCTGGAAAATCTTATCAATCACTTGCTAATTA