

IDENTIFICATION

Species: *Medicago truncatula*

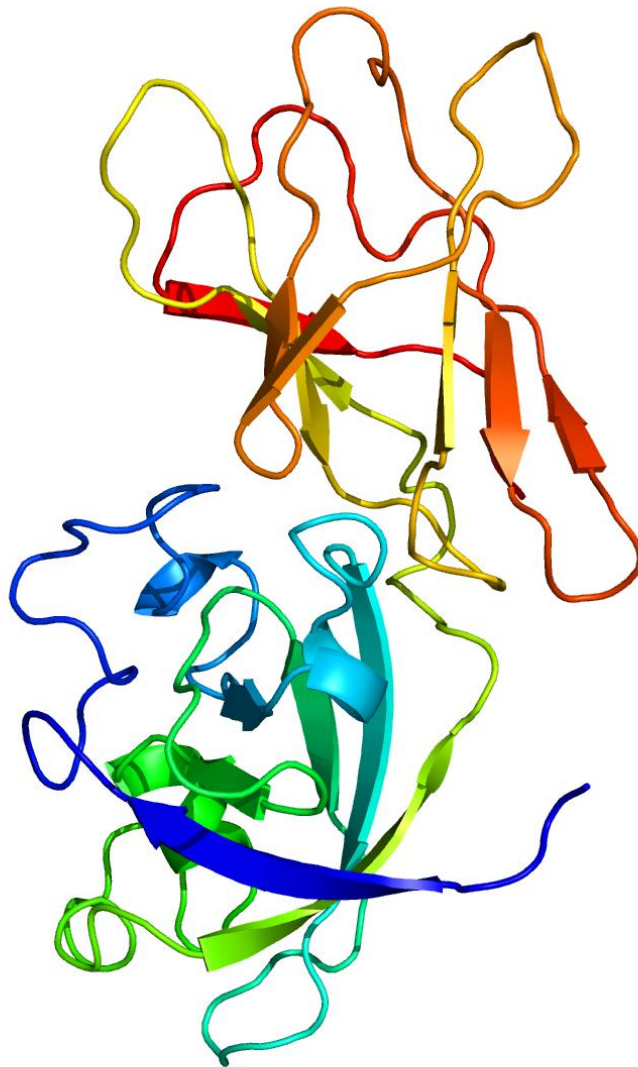
Locus: Medtr4g098930

Gene Model: Medtr4g098930.1

Description: MtrEXLB-01

Family: Expansin Like Beta

3D structure:



GENOME DATABASES

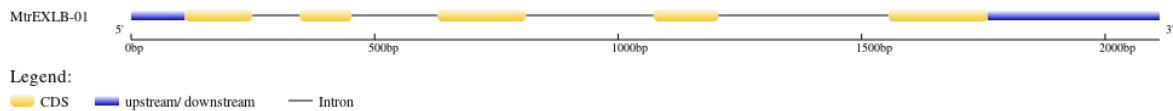
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mtruncatula_Mt4_0v1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T01716>

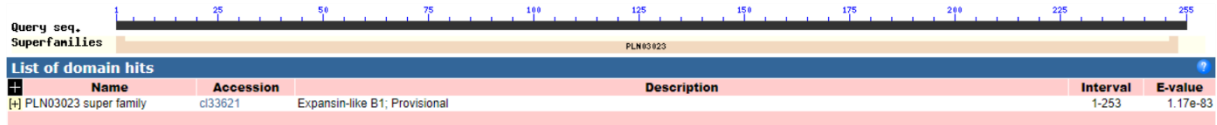
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>MtrEXLB-01

MALSLLCFVLIATFLFMQTLADTSCTDCFVQSHASFYPNSENGTDTGACGFGSFGAT
INGGDVSAASSLYRDGVGCGACYQVRCNTNSVYCSGNGVTVVLTDAQSGDNTDFILS
QRAFSGMAQSKDAATSLALGVVNIEYRRVSCSYPNKNITIKIDESSNPHYLAFLVLW
FQQGKRDIATVQLCETQNFVCKLLDRDHGAVWTSTSPPSGPLTLRMLFSTEDGEDTW
IVPVNNIPENWKAGDTYDSGVQVDQ*

CDS (coding sequence)

>MtrEXLB-01

ATGGCACTCTCTCTTTTGTGTTTTGTTCTCATTGCCACCTTTCTTTTCATGCAAACC
CTAGCAGATACTTCATGCACCGATTGTTTTGTTCAATCTCATGCATCATTTTACCC
AAACTCTGAAGAAAACGGCACAGATACTGGTGCATGTGGATTTGGTTCCTTTGGT
GCTACTATTAATGGTGGGGATGTATCGGCTGCATCTAGTCTTTATCGAGATGGAG
TTGGCTGTGGCGCTTGTTACCAGGTGAGGTGTACCAACAGTGTTTATTGCTCAGG
CAATGGTGTCACGGTAGTTTTAACTGATCAAGGCTCAGGAGATAACACTGACTTC
ATTCTTAGCCAACGAGCCTTCAGTGGGATGGCTCAGAGCAAGGATGCAGCCACTT
CTCTATTAGCTCTTGGTGTAGTTAATATTGAATACAGACGGGTTTCATGTAGCTAC
CCAAACAAAAACATTACTATTAAGATTGATGAAAGCAGCAGCAATCCTCATTACT
TGGCTTTTGTCTTATGGTTTCAACAAGGAAAGAGGGACATAACTGCTGTGCAGCT
CTGTGAGACTCAGAACTTTGTCTGCAAGTTACTGGATCGGGATCATGGCGCAGTC
TGGACTTCTACCTCTCCACCGAGTGGACCTCTGACTTTAAGGATGTTGTTTAGTAC
TGAAGATGGAGAAGATACATGGATTGTTCTCTGTTAATAACATAACCAGAAAACCTGG
AAGGCTGGAGACACGTATGACTCAGGAGTACAAGTAGACCAGTAG

