

IDENTIFICATION

Species: *Phaseolus vulgaris*

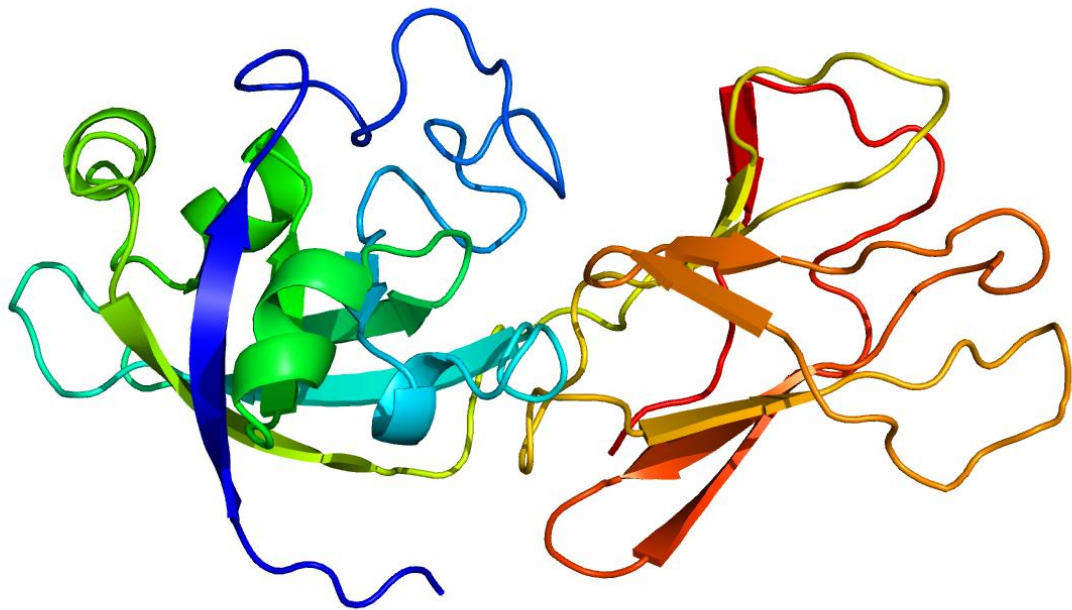
Locus: Phvul.008G144100

Gene Model: Phvul.008G144100.1.p

Description: PvEXPB-02

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

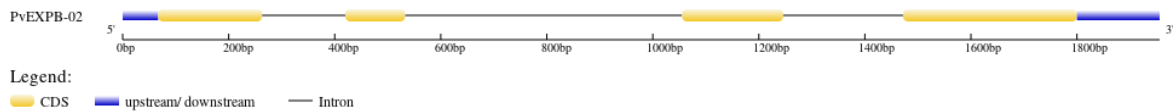
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Pvulgaris_v2_1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T03093>

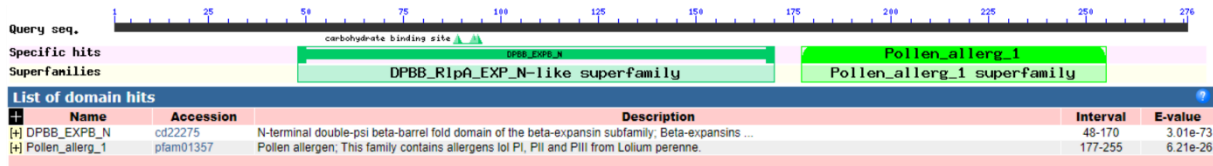
EXTERNAL RESOURCES

<https://www.pulsedb.org/organism/636>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>PvEXPB-02

MALTLQRALFDLLTLVAILSVFLVVPSSCFNPKKLLNASYYSPSGSDWSPA VATWYG
PSNGDGSEGGACGYGNAV GQPPFSSLISAGSPLYDSGKGCSCYEVKCTGNSACSG
NPVKVVITDECAGCGSDAQYHFDLSGSSFGAMADSGQDENLRNAGKINIQRRIECN
YGRSIAFHVDSGSNQEYFAALVEFEDGDGDLAKVELKEAHDDSNSWDSMQQSWG A
VWKLDKGSPLKAPFSIRLTTLESGKTIVASNVIPA EWTPGQTYRSIVNF*

CDS (coding sequence)

