

IDENTIFICATION

Species: *Mimulus guttatus*

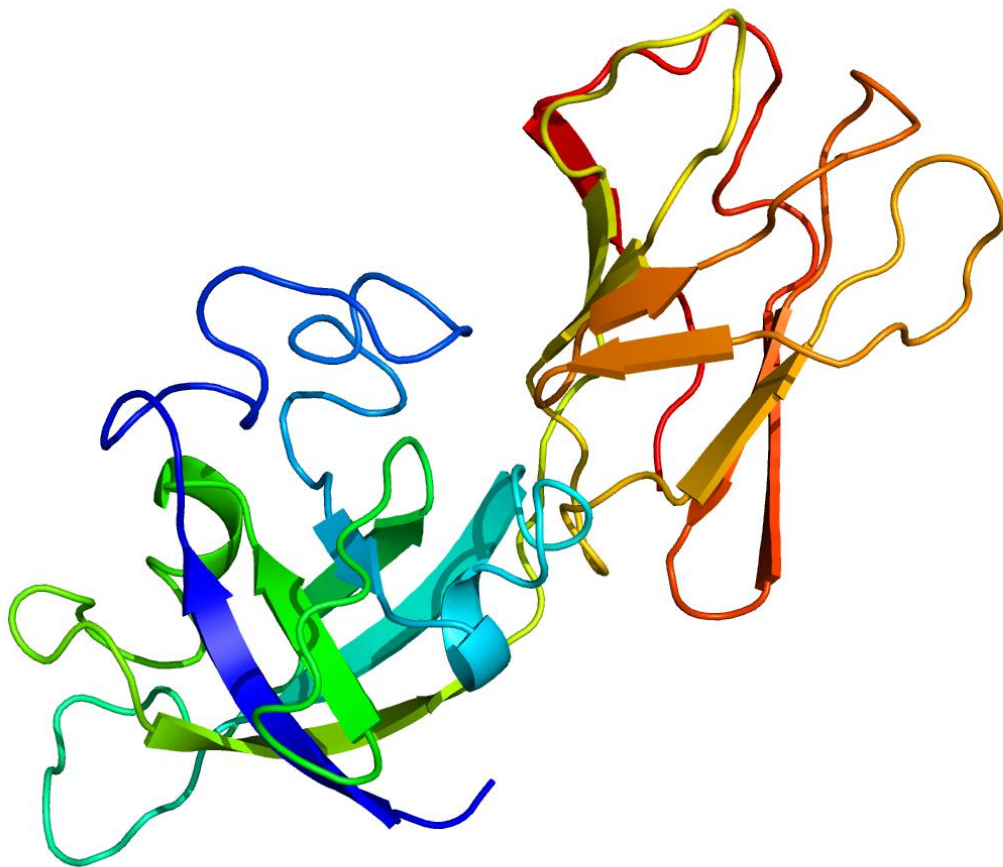
Locus: Migut.N03182

Gene Model: Migut.N03182.1.p

Description: MgEXPA-20

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

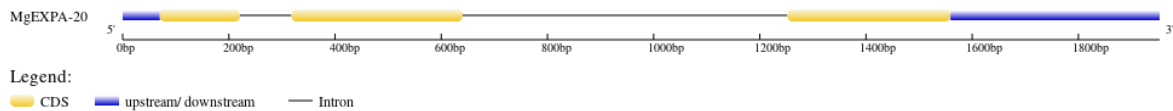
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mguttatus_v2_0

KEGG:-

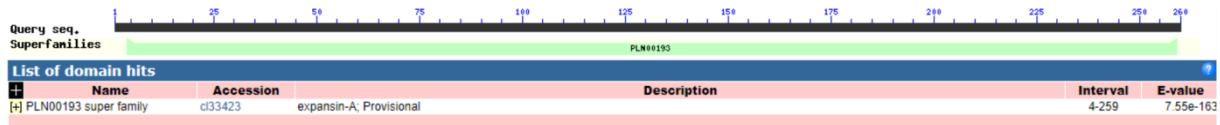
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>MgEXPA-20

MSKSGVLLLQLVIITIGLSYFIISANALTASGWTQAHATFYGGSDASGTMGGACGYGN
LYSAGYGTRTAALSTALFNNGGSCGQCFKIMCDYNSDPQWCKKGVSVTVTATNFCP
PNFDLPSDNGGWCNPPRQHFDMAQPAWEKIGIYRGGIVPVIYQRPCKKHGGVRFIT
SGRDYFELVLITNVGNAGSIQSVQIKGPKTGWMPMSRNWGANWQSNSFLNGQSISF
MVTTTDGIKTFLNVPNSWAFGQTFSSPAQF*

CDS (coding sequence)

