

IDENTIFICATION

Species: *Phaseolus vulgaris*

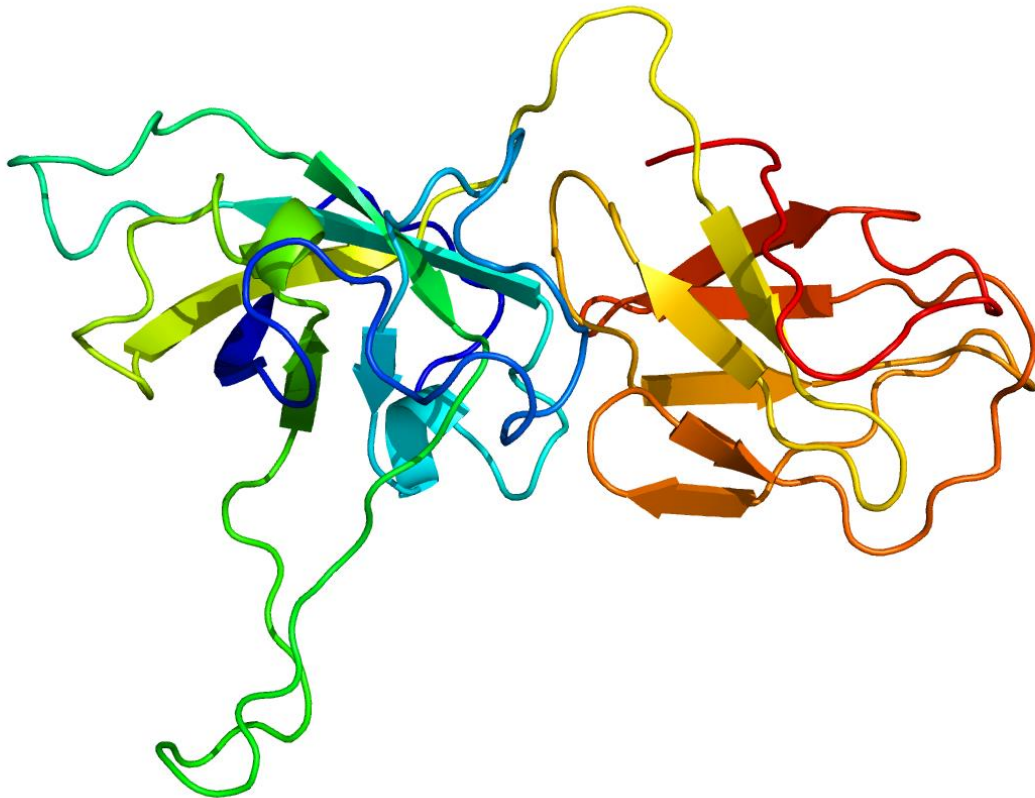
Locus: Phvul.008G248000

Gene Model: Phvul.008G248000.1.p

Description: PvEXPA-19

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Pvulgaris_v2_1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T03093>

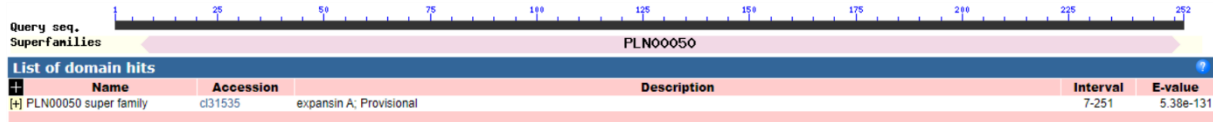
EXTERNAL RESOURCES

<https://www.pulsedb.org/organism/636>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>PvEXPA-19

MQSFFVLLILIFIHVNHLKTAFAADYGGWQGGHATFYGGGDASGTMGGACGYGNL
YSQGYGTNTAALSTALFNGLSCGACFEMRCDDDPWCKAGTIVVTATNFCPPNFA
LPNNNGGWCNPPPLQHFDMAEPAFLQIAQYRAGIVPVAFRRVSCVKKGGIRFTINGHS
YFNLVLITNVAGAGDVHAVSIKGSRTSWQPMSRNWQNWQSNSYLNQSLSFQLTA
SDGRTLTA FN VAPDNWQFGQTFQGSQF*

CDS (coding sequence)

>PvEXPA-19

ATGCAATCATTTTTTGTCTACTTATTCTCATTTTTATCCACGTTAACATGCACTTG
AAGACTGCCTTTGCTGACTATGGCGGTTGGCAGGGTGGTCATGCTACTTTCTATG
GCGGTGGTGATGCTTCTGGCACAATGGGAGGTGCATGTGGCTATGGGAATTTGTA
CAGTCAGGGATATGGAACAACTGCACTCTAAGCACTGCTTTGTTCAACAAT
GGCTTGAGTTGTGGGGCATGTTTTGAAATGAGGTGTGATGATGACCCAAGATGGT
GCAAGGCTGGCACCATTGTTGTCCTACTGCTACAACTTCTGTCCTCCAACTTTGCT
TTGCCAAACAATAACGGTGGTTGGTGCAACCCTCCTCTACAACACTTTGATATGG
CAGAACCAGCCTTCTTCAAATTGCTCAATATAGAGCTGGAATTGTGCCTGTGGC
ATTTAGAAGGGTGTCTTGTGTGAAAAAGGGGGGAATAAGGTTCAACAATTAATGG
ACATTCTTACTTCAACCTGGTTTTGATCACCAACGTCGCGGGTGCAGGGGATGTC
CATGCAGTCTCCATCAAAGGGTCCAGAAGCTAGCTGGCAACCTATGTCAAGGAATT
GGGGACAAAATTGGCAGAGCAACTCCTACCTCAATGGACAAAGCCTCTCTTTTCA
ACTCACCAGCAGTGACGGTAGAACTCTGACAGCCTTCAACGTGGCACCAGATAAC
TGGCAGTTTGGTCAGACCTTCCAAGGGAGTCAATTTTAG

