

IDENTIFICATION

Species: *Nicotiana sylvestris*

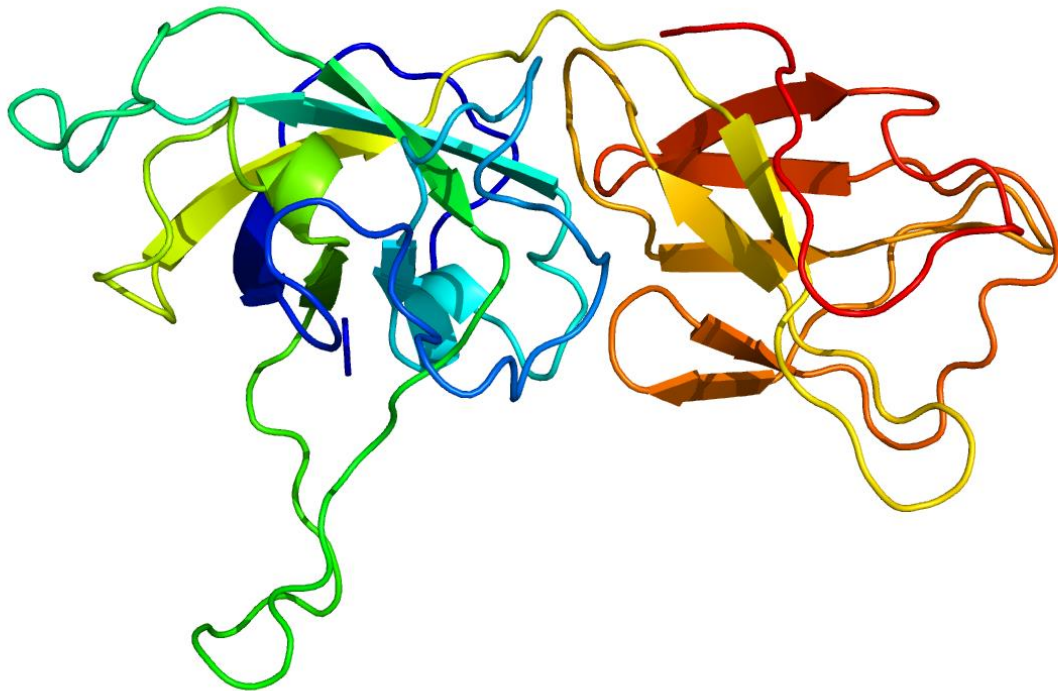
Locus: XP_009761115

Gene Model: XP_009761115.1

Description: NsEXPA-27

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

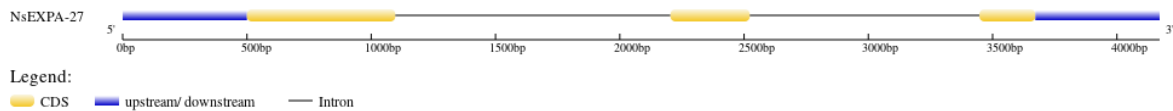
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Nicotiana%20sylvestris>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T05026>

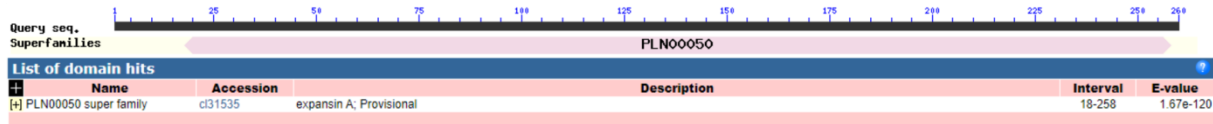
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>NsEXPA-27

MEMLNFFCIFSLLISLFLLTVEARIPGVYSGGSWQTAHATFYGGSDASGTMGGACGYG
NLYSQGYGVNNAALSTALFNGLSCGACFEIKCDNQPWCHAGSPSILITATNFCPPN
YALPNDNGGWCNPPRPHFDLAMPMLFKIAEYRAGIVPVVYRRVPCRKQGGIRFTING
FRYFNLVLVTNVAGAGDIVKLMVKGSRTGWITMSRNWQNWQTNVSVLVGQALSFR
VTASDRRKSTSWNIAPAHWQFGQTFVGKNFRV