Nucleotide

>MtrEXLB-01

TGGTAACATTGACCAGATTCTCTATAAATAGTAGAAATCCAATTCCCTTCATGCAT
CACAAGCTCTCTTTACCATTCTGAGTTCTGACTGCTTTATCCATTCTATCCTACATG
GCACTCTCTCTTTTGTGTTTTGTTCTCATTGCCACCTTTCTTTTCATGCAAACCCTA
GCAGATACTTCATGCACCGATTGTTTTGTTCAATCTCATGCATCATTTTACCCAAA
CTCTGAAGAAAACGGCACAGATAGTAAGAAAACCTGATAAAAAATAACAAAAATG
CAAACATGAAATGATATTTGTAACATGTTCTCTTTTATATTTATGCTCTTTTGAA

TTCATTTTCAGCTGGTGCATGTGGATTTGGTTCCTTTGGTGCTACTATTAATGGTGG
GGATGTATCGGCTGCATCTAGTCTTTATCGAGATGGAGTTGGCTGTGGCGCTTGTT
ACCAGGTGACAACAAATCTATACATATATCAAACCTAACATACTTACACAAACA
ACAACTTTGTTAGTTCTGTCAGCTTGTCCCTTTGACATTCACAAATAAAAGACTTC
AACAAACAGTCTGCAACTTAACATTATCTATTCTAAATTCGAAACTAATATTTTTCA
TTATTCTTTGACAGGTGAGGTGTACCAACAGTGTTTATTGCTCAGGCAATGGTGT
ACGGTAGTTTTAACTGATCAAGGCTCAGGAGATAACACTGACTTCATTCTTAGCC
AACGAGCCTTCAGTGGGATGGCTCAGAGCAAGGATGCAGCCACTTCTCTATTAGC
TCTTGGTGTAGTTAATATTGAATACAGACGGTAAGATATTCTTCAACACAATTTCA
TGCATGCATCAACTTTAGCGAGACTTGATGCAATAGCTGTTGTCGTATGAAAAC
GGCTATTTGTAAATGTAAGATAAGACTGCCGGTGATACATCTACGATGAGTTTGA
CTCTTCCCTGGATCTTACGGGCATGGCGAAGCATTACAGCACCATGTTGTCCCTTC
ATCCATGCATAAACTTTTTACGTTTTTGTATATGTAAACATAACCAAGGCCTCTC
CTCGTTATCTCCAGGGTTTCATGTAGCTACCCAAACAAAAACATTACTATTAAGA
TTGATGAAAGCAGCAGCAATCCTCATTACTTGGCTTTTGTCTTATGGTTTCAACAA
GGAAAGAGGGACATAACTGCTGTGCAGCTCTGTGAGGTAATATCTACTTCCTTTT
CCTGCGATAAGTTGTAGTTTGTGTCTAACTTGAACCGAATAAACTAAAACTTTCG
AAAAGGTTATGTGGTGAATTTTAGTATTTTCAGGTCGTATACCGATTTCCCTATGTTG
AACTTGAACTAATTATAATTTGCCCAAATAATTAACCTTLAGAAGAGATATCAC
CACTACATGTGAAAAACGTCTTTAAATGTTCAACTCTTCATTCAACTGAAACAG
CATTCTTAAAGACACAAGCACACAAAATAAATTAGAGAAAATTATGAAAGAAAG
GTTTTGTTGATAGTTAGATAAAAATGAATGAACTTATATCTTTTGTGAGTGCAGA
CTCAGAACTTTGTCTGCAAGTTACTGGATCGGGATCATGGCGCAGTCTGGACTTC
TACCTCTCCACCGAGTGGACCTCTGACTTTAAGGATGTTGTTTAGTACTGAAGATG
GAGAAGATACATGGATTGTTCCCTGTTAATAACATAACCAGAAAACCTGGAAGGCTG
GAGACACGTATGACTCAGGAGTACAAGTAGACCAGTAGAGATGCAGTAAAATAT
GAAGCCATATGTGACCAACAAAATATTGTTTATTAACTTTATTTATATGCTATTA
TTACCCTGTTATGAAAGAAATAAATAAATAAGTCCACTGAGTTTATCATATCATT
GATCACAAGCATGTTAGGTACAGGCCCAATTAACAAGGCCCACTTTAAGTTAATT
TCATGTTTTAAATAGAATAAGAGTTGGAATTTCTTCAAAAAAAAAAAAAATAGAATA
AGAGTAGGAGTCAGATGGGCATTTAGTTATTTTTTATGTTAGTTTGGTTTGGAGAGA
GAATAGGCTCTCTAATTCCTAGAGGATTGGTTAATTGTGTGTAGCAATTTCTGTT
TTTA