Nucleotide

>PvEXPA-19

CAGCATAGCAAATTAAGTACACATTCCCCTGTTTTGCCTCCTCTGTTCAACCAAGT
AACTTCCAATGGCACTCCATGCAATCATTTTTTGTCTACTTATTCTCATTTTTATC
CACGTTAACATGCACTTGAAGACTGCCTTTGCTGACTATGGCGGTTGGCAGGGTG
GTCATGCTACTTTCTATGGCGGTGGTGTGCTTCTGGCACAATGGGTCAGTGTA
CTTTTATCTTTATCTATCTTCAAACAAAACACTACTACATGTAAGAAACATTGACAAA
TTGAAACTTTTCAACATCATTATTATGTCTTTAATTTCTTAGACATTTTGACTACCC

TAGTAAATATCTTTTAGACCAAACCTTTAAGTGATTTTGACAGTGCTTTCTAATTTG
AATTGAGGTTTTCTACTAGCCATGTGTGTGCTAAAAGTTTGCAATAGTAGTCAACA
TAGACTACCAAGATAAAAATTCCAACCTCAACTATAAAAATAACATAGCCACATCCA
TAAAAGTTTATCTAAGTTTTGTCTTGTCTTCTAACTTTTAACCCTTTTGTTTGATGC
GTTCAGGAGGTGCATGTGGCTATGGGAATTTGTACAGTCAGGGATATGGAACATA
CACTGCAGCTCTAAGCACTGCTTTGTTCAACAATGGCTTGAGTTGTGGGGCATGTT
TTGAAATGAGGTGTGATGATGACCCAAGATGGTGCAAGGCTGGCACCATTGTTGT
CACTGCTACAACTTCTGTCCTCCAACTTTGCTTTGCCAAACAATAACGGTGGTT
GGTGCAACCCTCCTCTACAACACTTTGATATGGCAGAACCAGCCTTCCTTCAAATT
GCTCAATATAGAGCTGGAATTGTGCCTGTGGCATTTAGAAGGTACCATAAACATA
TCTCAACCATAATTTCCCTATTTTTATGAATGAAAAATTGTGTTTGCATTTTCAAC
ACCAAGTTTTGGAGTGTGCAAACCTGCATCATTACAAAACTTACATCGATAATTT
AACTTTTTAAGAGATTAATGTGGTCACTAAAACCTTCAAAAACAATAGCATAATGAC
ACAAATTTTAAAGTACTAAAATCTTTCAAAAATCACATTTCTTCATTATCCTTAGGT
TTTCTAACTCCATTCCTCTATTTAAATTACCAACTCCTAACTCAATTAACCTCCCTT
AACCAAAAATTTAATTAATGAGAAGGAAAAAACTCATTACTAAATTGATTGATAA
CATATTTAATTTTTTTTTTTTTAAGTTTTTGACATGTGTTTGGTCTACCTTTTC
TTTTCTGTTTCAGCTAGGTCTTAGTCTTTTTTATATATATATATACATCATGTAT
TTACTCTCTAACCTACAAGTAAATAAGAATTTTTTTTTGGATTTTTTTTTCTCTCTT
TTCTGTTTTTCTCTCTTTTACGCTTGAGTCATTGTTTTTTTTTCATTTGAAATTAGAA
TTCATTAGAACATCTTGTTTTTCATTGTGATTACGTGCGATCCATTTGATTCATCAC
ATCAGCCAAGGAATATTCATCTACACTGACCGTAATATTGATTACTAATTCATATT
TTTAAAATATTTATTTTCTTTTAATAACTAAAAGTCTCACCCCTTTGTGACAAATTC
ATAAATTATCTATTTTGTGTAACACATTTAACAATTATGAAAAAATAAGAAAAA
AGAGAAACAATTGTGTTTCCAAATACTTTGTGTATTGAGATCTTGAATTATTTGAT
ATTGATAGAAGAGTGCATATATAATTTGATTTAGCTTGTCTAGTTTCCCTACCAAC
CTACCTAGTTAAACCCTTCTTTTGTCTCTTATTTGGTGATGATGACAACAGGGTG
TCTTGTGTGAAAAAGGGGGGAATAAGGTTTACAATTAATGGACATTCTTACTTCA
ACCTGGTTTTGATCACCAACGTCGCGGGTGCAGGGGATGTCCATGCAGTCTCCAT
CAAAGGGTCCAGAACTAGCTGGCAACCTATGTCAAGGAATTGGGGACAAAATTG
GCAGAGCAACTCCTACCTCAATGGACAAAGCCTCTCTTTTCAACTACCGCCAGT
GACGGTAGAACTCTGACAGCCTTCAACGTGGCACCAGATAACTGGCAGTTTGGTC
AGACCTTCCAAGGGAGTCAATTTTAGTGAAAAAGAAATCACATGTTATTATATTA
ATATTAACTTTATTTTAGTAAATTAATAAATGTGATTACCTATATATTGTGTGAAA
ATTAATCCCAACGGGATAATAATTAATAAAGGTTTTAGGTGTTGTTGATGCCACA
AGAGTGTTAAGAGAGGCATTTATATATAATATAAA