

IDENTIFICATION

Species: *Medicago truncatula*

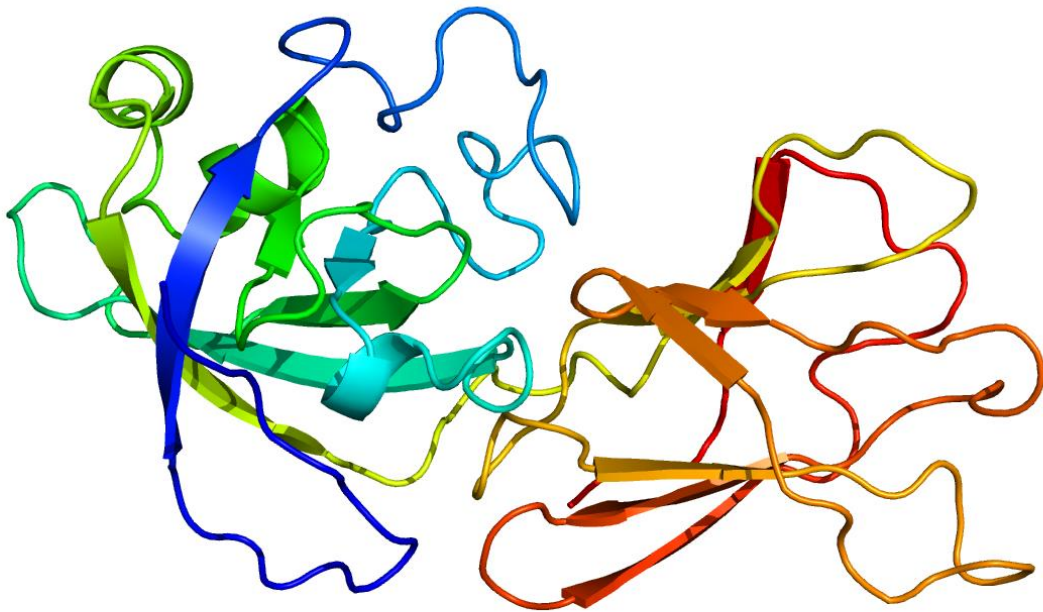
Locus: Medtr0809s0010

Gene Model: Medtr0809s0010.1

Description: MtrEXPB-07

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mtruncatula_Mt4_0v1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T01716>

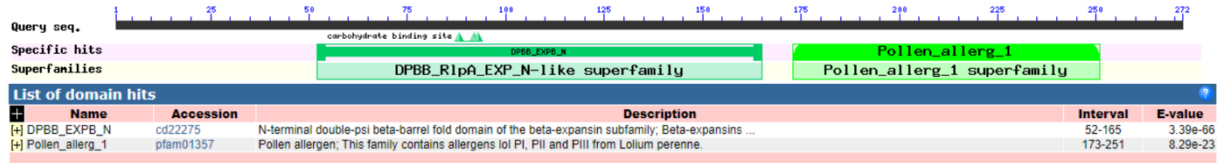
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>MtrEXPB-07

MALTLAHTFFRILLFVGSLSIFLVTTPSSCLKPRKLLNATSYFSFEDFSSSEATFYGSPDG
DGSEGGACGYGTAVGMPPFNSSISAGAPAIYQSGNGCGTCYQVKCTGNPACSGNPVT
VVITDECPACDHDHFDLSGRAFGSMARPGQADNLRKVGRIPVQYTRVPCNYPGVSITF
RVDPGSNPDYFATLIEYEDGDGDLKVELKEGLNSSTYESMQRSGAVWKLNKGAQ
LIAPFSLRLTQIESGKVF EAKNVIPVGYKPGQTFRAVGNFI*

CDS (coding sequence)

>MtrEXPB-07

ATGGCTCTTACTTTGGCACACACATTCTTTCGTATACTCTTATTTGTAGGTTCACTC
TCAATATTCCTAGTGACCCCTCCTCTTGTCTTAAACCTAGGAAGCTTCTTAATGC
CACTTCATACTTCTCTTTTGAAGATTTCTCATCTTCAGAGGCTACTTTCTATGGATC
TCCTGACGGTGATGGAAGTGAAGGTGGTGTCTTGTGGATATGGAAGTCTGTTGGG
ATGCCTCCATTCAACTCATCAATATCAGCCGGAGCCCCTGCTATCTATCAATCGG
GCAATGGATGTGGTACATGTTATCAGGTGAAGTGACACAGGAAATCCTGCTTGCTC
AGGCAACCCTGTTACTGTAGTTATTACCGATGAGTGTCTGCTTGCGATCATGATT
TTGATCTGAGTGGTAGAGCTTTTGGTTCATGGCACGTCCAGGTCAAGCTGACAA
CCTACGCAAAGTTGGGAGAATTCCCGTTCAATATACACGAGTTCATGCAACTAC
CCTGGAGTATCAATAACATTCCGTGTGGATCCCGGATCCAACCCAGATTATTTG
CTACCTTAATTGAATATGAGGATGGGGATGGTGTCTCAAATCAGTTGAACTTAA
AGAAGGACTTAACTCATCAACTTATGAAAGCATGCAACGATCATTTGGTGTCTGTT
TGGAATTAATAAAGGGGCACAATTGATAGCACCATTTTCTCTAAGGCTAACAC
AAATTGAGTCTGGCAAGGTATTTGAAGCAAAGAATGTGATCCCAGTAGGTTATAA
GCCTGGTCAAACCTTTAGAGCAGTAGGGAATTTTATTAA