CDS (coding sequence)

>NsEXPA-27

CTCCATACTTTCCTCATCTCATTCTCTCTCTCTCTCTAACCATTCTTTTTACACATTT
CAACTTCACACAAATGGAGATGTTGAACTTCTTCTGCATTTTTTCTCTAATTATTT
CACTATTTTACTAACAGTTGAAGCTAGAATTCCAGGTGTTTATAGTGGTGGATCA
TGGCAAACCTGCTCATGCTACTTTCTATGGTGGTAGTGATGCCTCTGGTACTATGGG
TGGGGCATGTGGATATGGTAATCTTTATAGCCAAGGCTATGGAGTGAATAATGCA
GCATTAAGCACAGCATTATTTAACAATGGGCTAAGTTGTGGAGCTTGTTTTGAGA
TCAAATGTGACAATCAACCTCAATGGTGTCTGCTGGAAGTCCTTCCATTTAATT
ACTGCAACTAATTTCTGTCTCCAAATTATGCTTTGCCTAATGACAATGGTGGTTG
GTGTAACCCTCCTCGCCCTCATTTCGATCTCGCCATGCCATGTTTCTCAAGATTG
CAGAGTATCGTGCTGGAATTGTCCCTGTTGTTTATCGTCGGGTGCCATGCAGGAA
GCAAGGTGGAATTAGGTTACAATCAATGGTTTCCGTTACTTCAACTTGGTTTTAG
TTACCAATGTCGCGGGTGCAGGTGACATAGTGAAGCTTATGGTTAAGGGTTCGAG
GACTGGCTGGATAACTATGAGTCGTAACCTGGGGTGCAGAACTGGCAAACCAACTCC
GTCTTGGTTGGTTCAGGCACTGTCATTTCAGGGTTACAGCCAGTGACAGGCGCAAAT
CCACCTCGTGGAAATATCGCGCCTGCCATTGGCAATTTGGTCAAACCTTTTGTGGA
AAGAATTTAGAGTCTAAATATAGTGTATGAAAGTGACCATAACACAATATACAA
GACTCGTGGTCCGTGCACTTGTGTTTTAGTGTTTAGACCTTTTTATTTCTGGGTTTTT
TCTATTGGCGTTTTTAAGCTTTTTTTTTTTGTGTTTGTCTAGAAGAGCTGAAGCGGCT
GCAGAAACATGTAGCCCGCAGCTGTTCAATGAACAATGTAATAGTATCAATCTAA
TGTTTTGTAGTTGATGCATGGGCACTGGGCACTGTATTTACTGTACTTTCATTAA
TATATAGTGATTTACTTTAATTAATAA

