

IDENTIFICATION

Species: *Mimulus guttatus*

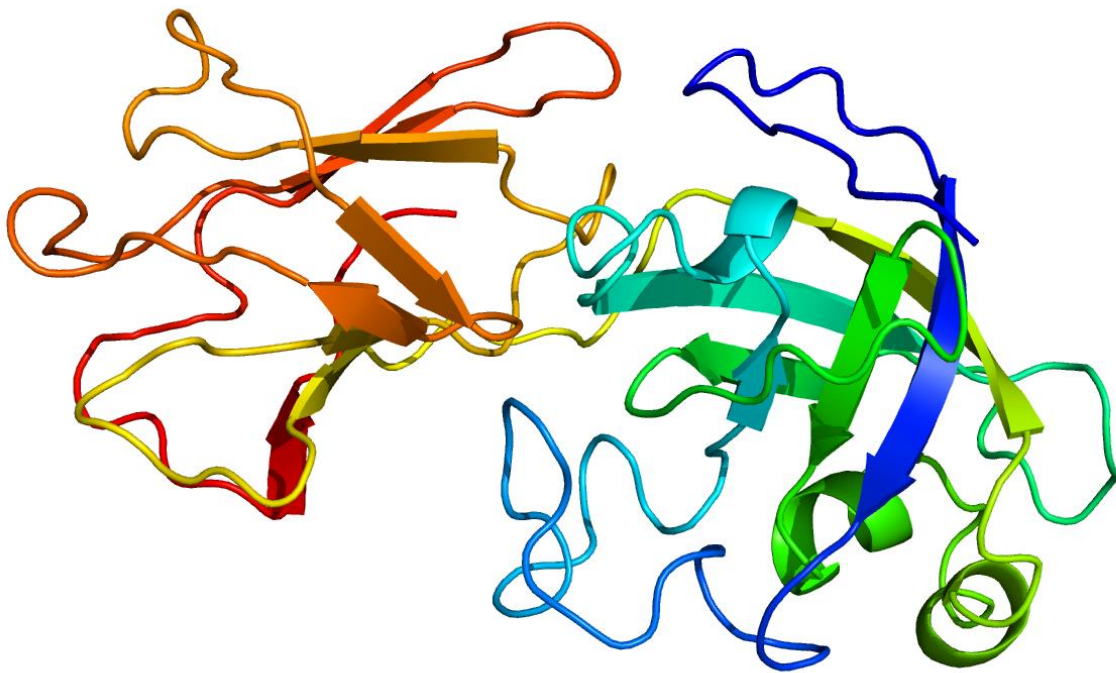
Locus: Migut.F01690

Gene Model: Migut.F01690.1.p

Description: MgEXPB-07

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

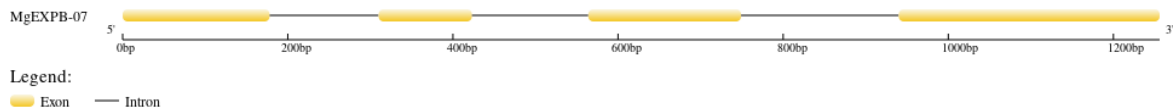
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mguttatus_v2_0

KEGG:-

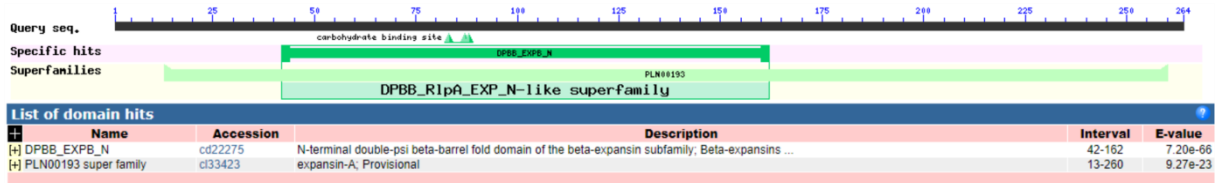
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>MgEXPB-07

MFTSHFSSPLTFLTLTAILVLQTNVCVCTNPNSVNASLGGGFSSAVATWYGSPEGPGS
TGGACGFGVDVQNPPYNSLVSAGSNGIYLNKGKGCACYQVKCTENSACSGFPVTVTI
TDQCPGCPEAFHFDLSGKAFGYLAKQGQADQLRAAGQINVQYQRVACNYNTGILFKI
DAGSNANYMAFAIEFVSGDGDIGAVQLLPSNTGAINMQQSWGATWKADLPNGTNGP
YTVKVTTIESRRITATNVIPANWSPGKYHSGAN*

