

IDENTIFICATION

Species: *Eutrema salsugineum*

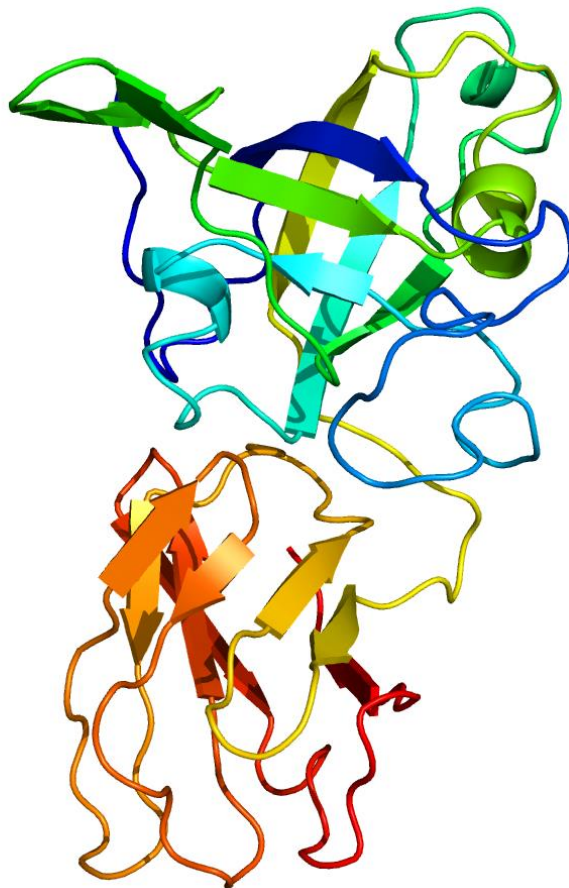
Locus: Thhalv10014430m

Gene Model: Thhalv10014430m

Description: EsEXPA-02

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Esalsugineum_v1_0

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02985>

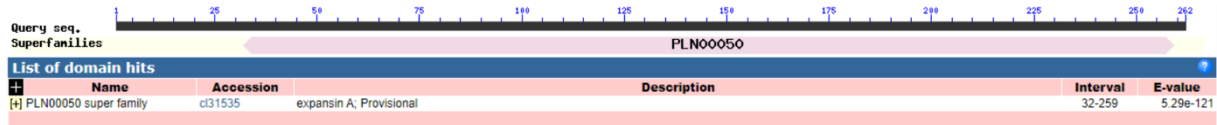
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>EsEXPA-02

MAAKVITVMAVMVVAALTATTVSAKIPGVYTGPPWVNAHATFYGEADASGTMGG
ACGYGNLYSQGYGVNTAALSTALFNNGVSCGACFELKCVNDPGWCLPGNPSILITAT
NFCPPNFAQASDNGGWCNPPREHFDLAMPFLSLIAKYRAGIVPVSYRRIPCRKKGGM
RFTINGSKYFNLVLVTNVAGAGNVVSVSVKGSNTQWMVLSRNWQNWQSNAILVG
QSLSFRVRTSDGRSSTSKNIVPSNWQFGQTFSGKNFRV*

CDS (coding sequence)

>EsEXPA-02

ATGGCGGCGAAAGTAATAACAGTAATGGCGGTTATGGTGGTTGCTGCTCTAACGG
CAACGACAGTGAGCGCCAAAATCCCCGGAGTTTACACTGGAGGTCCCTGGGTCA
ACGCTCACGCCACTTTCTACGGCGAGGCTGACGCTTCGGGCACTATGGGTGGTGC
GTGTGGGTACGGGAATTTGTATAGCCAAGGTTACGGAGTGAACACGGCGGCATT
AAGCACGGCCTTGTTCAACAATGGTGTGAGCTGTGGGGCTTGCTTTGAGCTCAAG
TGTGTCAATGATCCTGGCTGGTGTCTTCCCGGAAACCCATCAATCCTTATCACCGC
CACTAATTTCTGCCCTCCAACTTCGCTCAGGCTAGCGACAATGGCGGTTGGTGT
AATCCTCCTCGTGAACACTTTGATCTCGCCATGCCTATGTTTCTTTCCATCGCTAA
GTACAGGGCCGGTATCGTCCCCGTCTTACCGCAGAATCCCATGTAGGAAGAAG
GGAGGTATGAGATTCACGATCAATGGATCCAAGTACTTCAACTTGGTGCTCGTCA
CTAACGTAGCCGGAGCCGGAAACGTCGTGTCGGTGAGCGTGAAAGGAAGCAACA
CACAATGGATGGTTCTTAGCCGGAATTGGGGACAAAATTGGCAGTCCAACGCGAT
TCTTGTCGGCCAATCTCTTTCTTTCCGAGTCAGAACCCTCCGATGGTCGGAGCTCCA
CCTCCAAAACATTGTTCCGAGTAACTGGCAATTTGGTCAGACTTTCTCCGGCAA
GAATTTCCGCGTCTGA

Nucleotide

>EsEXPA-02

CTCTCTCTTTACTCTCTCTCTTTCTCCTTTTCGCAAAACTGAAACTTTTTTTTATTTCC
GTAAGTAAATAAAAAAATGGCGGCGAAAGTAATAACAGTAATGGCGGTTATGGT
GGTTGCTGCTCTAACGGCAACGACAGTGAGCGCCAAAATCCCCGGAGTTTACACT
GGAGGTCCCTGGGTCAACGCTCACGCCACTTTCTACGGCGAGGCTGACGCTTCGG
GCACTATGGGTAAAACAGACTCTCTCTCTTTCTCACCTCCTCTGTTTTTTCTTTT
CCCCAAAAGTTTTCAAATTATCAATTAATCCTCTTCCCTACCTTTCACACCACTC
TCTCTTCTCTTACTTTTTTTTCAATTTTACCCAAAAGTTTTTTATTTTACAATTATCA

