

IDENTIFICATION

Species: *Capsella rubella*

Locus: Carub.0007s3663

Gene Model: Carub.0007s3663.1.p

Description: CrEXPA-22

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

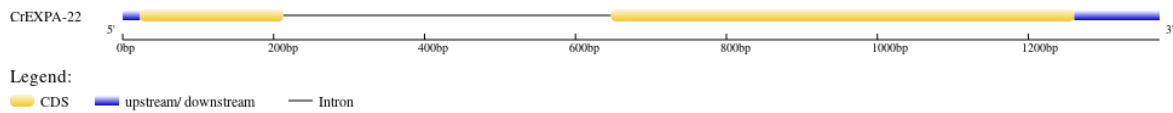
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Crubella_v1_1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T02984>

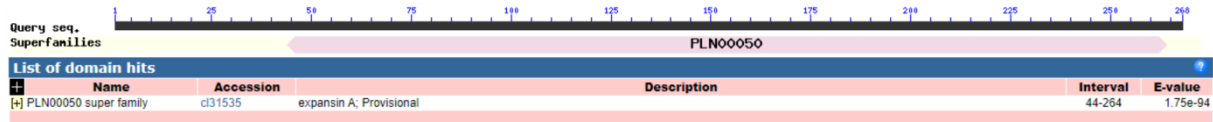
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CrEXPA-22

MKHSEKMIYVQVLIMIMAMWFPMSYGQEAEPDVKNPTNSIDTAWYDARATFYG
DIHGGDTQQGACGYGDLFKQGYGLATAALSTALFNDGYTCGACFEIMCANNPQWC
LPGSIKITATNFCPANYSKTQDIWCNPPQKHFDLSLAMFLKIAQYKAGVVPVRYRRIP
CVKTGGVKFETTGNPYFLMILPYNVGGAGDIKYVQIKGNNTGWITMSKNWGQHWT
TNVVLVGQGLSFRVTTSDGITKEFWNVVPKNWGFGQTFDGRINF*

CDS (coding sequence)

>CrEXPA-22

ATGAAACACTCAGAAAAAATGATCTATGTTCAAGTGTTGATAATGATAATGGCGA
TGTGGTTCGTTCCCATGAGTTATGGTCAAGAAGCCGAAGCACCCGATGTTAAGAA
TCCAACCAATTCAATCGACTGCTTGGTACGACGCACGAGCCACATTTTACGGT
GACATCCATGGTGGAGACTCAACAGGGAGCTTGTGGATACGGTGACCTATTCA
AACAAGGCTATGGTCTAGCTACAGCAGCGTTAAGCACGGCACTCTTCAACGACGG
GTACACATGCGGTGCGTGTTTTGAGATCATGTGCGCGAATAATCCACAATGGTGT
TTGCCCGGATCCATCAAGATCACCGCTACAACTTCTGTCCAGCAAATTACAGCA
AAACCAAGACATTTGGTGCAACCACCACAGAAACTTCGATCTCTCCCTAGC
CATGTTCTCAAGATCGCTCAGTACAAAGCCGGGTTGTCCAGTTAGATACAGA
CGTATTCCTTGTGTGAAAACAGGTGGTGTCAAGTTCGAAACTACAGGAAATCCAT
ACTTCTTGATGATCTTGCCATACAATGTAGGAGGAGCTGGAGATATTAAGTATGT
GCAAATTAAGGGAAACAATACAGGGTGGATAACAATGTCAAAGAACTGGGGACA
ACATTGGACCACTAATGTTGTATTGGTTCGGCCAAGGTTTATCGTTCAGGGTTACG
ACAAGTGACGGGATTACAAAAGAATTTTGGAAATGTGGTGCCAAAGAACTGGGGT
TTTGGGCAGACGTTTGATGGAAGGATTAACCTTTTAA

Nucleotide

>CrEXPA-22

CTTAATTAGTAATAACAATAATCATGAAACACTCAGAAAAAATGATCTATGTTCA
AGTGTGATAATGATAATGGCGATGTGGTTCGTTCCCATGAGTTATGGTCAAGAA
GCCGAAGCACCCGATGTTAAGAATCCAACCAATTCAATCGACTGCTTGGTACG
ACGCACGAGCCACATTTTACGGTGACATCCATGGTGGAGACTCAACGTAAGTT
AAAATATTAAGTGTTTTTTTATATCTAGTTACTATTTTTTTGTTATAACTATATATA

GTTCTTGGTTACAAGTTACAACGACTATTATTATTGAATTGAATGTGTTACATGCT
TATTTACATTTACGTATATCGTTTTTACAATGCAAATTGCCAACTATGATCCTTCTC
TTTTGTTTACATAAATATATAATTTAAATGAAATATATAAATTTAGTACATAAATA
TATTACTATAATTGAAATGCCAAAAATATTACTATATATGATAAGTTGATAACAT
AACATTTTTTACTCAAAAAAACTGAAGGTAATATGTAAACCAACAAATAACAAAT
AGTCAAAGTTTAGTTACATTTGAATTTTTGTTTTTAATTTTTTTAGAAATTATTATT
ACATATATACTCACTTTTTTACATTTAATGTATAGAGGGAGCTTGTGGATACGGTG
ACCTATTCAAACAAGGCTATGGTCTAGCTACAGCAGCGTTAAGCACGGCACTCTT
CAACGACGGGTACACATGCGGTGCGTGTTTTGAGATCATGTGCGCGAATAATCCA
CAATGGTGTTTGCCCGGATCCATCAAGATCACCGCTACAACTTCTGTCCAGCAA
ATTACAGCAAACCCAAGACATTTGGTGCAACCCACCACAGAAACACTTCGATCT
CTCCCTAGCCATGTTCCCTCAAGATCGCTCAGTACAAAGCCGGGGTTGTCCAGTT
AGATACAGACGTATTCCTTGTGTGAAAACAGGTGGTGTCAAGTTCGAAACTACAG
GAAATCCATACTTCTTGATGATCTTGCCATACAATGTAGGAGGAGCTGGAGATAT
TAAGTATGTGCAAATTAAGGGAAACAATACAGGGTGGATAACAATGTCAAAGAA
CTGGGGACAACATTGGACCACTAATGTTGTATTGGTTCGGCCAAGGTTTATCGTTC
AGGGTTACGACAAGTGACGGGATTACAAAAGAATTTTGAATGTGGTGCCAAAG
AACTGGGGTTTTTGGGCAGACGTTTGTGGAAGGATTAATTTTAAGAGAAGGATT
TGAGTTTCGTTAGCGGTGGCCGTACCATCCGATATCTGTATTAGGAGGATATTGTT
TACGTTACTTAATTTTTCTTAATAAAACCACATTTCTAAATGATAAT