

IDENTIFICATION

Species: *Trifolium pratense*

Locus: Tp57577_TGAC_v2_mRNA40485

Gene Model: Tp57577_TGAC_v2_mRNA40485

Description: TprEXPB-03

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

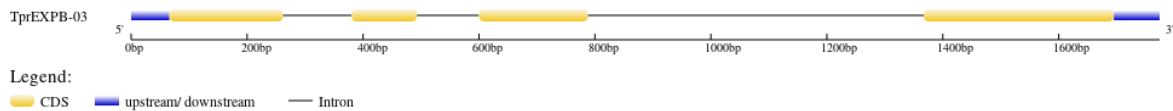
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Tpratense_v2

KEGG:-

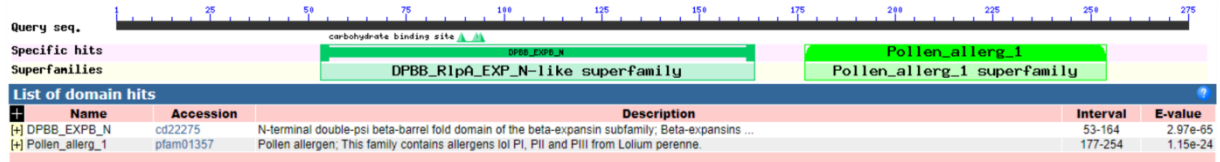
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>TprEXPB-03

MALTYGHAFSHILIFVSLSIFLVIPSSCLNPRKFLNVTSYSPDSPYQSSSYATFYGPPDG
DGSEGGACGYGKAVGQPPFNSMISAGGPAIFKGGKGCACGYQVRCVGNQACSGNPV
TIVITDECPGCNYNFDMMSGRAFGSMAISGRGDQLRNAGKVLVQYKVVSLVACNYPG
VSITFRVDLGTNPYYFATLIEYEDGDGDLKTVEIKEANSATWESMQESVGAVWKLNK
GAPMRAPFSIRLTTIESGKVFVANNVIPVGYKPGDTYRANGNFN*

CDS (coding sequence)

>TprEXPB-03

ATGGCTCTTACATATGGACATGCATTCTCTCATATACTCATCTTTGTATCACTCTC
GATATTCCTAGTGATCCCTTCCTCTTGTCTTAATCCTAGGAAGTTTCTTAATGTCA
CTTCATACTCCCATCTGATTCACCTTATCAATCATCTTCATATGCCACTTTTTATG
GACCTCCCGATGGTGTGGAAGTGAAGGTGGTGTCTTGTGGATATGGAAAGGCTGT
TGGCAACCACCGTTTAATTCAATGATATCGGCCGGAGGCCCTGCCATTTTCAAG
GGAGGCAAGGGTTGTGGTGTCTTGTATCAGGTGAGATGTGTAGGAAATCAAGCAT
GCTCAGGCAATCCTGTTACAATAGTTATCACTGACGAGTGCCCTGGTTGTAATTA
CAATTTTGATATGAGTGGCAGAGCTTTTGGTTCCATGGCAATTTTCAGGGCGTGGT
GACCAGCTACGCAACGCCGGGAAAGTTCTGGTTCAGTATAAGGTAGTCTCTCTAG
TTGCATGCAACTACCCTGGTGTGTCAATAACTTTTCGTGTGGACCTTGAACAAT
CCATATTATTTGCTACCTTAATTGAATATGAGGATGGGGATGGTGTATCTCAAAA
CAGTTGAAATCAAAGAAGCAAACCTCAGCAACTTGGGAAAGCATGCAAGAATCAG
TTGGTGTCTGTTTGGAAATTAATAAAGGAGCACC AATGAGAGCACCATTTTCTAT
TAGGTTAACAACAATTGAGTCTGGAAAAGTATTTGTTGCCAATAATGTGATCCCT
GTAGGTTATAAGCCTGGTGATACTTATAGGGCAAATGGAAATTTTAATTA

Nucleotide

>TprEXPB-03

CCCCTCTATAAATACCATACTAGCCATAGCCTAATAGCATCATAGTCTCAGTGGTT
TTGTGAGAATATGGCTCTTACATATGGACATGCATTCTCTCATATACTCATCTTTG
TACTACTCTCGATATTCCTAGTGATCCCTTCCTCTTGTCTTAATCCTAGGAAGTTTC
TTAATGTCACCTCATACTCCCATCTGATTCACCTTATCAATCATCTTCATATGCC

ACTTTTTATGGACCTCCCGATGGTGATGGAAGTGAAGGTATATAATATAATTTTTT
GTCACCTCATTTTTTCTAAGAATAGATTCAAAATTTTGTAAACCAAATTATTATTTA
AATTTATAATTTAAATTCCTATATATTTTATAATTTTATGTAGGTGGTGCTTGTGG
ATATGGAAAGGCTGTTGGGCAACCACCGTTTAATTCAATGATATCGGCCGGAGGC
CCTGCCATTTTCAAGGGAGGCAAGGGTGTGGTGCTTGTATCAGGTCTATTAATT
ATTTGATAAAGTGTTAAAATTTTAATAAATAATACATATTATTA AAAAAGAAAACG
GACAATAAACTCGGTTCGCTATTCATTTTGTTTTCATTTTCAGGTGAGATGTGTAGGA
AATCAAGCATGCTCAGGCAATCCTGTTACAATAGTTATCACTGACGAGTGCCCTG
GTTGTAATTACAATTTTGATATGAGTGGCAGAGCTTTTGGTTCCATGGCAATTTCA
GGGCGTGGTGACCAGCTACGCAACGCCGGGAAAGTTCTGGTTCAGTATAAGGTA
GTCTCTCTGTTTCATTCTATGAGTTGACTTTTTAGAAAGTTTATTATTATTATTATTA
TTATTATTATTATTATTATTATTATTATTATTATTATN N N N N N N N N N N N N N N N
N
ATTATTTTTTAAATAGAAAATATGATAAGTGAAAAATCAAATAGTCAAATGCATA
GTAAAATATGCAAACAACCTCACCAAATACAATAAAATTTATTATTTAATAAAAA
AAGTCAAATATTTTTTTCATTAATATGTCAATTTCAATTGTTTACTAAAGATATG
TTACTTTTCGTTTACATTTAATTTCAACATTGTTTACTAAAATTATTATTATTATT
ATTATTATTATTATTATTATTTTTGACAAAAAATTTAAACATTTTTTAAAAAATAT
TTAATTATAAAAATAATACTGTAATAATTTTTGCAGTATTGACATTTTATAATATT
ATAACTAAAATATTATTATTATTATTACTATTATTTTGTAACATAACAATC
AACTATAATTATAATTATTTTGTTCAGAGTTGCATGCAACTACCCTGGTGTGTCA
ATAACTTTTCGTGTGGACCTTGAACAAATCCATATTATTTTGCTACCTTAATTGA
ATATGAGGATGGGGATGGTGATCTCAAACAGTTGAAATCAAAGAAGCAAACCTC
AGCAACTTGGGAAAGCATGCAAGAATCAGTTGGTGCTGTTTGGAAATTAATAA
AGGAGACCAATGAGAGCACCATTTTCTATTAGGTTAACAACAATTGAGTCTGGA
AAAGTATTTGTTGCCAATAATGTGATCCCTGTAGGTTATAAGCCTGGTGATACTTA
TAGGGCAAATGGAAATTTTAATTAATTAGCTAGAATTTCTATGAGTTTTGACTAC
GCAATAGTGGATTTTGTATTGTCTATTGTAATCAATTGAGAAGGAAATT