GCTGAGATGATTGAAAGTCACGTTCTTTATAGTTTAAACACACACACACACAC
ACACTAAATGACTAATCACTGAGTACAGAGCTTTTAAGTAATAACTTATAAGGGG
TGGTTGTATTGGTGTAGGTGGTGC GTGTGGGTACGGGAATTTGTATAGCCAAGGT
TACGGAGTGAACACGGCGGCATTAAGCACGGCCTTGTTCAACAATGGTGTGAGCT
GTGGGGCTTGCTTTGAGCTCAAGTGTGTCAATGATCCTGGCTGGTGTCTTCCCGGA
AACCCATCAATCCTTATCACCGCCACTAATTTCTGCCCTCCAACTTCGCTCAGGC
TAGCGACAATGGCGGTTGGTGTAAATCCTCCTCGTGAACACTTTGATCTCGCCATG
CCTATGTTTCTTTCCATCGCTAAGTACAGGGCCGGTATCGTCCCCGTCTCTTACCG
CAGGTATTAATC
TCTCTCTTTAAACTCTTTTAAAAAATAAAACTCTGTTTTTATCTCTCTGTTCTC
CCCTGTTTTTATCTCTATACTCTGTTTTTGCATTACTTATGTTGCAACCTTTCTGCA
AGCATGAAATTTTTTAAATTGAGTCTTAGTCCATAGTACTAAGACTCAGGTATTA
ATCTCTTACCGCAGGTATTAATCTCTCTCCCTCTCTATTTAAACTCTTTTTGAAAA
AAACTCTGTTTTCCCTGTTTTTATCTCTGTACTCTGTTTTTGCATTACTTATGTT
GCAACCCTTCTGCAAGCATGAAAATTTATTAATTTGAGTCTTAGTCGATAGTCTT
ACTCTGTTTAGCTTGTTTTCGAGATTGATCCGATGAAATCGCCTAGTGTTGCTCAG
CCAGTCAAAGATGTAAGATATTTGTTAGAAGTTACTTTTTTATACTTTTAGAATC
TGTTTAATTAGGATCCCGACTCTTAGAATCTGTGAGCTTGAAGATTTTCAGAGCCT
TCGCATGTTCACTCTATTCTTTATTCCGTTTCTTGTTTTCCCGAGAAATTTGCTTGC
TTTTCTTTATATTTTCTCGGGAACCAAACAGAAAGGTTTTTTCTATTAACCAACTG
TTTTAGTTGAGTTTATGCAATCACCTTTTCTGTCTTTTAGTCCCTTTAAAGCCATAG
CCTTTATAACCAACGAACCTAACCTTTCCATCTGAGATTACCAGAACACCCCTTTA
AAACCCGCGTCAGTTATTTAACCATGGATCCGGGTAAAAATCTCAGAGGGTGATT
TAGTCATTTTTACGCTACTCGATCCCTAAGATTCAGAATTTATTATTTATTTTTT
TGTCTTGAAGTCAGCCAATGGCCCAGACTTCCTCACTCCATCCCATACATCGGTC
TCTAATCTTTTGTTTTGCAAATCATAGTGCCTAATCCAATATACTACTATCTTAAA
AATATTTTGCATTTTTAAATAGTATTATTTACACGAAACAAACGAATCATCAAAA
TTTTAATAAATATTGACTAACAAATTATATAATTGTTTTTGGGTGTTGCAGAATCCC
ATGTAGGAAGAAGGGAGGTATGAGATTCACGATCAATGGATCCAAGTACTTCAA
CTTGGTGCTCGTCACTAACGTAGCCGGAGCCGGAACGTCGTGTCGGTGAGCGTG
AAAGGAAGCAACACACAATGGATGGTTCTTAGCCGGAATTGGGGACAAAATTGG
CAGTCCAACGCGATTCTTGTCGGCCAATCTCTTTCTTTCCGAGTCAGAACCTCCGA
TGGTCGGAGCTCCACCTCCAAAACATTGTTCCGAGTAACTGGCAATTTGGTCTCAG
ACTTTCTCCGGCAAGAATTTCCGCGTCTGATTTCTAGAATAATCAACTGAAATTAT
CGACAGAAGATATATCGAAGCTTTTTCTTTTCTTTTCAATATATATATTTACGTGT
CTTTAAATTTAGTTACGATTTGGAATTGGGGTTTTACCATTTTTCCCTTATTTTCTC
AGGGAAAGTATTGGGGTTGCTTGTTACGAAAGTTAGTTTTTTTTTTCTTTTTAAGA
TTAGGGTTTGTGTTTTGTTTTGGTGTGTTTGTGTCTTGTTTGGTCTGTAGGGAGGCTG
AAGCGGCTGCAAAGAAAAAAAAGGTTTGGATAAAGATAAATGTAGCCCGCAGCT
CTCCTTTACGCCCTATTGTATTAAGTATATACATATATAATATTCAGAACTTGGT
TTCTCGGTTTATATGAATAACGATTGGCTATTTGTCTTTAATAACTAAGTTTTAAT
ATATTAATGTGGTGTGGATTGG