

IDENTIFICATION

Species: *Cicer arietinum*

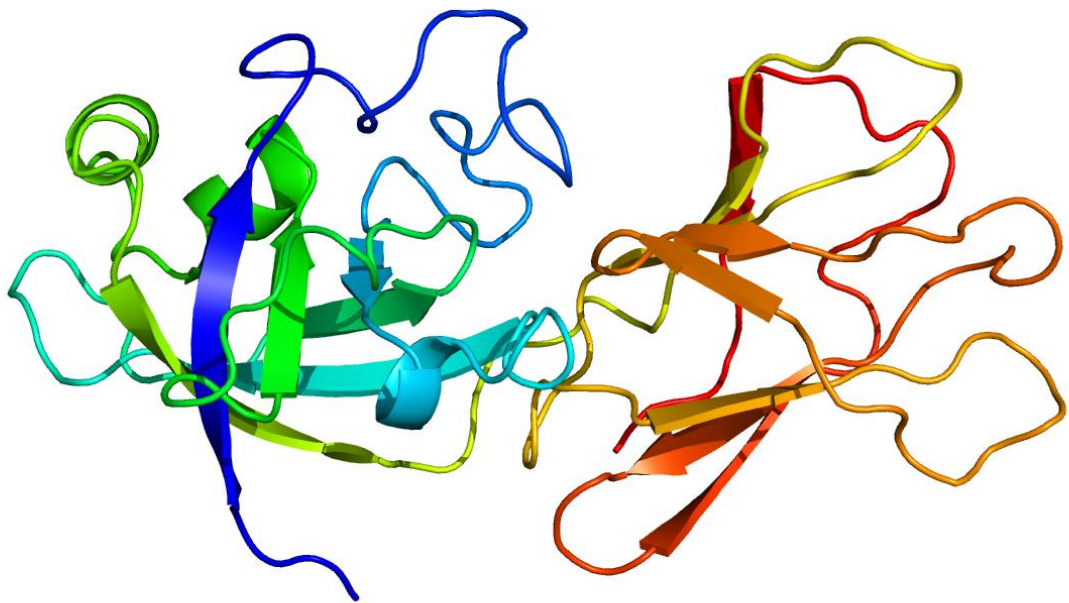
Locus: Ca_25511

Gene Model: Ca_25511

Description: CarEXPB-05

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum_v1_0

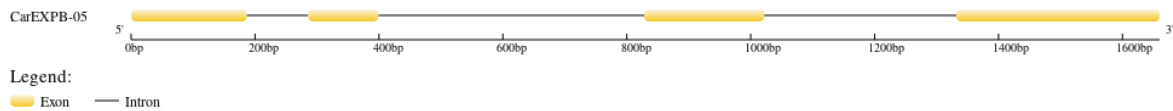
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02819>

EXTERNAL RESOURCES

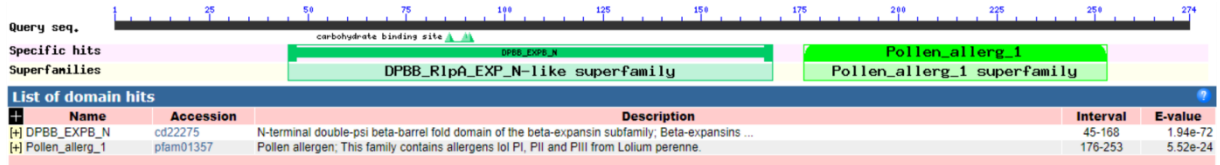
https://www.pulsedb.org/bio_data/80

<http://www.cicer.info/databases.php>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CarEXPB-05

MAHTLKCAFSHILILVGSLSILLVTPSSCFSLKKVNVNVTSSNYNWSPSVATWYGLPTG
DGSEGGACGYGNAVVGQPPLSSMISAGSPLIYQSGKGCSCYEVTICIGNHACSGNPVT
VTITDECPGTCGSDSPYHFDLSGRAFGAMAI SGQDGNLRKVGKIVVQHRRVPCNYNG
VSIAFHVDSKSNPYFATAVEYENGDGLKKVELMEAFGNTWVTMQQSYGAVWKY
NKQSLLRAPFSIRLTTIESGKIFVAKNVIPAGWKPGQTYRALGNFS*

CDS (coding sequence)