Nucleotide

>MtrEXPB-07

ATGGCTCTTACTTTGGCACACACATTCTTTCGTATACTCTTATTTGTAGGTTCACTC
TCAATATTCCTAGTGACCCCTCCTCTTGTCTTAAACCTAGGAAGCTTCTTAATGC
CACTTCATACTTCTCTTTTGAAGATTTCTCATCTTCAGAGGCTACTTTCTATGGATC
TCCTGACGGTGATGGAAGTGAAGGTATATATATATATATTACAAATATTTGTGCG

ATATAGTTTTTCCTTGATTAAGATTCAATTAGTGTAATCAAATTATTTTTGAAATT
GTTTTAAGGGTAAATACCTCTTTTCGACCCGGTAATATTTGCGAATTTTCGATTTTA
GTCCCTGTAAAAAAAAGATTTAGATTATGTCCCTGTAATTTTCAGATTCTTCCACTT
TTGGTCCCTCCTTTTCATCACGTCAGCAGAATCTACATAAATTACGTCCCTATAATT
TCAGATTCCCTCCCACTTTTGGTCCTTGTAATTTTCAGATTACTCCACTTTTGGTCCCT
CATTTTACGTGCCATGTATGCAGATTCTGCTGATGTGGTGATGTGAGGGACCAA
AGTGGAAGAATCTGAAATTACAAGGACATAATCTAATTTTTTTTATAGGGACTAA
AACCGGAATTCGTTAATATTACAGGGACGAAAAGAGGGATTTACCCTCGTTTTAA
TGGCTATATAGGGTTAATAGTGCTTTTCACTCCTGTAATATATGTCATTTCTAGTT
TTTCCCCTTATAAAATTTTCGATTTGATTTGCACCCTTGTAAAAAAATTATTTTCCG
AAAAACACCCTTAATATGCCATTCAAAAACCAAATTTCTTGAAAAAAATCTGA
AAATGGCCTAATAGGGGTGTTTTCCAGAATATTTTTTTTTTACGAGGGTGAAAAT
CAAACCCAAAATTTTATAGGAACGAAAACCGAAAATGACATATATTACAGGAAT
GAAAAACACTTTGCTCAAAATAAGGAATGAAAAACACTATTAATCCAAAATAAT
TATGTAGGTGGTGCTTGTGGATATGGAAGTCTGTTGGGATGCCTCCATTCAACTC
ATCAATATCAGCCGGAGCCCCTGCTATCTATCAATCGGGCAATGGATGTGGTACA
TGTTATCAGGTCTAACAATTAATACAATTGGCCTAAAAAACATTAATGTGGT
GAATTTTTATGAACAATATTGTATAATATTAGTATTTTACTTATTGCAAAGTTGAT
ACATATTTTTATTAATAATACCAATATTGAGTACATTGTGTTGTGTTTTTCAGGTG
AAGTGCACAGGAAATCCTGCTTGCTCAGGCAACCCTGTTACTGTAGTTATTACCG
ATGAGTGTCCCTGCTTGCATCATGATTTTGATCTGAGTGGTAGAGCTTTTGGTTC
ATGGCACGTCCAGGTCAAGCTGACAACCTACGCAAAGTTGGGAGAATTCCCGTTC
AATATACACGGTACACTCTCTTCGTTTTCTGTTAAGTGTTGACGGTTTTAAAAAA
AATTAGTTAATATTACGATTATTATAATTATTTTTTTCTTTTATTATTATTATATTG
AATAGTCAAACGCATCATAACAAATACAAAAAATAAATAGAATAAAAT
TCATTTATTTTTTTAGGCTTAATAACAGTTTTTCGCACCCTAACTTTTACGAATTTAC
GATTTTAGTTCTCTAAGAAAAAAACTACAAAACCTGCCCCCTAAATTTTACAAC
GTAGCAGTTTTGGCTCCCAAGACCAATTTTTGGTAAAAACAAAAA
AAACGTGGCATCTCATTAGGGTGTACAGTCAAAGTAGACTGAGTCAAATTTGGC
TTTGGGGCCAAAACCTGTCACATATGCAAACTTAAAGGGCAGTTTTTTAGTTTTT
TCTTAGGGTCAAATCGCAACTTTGAGAAAGTTAGGGAACCTAAAACCTGCTATTAA
TCCTATTTTTTATTGCTAAAAAATACAAACAATTTCAACTATTTTTTCTCAAATA
TATAAATGTCAATTTCTCCAACATCATATACTTTTTTTCTGCAGAGTTCCATGCA
ACTACCCTGGAGTATCAATAACATTCCGTGTGGATCCCGGATCCAACCCAGATTA
TTTTGCTACCTTAATTGAATATGAGGATGGGGATGGTGATCTCAAATCAGTTGAA
CTTAAAGAAGGACTTAACTCATCAACTTATGAAAGCATGCAACGATCATTGGTG
CTGTTTGGAAATTAATAAAGGGGCACAATTGATAGCACCATTTTCTCTAAGGCT
AACACAAATTGAGTCTGGCAAGGTATTTGAAGCAAAGAATGTGATCCCAGTAGG
TTATAAGCCTGGTCAAACCTTTAGAGCAGTAGGGAATTTTATTTAA