Nucleotide

>NsEXPA-27

CAAAAGCAAATGTGCGCTTGTGTGGTAGTATCAAAGTAATCTACCATTATATTTG
AAGCTTTGAATGGCATCTAGAAGCATACTTTTATGGATGTGAAGGTGAGAAGTGC
TAATCTTTTAGCTTTATGACAGAATATTTTCATAATATATGAAATTGAAACATTAAT
GTACTGCCAAGGAGGGAGTGTGGTGAGATAGATGAGATCCTCGGGTTCAAGCCC
TTGTATTGTAGCAATTTTCTTTTTGTGGGCTCCACCTGGCTCAAATCCGACTTAGT
CGAACCGGTGGTTGCTTGACTTTACAAAGTTCAAGGATGAAAGCTACACTAGAAC
TGGCATCCAAAGCTCTGCTTTAGAGAATCCAAGGTTTGATCTCAGGATAGAAAAA
CAAAGGGTCAAATCTGCACTTGCCTAATATCAAAGTGTCTACCTTTATACTTCAA
ATAGCCATTAAATATGAAATAAATAGTGTCTTCAAACATGCCCCAAAAAAATCA
GATGTTTTAATTAAGTAAATCACTATATATTAATGAAAGTACAGTAAAATACAC
TGCCAGTGCCCATGCATCAACTACAAAACATTAGATTGATACTATTACATTGTTT
ATTGAACAGCTGCGGGCTACATGTTTCTGCAGCCGCTTCAGCTCTTCTAGACAAA
CACAAAAAAAAGCTTAAAACGCCAATAGAAAAAACCCGAAATAAAAAGGTCT
AAACTAAAACCTCAAGTGCACGGACCACGAGTCTTGTATATTGTGTTATGGTCA
CTTTCATACTATATTTAGACTCTAAAGTTCTTTCCAACAAAAGTTTGACCAAAT
TGCCAATGGGCAGGCGCGATATTCCACGAGGTGGATTTGCGCCTGTCACTGGCTG
TAACCCTGAATGACAGTGCCTGACCAACCAAGACGGAGTTGGTTTGCCAGTTCTG
ACCCAGTTACGACTCATAGTTATCCAGCCAGTCCTCGAACCTTAACCATAAGC
TTCCTATGTACCTGCACCCGCGACATTGGTAACTAAAACCAAGTTGAAGTAAC
GGAAACCATTGATTGTGAACCTAATTCCACCTTGCTTCCTGCATGGCACCCCTGCAT
AAACAAAAAAAACGATCAATGAACATTATTTAAATATATAAATTAAACTCTTAA
AGATAAATTGTACAGAGTGTGAACACATAAATGGTCAATTTGTTGTAGAATGTAAA
TCCTATGTTAGCATGAGACATGGACCGTTAATTAAGGATAAACAAACAATGTGGC
TGGGACTGGTAAATAAATTTAGGGGTGTTGTCCCCACCACCTAGGGTTTTGGAAT
TTGACATTCTTAAGAAGAATGTGCATGTAGGACCAGATTCCAAATTTTCTATAAG
CAAATGTTTGAAATTTTTAGTAGATGACAACCTCACTAGTTAAAAATTTTCATTTT
AACTACAATGTCAAGGTAAGAAAAAAGTCACACCTGACCTTTATATCAAAA
AAACAATTTAACTTTAAAAGTAGCAAAGTAAGGTAAAATTAATCTATTAAAACAT
TATTCATTAATATAGTTTCTGAGTAAGCGAATCCAGGATTTAAGGTTAAAGGGT
TCCTACAGTAATTTCAAATTAATATGCAATAATAATTGTATTCTCAATTATATATT
TACAAATATATAATGAATTTTTTAATATAAATACAAGATCTACACAAGAGCTACT
CTAGTTCCCGAAAACCTATATTCAAATGCTCTAGGTCCTCCCTACTTTCAACCCC
ACTGTGTCAAGTGACAAGAGTGCCCTATGAAACAAAATAAGTATCAAACAAAAT
CAATAAAGAAACCAACTCAACATGACCCCAAGAAAAAGAAAAGAAAACCGA
AAGTGCACATAAAGAAACAGAAACAAATCAAGTGAAACCAAGAAAGCTTAAAA
AAGTGATGGAAGGGCTTTACCATTCAATATTTATACCACACGAATATGAATTAAT
CCCTCAATAATTTTCGAATACTGAATGTCTAAAGCAAAAAATAAATAAAAATTAC
ACAAATAGTGGATCATATTTATTATTTACCTTTTTAGTCAGTATACTTAGATAATA
CATACGATTATACACATATACATATACAATTCCTGAAATTTTAAGTTAAACAGTT
GGATGAGTAACTATTTAAGTTAATTCTTAAAACAAAAGAAGTTCAAAAATGCTT
ACCGACGATAAACAACAGGGACAATTCCAGCACGATACTCTGCAATCTTGAGAA
ACATGGGCATGGCGAGATCGAAATGAGGGGCGAGGAGGGTTACACCAACCACCAT
TGTCATTAGGCAAAGCATAATTTGGAGGACAGAAATTAGTTGCAGTAATTAATAA
GGAAGGACTTCCAGCATGACACCATTGAGGTTGATTGTACATTTGATCTCAAAA
CAAGCTCCACAACCTTAGCCCATTTGTTAAATAATGCTGTGCTTAATGCTGCATTATT