>CarEXPB-05

ATGGCTCATACTTAAATGTGCATTCTCTCATATACTCATCCTTGTAGGTTCACT
CTCGATATTACTAGTGACCCCTTCCTCTTGTTTTAGTCTCAAAAAGGTTGTTAATG
TACTTTCATCTAATTATAATTGGTCACCTTCAGTGGCCACTTGGTATGGACTTCCC
ACCGGAGATGGAAGTGAAGGTGGTGCTTGTGGATATGGAAATGCTGTTGGACAA
CCTCCATTATCTTCAATGATATCAGCCGGAAGCCCTCTCATCTATCAATCGGGCAA
AGGCTGTGGTTCTTGTTATGAGGTGACGTGCATTGGAAATCATGCATGTTTCAGGA
AATCCTGTGACGGTTACTATTACCGATGAGTGCCTTGGTACTTGTGGATCAGATTC
TCCATATCATTTTGATTTGAGTGGTAGAGCTTTTGGTGCCATGGCAATTTTCAGGTC
AAGATGGAAATCTTCGCAAGGTTGGAAAAATAGTCGTTCAACATAGAAGAGTTC
CATGCAATTACAATGGTGTCTCAATAGCCTTCCACGTCGACTCTAAATCTAACCC
ATATTATTTTGCTACCGCGGTTGAATATGAAAATGGGGATGGTGTATCTTAAAAAA
GTTGAACTTATGGAAGCATTGGCAACACTTGGGTTACAATGCAACAATCATAACG
GTGCTGTTTGGAAATATAATAAACAGTCACTACTAAGAGCGCCATTTTCTATTAG
GCTAACCACAATTGAGTCTGGGAAGATATTTGTAGCAAAGAATGTGATCCCGGCG
GGTTGGAAGCCTGGTCAGACTTATAGAGCACTTGGAAATTTTAGTTAA

Nucleotide

>CarEXPB-05

ATGGCTCATACTTAAATGTGCATTCTCTCATATACTCATCCTTGTAGGTTCACT
CTCGATATTACTAGTGACCCCTTCCTCTTGTTTTAGTCTCAAAAAGGTTGTTAATG
TACTTTCATCTAATTATAATTGGTCACCTTCAGTGGCCACTTGGTATGGACTTCCC

ACCGGAGATGGAAGTGAAGGTATAAATTCCATTGTTGTGAAGATACAAAATATA
ACCAAAAAGTGGTAAAAATATTATGGAAAAAATTC AATGACTATATATTTGATG
ATTATGTAGGTGGTGTCTTGTGGATATGGAAATGCTGTTGGACAACCTCCATTATCT
TCAATGATATCAGCCGGAAGCCCTCTCATCTATCAATCGGGCAAAGGCTGTGGTT
CTTGTTATGAGGTGCTAATAATTAATACAATTACTGCCTCAAATAACAATTATA
ATAAAATTGTTATTACTAAAATAAAGTAAAAATAATAACAACCAAAATTCAAGAT
ACAAAATAAATTCCAATTTTAACATGTAAATTA AAAATTTTATCAACATAATTTTT
TTTTACTACGTTTTATCAACATAATTTAGAAATTGTTTATTTCTATACGTAACATT
TTTATTAATAGTGTCACTTCAATAATAAAAGATTCTTATTGTCATAATATATTATA
ACTTTAAATATGTTATTACTAAATTGTTTAATAATCTTTAATTAATAAATTTATT
TTTCTCAATTTTTATAAATTA AAAAAAAAAAAGTAATTCCTCAATAGCAGGAGTTCC
AAAAGAAGATGCTAATTATTGAAAATTTGTTTTACTATCATTT CAGGTGACGT
GCATTGGAAATCATGCATGTT CAGGAAATCCTGTGACGGTTACTATTACCGATGA
GTGCCCTGGTACTTGTGGATCAGATTCTCCATATCATTTTGATTTGAGTGGTAGAG
CTTTTGGTGCCATGGCAATTT CAGGTCAAGATGGAAATCTTCGCAAGGTTGGAAA
AATAGTCGTTCAACATAGAAGGTATTATCTCTTTTTCTCTTTAACTTTTTTTTAGG
GTTTTATTTATGTGTCATTTTAAATGTTCTAAGGTTATATTGACCATTACTTTTTTT
GTTAATATATAAAATGTTTTTAATTATTA AAAAAAATCTAAAATAATCAACGGGGT
CATAAAAAAATTAGACAATTTTATGTTTATGTTTTTATTTTTATCTTTTTAAATGTA
AACAACCTTAATTAATTGAGTAAAAATATAAAATAATTTACTTTCAACATTTAAG
TATTTTGTTTACAATATTGCAATTATATGAACTATTGATTCTTTAATGCAGAGTTC
CATGCAATTACAATGGTGTCTCAATAGCCTTCCACGTCGACTCTAAATCTAACCC
ATATTATTTTGCTACCGCGGTTGAATATGAAAATGGGGATGGTGATCTTAAAAAA
GTTGAACTTATGGAAGCATTG GCAACACTTGGGTTACAATGCAACAATCATACG
GTGCTGTTTGGAAATATAATAAACAGTCACTACTAAGAGCGCCATTTTCTATTAG
GCTAACCACAATTGAGTCTGGGAAGATATTTGTAGCAAAGAATGTGATCCCGGCG
GGTTGGAAGCCTGGTCAGACTTATAGAGCACTTGGAAATTTTAGTTAA