>MgEXPA-20

ATGTCTAAAAGTGGAGTTTTGTTATTACAATTAGTGATAATCACAATTGGATTAA
GTTATTTTCATCATTAGTGCTAATGCACTCACAGCCTCTGGATGGACTCAGGCTCAT
GCAACTTTCTACGGAGGCAGTGATGCTTCTGGAACAATGGGGGGTGCTTGTGGGT
ATGGAAACTTGTACTCGGCTGGGTATGGTACAAGAACTGCAGCGCTGAGTACAGC
ACTGTTCAACAACGGAGGTTTCGTGTGGTCAATGCTTCAAGATAATGTGTGATTAC
AATTCTGACCCTCAGTGGTGTAAAGAAAGGTGTGTCTGTCACCGTCACCGCCACTA
ACTTCTGCCCTCCGAACTTTGACCTTCTAGCGACAACGGCGGGTGGTGCAACCC
TCCACGTCAGCATTTCGACATGGCTCAGCCCGCCTGGGAAAAAATCGGCATTTAC
AGAGGCGGCATTGTCCCGTCATCTACCAAAGGGTTCCTTGCAAGAAACATGGTG
GAGTTAGATTTACGATAAGTGGGAGGGATTACTTTGAGTTAGTCTTGATAACAAA
CGTTGGAAATGCTGGATCCATAACAATCCGTACAAATCAAGGGCCCGAAAACAGG
GTGGATGCCTATGTCAAGAAATTGGGGTGCTAATTGGCAATCTAATTCTTTTCTTA
ATGGCCAATCAATTCGTTTCATGGTGACCACAACCTGATGGTATAGTTAAAACATT
TTTAAATGTTGTCCCTTCTAATTGGGCTTTTGGTCAGACATTTTCGAGCCCGGCC
AATTTTGA

Nucleotide

>MgEXPA-20

GCAATAAAATCGATCATAACATACTACCTTTTTCTCTGTCTTCTCCAATAAGAA
AAAGAAAGAATAATATGTCTAAAAGTGGAGTTTTGTTATTACAATTAGTGATAAT
CACAATTGGATTAAGTTATTTTCATCATTAGTGCTAATGCACTCACAGCCTCTGGAT
GGACTCAGGCTCATGCAACTTTCTACGGAGGCAGTGATGCTTCTGGAACAATGGG
TAAGTTAAATTTACATATTTATCTATTTATTTATTTTGGATTATTTGAAAAATAAA
AATAATAGTACTTTTTAATTGGATATATAATAAATTAGGGGGTGCTTGTGGGTAT
GGAAACTTGTACTCGGCTGGGTATGGTACAAGAACTGCAGCGCTGAGTACAGCA

CTGTTCAACAACGGAGGTTTCGTGTGGTCAATGCTTCAAGATAATGTGTGATTACA
ATTCTGACCCTCAGTGGTGTAAAGAAAGGTGTGTCTGTCACCGTCACCGCCACTAA
CTTCTGCCCTCCGAACCTTTGACCTTCCTAGCGACAACGGCGGGTGGTGAACCCT
CCACGTCAGCATTTCGACATGGCTCAGCCCGCCTGGGAAAAAATCGGCATTTACA
GAGGCGGCATTGTCCCCGTCATCTACCAAAGGTATGTACTCTTTATTACTCACTCT
TGCTATAAATCTAGGATTTATTGCATTTACCACCCATATATTTATTTAATTGTCA
ACTAACTCCATGTGTAATAAATATTAACCAAATCTACCCTATGGTTCAAATGTTGT
TAGCAAAACTATTCCTTAGACGCTCTATTTACTTGGGAGTTATGTGCCAAGAAAA
AGCATCATTTGAAGTTTTTTTGCTAATATTTATTACACGAGGAGTTTTTAGCAATC
AATATAACATGCTTGTAAAAAATGCAATGAACTCTCTAAATCTAATAAAAAAAAAA
TGATTTGTTGAGAATTATGATAAGAATTGATAGACACTTCCTCATTCTTTTTAAGG
GTCATTTTTAGCTTACCTAAATATTAATGGTTTTAATAAATATGACATTTTTTTA
GGAAAAATACAGAAAATAGACTAAAATAACCAAACCCTATAGTTTAAACAATGTA
GTAAGAGAATTTTAACTCTTAATAGAATTGAATTGATAAGAGTAAACGAGGAAA
AAAATGAATTTAATAAATTATTAATAATTTTAAAGTCATAGATAATATCGAGCAAA
AATATTTTTATAAACTGATGGTTATTTATTGCAGGGTTCCTTGCAAGAACATGGT
GGAGTTAGATTTACGATAAGTGGGAGGGATTACTTTGAGTTAGTCTTGATAACAA
ACGTTGGAAATGCTGGATCCATACAATCCGTACAAATCAAGGGCCCGAAAACAG
GGTGGATGCCTATGTCAAGAAATTGGGGTGCTAATTGGCAATCTAATTCTTTTCTT
AATGGCCAATCAATTCGTTTCATGGTGACCACAACCTGATGGTATAGTTAAAACAT
TTTTAAATGTTGTCCCTTCTAATTGGGCTTTTGGTCAGACATTTTCGAGCCCGGCC
CAATTTTGAGATTTATATGGATGGGCCTTGCTATCTTCAAGGCCGTGGCGAGCTA
ACTATTTTACTCAAAGCAGCCCGCCCCAAATATATTTCTGGGCCAATCGAAGAAGA
GAATCGGTTCGGAGACTTGGAGACGGGATTTGTTTCGATCTTCATTGTATTGAGAGT
CGAAAGACATGCGCATAATAAGAGGCACGATAATGTGCATCTTTGGATTGCTTAT
TATTTTCCAATGTTTTTTTTGGTTACGTACGACGATTGTAATTATGGTATCATACTAT
ATAAGCAAAAAAAAAAGACAGATTTTTAGTTTTCTATTTAGGTTCCGTTTGGATGAG
CTTATTTTAAACAACCGATAAGCTCTTACTCCGATAAGATGTTTTAAGAGTTGATA
AACTGTTGCATATTA