>PvEXPB-02

ATGGCTCTTACACTTCAACGTGCTTTATTTGATCTACTTACCCTTGTAGCTATACTC
TCAGTATTCCTAGTAGTCCCTTCCTCTTGTTTCAACCCCAAAAAGCTCCTTAACGC
TTCATATTATTCTCCATCTGGTTCAGATTGGTCACCTGCAGTGGCCACTTGGTATG
GACCTTCTAATGGAGATGGAAGTGAAGGTGGAGCTTGTGGATACGGCAACGCTG
TTGGGCAACCTCCATTCTCTTCATTAATATCTGCAGGAAGCCCTCTGTTATATGAC
TCCGGCAAAGGGTGTGGTTCTTGTTATGAGGTGAAATGCACAGGGAATTCTGCAT
GCTCAGGCAATCCCGTGAAAGTAGTGATCACTGATGAGTGTGCTGGGTGTGGCTC
AGATGCTCAATATCATTTTGATTTGAGTGGCAGTTCTTTTGGAGCAATGGCAGATT
CAGGTCAGGATGAGAATCTACGCAATGCAGGAAAATAAACATTCAACATAGAA
GAATTGAATGCAACTATGGTAGGTCAATAGCTTTTCACGTGGACTCTGGCTCAA
CCAAGAATATTTTGCTGCCTTGTTGAATTTGAGGATGGGGATGGTGACCTTGCC
AAGGTTGAACTCAAGGAAGCACATGATGATTCAAATTCATGGGATTCAATGCAAC
AATCATGGGGTGCAGTTTGGAACCTTGACAAAGGCTCACCCTGAAGGCACCTTT
CTCTATCAGGCTAACCACACTTGAGTCTGGCAAGACCATTGTGGCCAGTAATGTG
ATCCCTGCAGAATGGACTCCTGGTCAGACATATAGATCAATTGTGAATTTTGA

Nucleotide

>PvEXPB-02

TCCACAGTTAGCTACAACCTACCAAAGAAACCAAAAAGATTGCAGTGATTTGTG
AATTCTGATAACATGGCTCTTACACTTCAACGTGCTTTATTTGATCTACTTACCCT
TG TAGCTATACTCTCAGTATTCCTAGTAGTCCCTTCCTCTTGTTTCAACCCCAAAA
AGCTCCTTAACGCTTCATATTATTCTCCATCTGGTTCAGATTGGTCACCTGCAGTG

GCCACTTGGTATGGACCTTCTAATGGAGATGGAAGTGAAGGTAATAAATAGCTAT
TAGCAGTTTCAATGATTAGTATATATTAATAAGACGTTTTTTTTGTCAAATAATGCT
TAAGTTATGATTGAAATAGTTAATTTCTATGATTATTATATGTTTTGTACTTACAT
ATATATATATATATACATATATATATAGGTGGAGCTTGTGGATACGGCAACGC
TGTTGGGCAACCTCCATTCTCTTCATTAATATCTGCAGGAAGCCCTCTGTTATATG
ACTCCGGCAAAGGGTGTGGTTCTTGTTATGAGGTGAGAACATTATTACGTCTTTC
ACAAGAGGAAGGCTAGCACAATTCTAACACTATTTTCATGACTATTCGGGACAAGT
GAAATGATGTGTGATGATGACCCAATTACAGTTTTTATTAAGTTTAAAGTAAACTA
CACCAACTAAATTACAAAGTGAAATTTTTTTATTATCAAATTGTTAATCCCAATAT
TACTTAATTCAAATATATTAATAAGAAATTGGTTTTAGTATTAATAAGATAAAAAA
ATAAGAAAAACATAATTTTAAAGGAGAAATTATATTAATTTGACTAGTCATATT
TTTTTACCAGAGATTATTGTTTTCAATAAAATTAAGAAAAAATATATACTAAA
AATTTATTAATTTTTAGCTTAACTATCGTAAAAGTGATACTGTCACACTGCTAAGT
TCTCAATTTTTGAAATAGAGAGTGATCATGCATGCAAAGGAGAATCATATTCACAA
GACTATGTCCATGAAAGAAAATTATTTTAAAGTAGTGCAGTTTTTTGTTCTATTTTCA
GGTGAATGCACAGGGAATTCTGCATGCTCAGGCAATCCCGTGAAAGTAGTGATC
ACTGATGAGTGTGCTGGGTGTGGCTCAGATGCTCAATATCATTTTTGATTTGAGTG
GCAGTTCTTTTGGAGCAATGGCAGATTCAGGTCAGGATGAGAATCTACGCAATGC
AGGAAAAATAAACATTCAACATAGAAGGTATGCTCTCCAAATTCCAATAATTAAT
TAATTCATTTTTAGACAAGCAGACTAATTAATTCTCAGTATCCTTATACTTTTTCT
ATAAATATTTCAACATTATTGACTTTCACTTATATTCTTTTGACATTTATTTGGTTT
ATGTTTTTGTCAATTACCATATTTTATTTTCAACCTTTAGGTTACAATATTGTAAGT
ACAAATTAGAGACGGGTTTTTTGCTGCAGAATTGAATGCAACTATGGTAGGTCAAT
AGCTTTTCACGTGGACTCTGGCTCAAACCAAGAATATTTTGCTGCCTTGGTTGAAT
TTGAGGATGGGGATGGTGACCTTGCCAAGGTTGAACTCAAGGAAGCACATGATG
ATTCAAATTCATGGGATTCAATGCAACAATCATGGGGTGCAGTTTGGAACTTGA
CAAAGGCTCACCCTGAAGGCACCTTTCTCTATCAGGCTAACCACACTTGAGTCT
GGCAAGACCATTGTGGCCAGTAATGTGATCCCTGCAGAATGGACTCCTGGTCAGA
CATATAGATCAATTGTGAATTTTTGAAACCTAAAGATTTATGTGACCATCATTTTG
TAGCTATCCTACTTATCATATTATATATAACCCAAGATATGTATCTAATCAAAT
GTCATCCTGTTAGTGGACTTTTCGATTGTCTTCTATAATCTACTATGAATGAAATTG
TGCTTGCTACTAGC