CACTCCATAGCCTTGGCTATAAAGATTACCATATCCACATGCCCCACCTACAAAT
TCATACAAGATAAAAAAATGTTTTAACTACAATAATCATTTCATAAACACTAAAAT
TATTAACCTAAAAGAGTTTAAAGTTCTGTGCACTAATAGCATAAAACTCTTATTAC
GATATCAAGTTAAGTTGATCTACAGTAACAAGTAATTGCTTATGTGTTAACATTG
CAGTTAACTACAGTTAAAGGCGGACCTATACTATAACAGAGAAGGGTCACCATCAC
CCAGTGGCGGAGCCACTTCCGCTTTGCAAAAAAATACACTGTATGGGTAGGGGA
AAAAAATTTATATGTATATATACTATGTATGGACTCCTCTTAATTTTCGTGGTAAAT
TTACTTTTATATATTTTGACACCCCTTAACGAAAAATTTTGGCTCCGCCATTGCCAT
CACCCATAAAATTCGGCAACAAAATTTTATGTATATATATATATATATATATATAT
ATATTTAAAAAATAGTGATATATATTAGTAGTATGCACCCAGATTTTGGTTGA
ATCAAAAAATATACCTACAACCTTTAGCTCCTGGCTCCACCTCTGCGTGGAGTAA
TAGCTAGTGTATAATTTATTTGCATTGTTAGGCCTTAAAAATAGACAGATTAGCTG
TTATAACAAGTTAAAATACTCAAATTTGTAACTTTTGGAGCAGAACATGCATTTAT
ACTAAAACAGAAGAAAAACAACACTACTGTACAAAACAGAGCAAAAATCCAGTGCAA
CTGTAAGAGCACAGAGTATTCCCTTAAAAAACCAGAAATAACATTAAATGCAGT
ATAACTGTCAAATAATGCAGCAATTAACCACATTATGTAAACATCTGCTTTTA
ACTAGAAATTTATTTCTATAGTTAAATACATTGTATATAAGTTTGAGAATTGAAAT
TTGACAAGTTTLAGAGTGGGAAAATGGAGACATACCCATAGTACCAGAGGCATCA
CTACCACCATAGAAAGTAGCATGAGCAGTTTGCCATGATCCACCACTATAAACAC
CTGGAATTCTAGCTTCAACTGTTAGTAAAAATAGTGAAATAATTAGAGAAAAAAT
GCAGAAGAAGTTCAACATCTCCATTTGTGTGAAGTTGAAATGTGTAAAAAGAATG
GTTAGAGAGAGAGAGAGAATGAGATGAGGAAAGTATGGAGGGAATGAGGACTA
CTTATGGAGAAAGACTTGAGAGGGTATCAGTGGCAGTTGGTGTAAATTTGAGTGCT
ATTAATGATCTCACCATCCCCCCCACCTCCCTCCTCCCACCCTATTGCCACCACCA
CCCCAACACCTCACCCCAACCCCTATCCCTCCCCCTAACCAATTTCTCATCCGTTT
GACTAAATTATATATTTTCCAAAAAATAAAAAAAAAAATTTATTTCACTAATCAAAT
ACTAAGAAAAATTTGGAAAAAGATTTTCACTCACCAATCAAATATGGAAAAATA
AGTAACAAAAATCATTCAATTTTCAAGGAAAATATTTTTTCTTCGTATCAAATACAC
CCTAATTTTTGTATGTAATCGTGTAAGCAAATTTTTATTCGACCAATATAGTTTGG
CCCGCTATAGTGGGTTATTACTTCGTTTTGGAGGTTATCTTATTAGGTTTGTTCATG
ATAAGTTTATGGCTGACTGCTATGCTATTTTAGGTTGACTTAA