CDS (coding sequence)

>MgEXPB-07

ATGTTTACCTCTCACTTTTCTTCACCTCTCACATTTCTAACCCCTAACAGCTATTTTA
GTGCTTCAAACGAATTATTGCGTTTGTACGAACCCTAATTCGGTTAATGCTTCTCT
CGGTGGTGGTTTCTCGTCTGCTGTGGCGACGTGGTACGGTAGCCCCGAAGGACCT
GGAAGTACCGGGGAGCTTGTGGATTTGGAGTTGATGTGCAAAATCCACCATAACA
ATAGTCTTGTATCTGCAGGAAGCAACGGTATATACCTCAATGGAAAAGGCTGTGG
GGCTTGTATCAGGTAATAATGTACGGAAAATTCAGCGTGTTTCCGGTTTCCGGTT
ACCGTAACAATTACCGACCAGTGTCCCGGTTGCCCTGAAGCTTTTCACTTTGATTT
GAGCGGAAAAGCTTTCGGATATTTAGCCAAACAAGGCCAAGCTGATCAATTACG
AGCTGCTGGACAAATCAATGTCCAATATCAAAGGGTAGCATGCAACTACAATAC
GGGTATATTATTCAAGATCGATGCTGGTTCGAACGCTAATTACATGGCGTTTTCG
ATCGAGTTTGTGAGCGGAGACGGTGATATCGGTGCTGTCCAGTTGTTGCCATCGA
ATACCGGAGCGATTAACATGCAGCAATCATGGGGTGCCACGTGGAAAGCAGATT
TGCCAAATGGCACAAACGGACCTTATACAGTGAAAGTAACTACTATTGAATCAAG
AAGAACTATTACCGCCACCAATGTTATTCCCGCCAATTGGAGCCCCGGCAAATAC
TATCACTCTGGCGCCAATTAA

Nucleotide

>MgEXPB-07

ATGTTTACCTCTCACTTTTCTTCACCTCTCACATTTCTAACCCCTAACAGCTATTTTA
GTGCTTCAAACGAATTATTGCGTTTGTACGAACCCTAATTCGGTTAATGCTTCTCT
CGGTGGTGGTTTCTCGTCTGCTGTGGCGACGTGGTACGGTAGCCCCGAAGGACCT
GGAAGTACCGGTAATTAATTAATTAACAAAATTAACATAAAATAATGAATA
ATAATAATTATTATTATTATTCCGTTATTATTATTATTTTTTTTTTAATATCAAATAA

ACCTAATTGTGTATATATATTGTAATTTTCAGGGGGAGCTTGTGGATTTGGAGTTGA
TGTGCAAAATCCACCATACAATAGTCTTGTATCTGCAGGAAGCAACGGTATATAC
CTCAATGGAAAAGGCTGTGGGGCTTGTATCAGGTATATTATTAATATTAATAATT
ATATATTTATATTAATTAGGTATTTACAATTTTATATTTTATATTTAATTAAATTTT
CTGTACATTTTACCAATATATATTTGACAACATATTGTTATTTTATGTACTTATCTT
TTTAGGTAAAATGTACGGAAAATTCAGCGTGTTTCAGGATTTCCGGTTACCGTAAC
AATTACCGACCAGTGTCCCGGTTGCCCTGAAGCTTTTCACTTTGATTTGAGCGGAA
AAGCTTTTCGGATATTTAGCCAAACAAGGCCAAGCTGATCAATTACGAGCTGCTGG
ACAAATCAATGTCCAATATCAAAGGTACGTACGAAATATTTTCGAGAAAATTGTGC
TTTTGGTCCTCCATATTGGCCTATTTAGAGGTTTGGTCCTTAACTAATTGTTATATA
TTCTATTTTCGCGTTTTTTTTTAATTAGAAGCGAAAGTTTATATTTTTCGTGAATTATT
AATCATTATATAATAATGCTGGTATTCGAATTATTTAATTTTGCAGGGTAGCATGC
AACTACAATACGGGTATATTATCAAGATCGATGCTGGTTCGAACGCTAATTACA
TGGCGTTTTCGATCGAGTTTGTGAGCGGAGACGGTGATATCGGTGCTGTCCAGTT
GTTGCCATCGAATACCGGAGCGATTAACATGCAGCAATCATGGGGTGCCACGTGG
AAAGCAGATTTGCCAAATGGCACAAACGGACCTTATACAGTGAAAGTAACTACT
ATTGAATCAAGAAGAAGTATTACCGCCACCAATGTTATTCCCGCCAATTGGAGCC
CCGGCAAATACTATCACTCTGGCGCCAATTAA