

## IDENTIFICATION

**Species:** *Cicer arietinum*

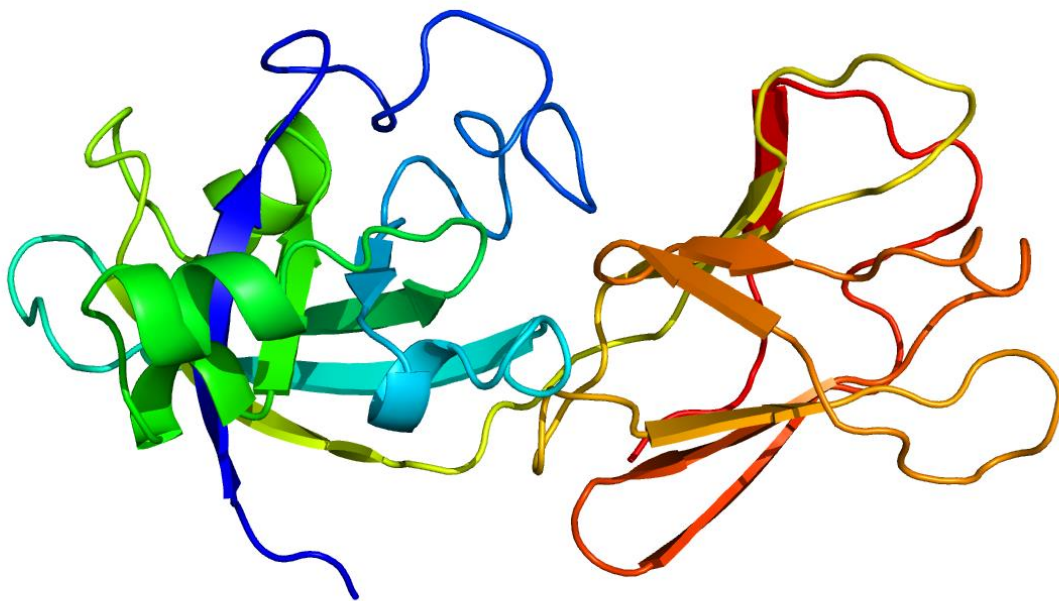
**Locus:** Ca\_25295

**Gene Model:** Ca\_25295

**Description:** CarEXPA-20

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum\\_v1\\_0](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum_v1_0)

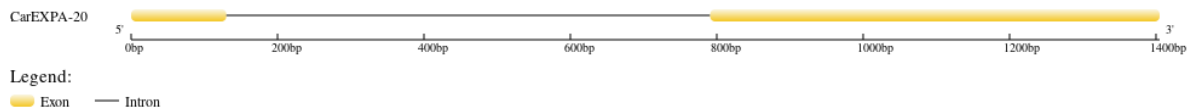
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02819>

## EXTERNAL RESOURCES

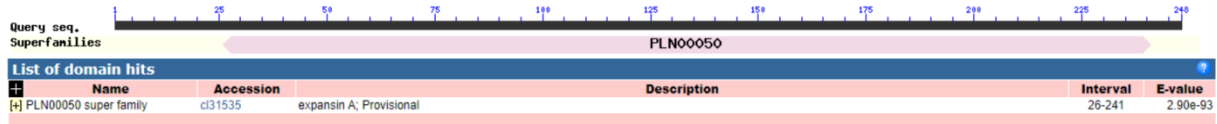
[https://www.pulsedb.org/bio\\_data/80](https://www.pulsedb.org/bio_data/80)

<http://www.cicer.info/databases.php>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>CarEXPA-20

MAMSLPLALFTLFFVQPLAAIDPNWYDASATFYGDMNGGETMQGACGYGDLFQQ  
GYGLETTALSTALFNGLSCGACFEIRC VNDPQWCIKEVNSITVTATNLCPPNYIDGS  
WCNPPHQHFDLSMKMF T TIAIYQAGIIPVQYRRVPCNKIGGVRFELRGNPYFLMVLV  
YNVGNAGDVYRLDVKGSNTGWIEMTHNWGQFWHTGVNLVGQELSFWINTSDGKA  
LMFISVAPSNWQFGQTYQSSLNF\*

### CDS (coding sequence)

>CarEXPA-20

ATGGCTATGTCTTTGCTTCCTTTAGCCTTGTTACATTGTTCTTCGTGCAGCCTTTG  
GCAGCAATTGACCCAAATTGGTATGATGCAAGTGCAACTTTCTACGGTGACATGA  
ACGGTGGTGAAACCATGCAGGGAGCATGTGGTTATGGAGATCTATTCCAGCAAG  
GATATGGGCTTGAAACAACAGCACTAAGCACAGCTCTATTCAATAATGGGTTATC  
ATGTGGAGCATGTTTTGAGATAAGGTGTGTGAATGATCCTCAATGGTGTATAAAA  
GAAGTAAACTCAATCACAGTGACAGCAACAAATTTATGTCCTCCCAATTACATAG  
ACGGAAGTTGGTGTAAACCCTCCACATCAACACTTTGATTTGAGTATGAAAATGTT  
CACA ACTATTGCAATTTACCAAGCTGGGATAATCCCAGTTCAATATCGACGTGTT  
CCATGTAACAAAATTGGGGGTGTTAGGTTTGAGCTAAGAGGTAACCCTTATTTTT  
TGATGGTTTTGGTGTACAATGTTGGTAACGCTGGTGATGTTTATCGTTTGGATGTT  
AAAGGATCTAACACTGGTTGGATTGAAATGACACATAATTGGGGACAATTTGGC  
ATACTGGTGTCAATTTGGTTGGTCAAGAATTGTCTTTTTGGATTAATACAAGTGAT  
GGAAAAGCTTTGATGTTTATTTCTGTTGCTCCTTCTAATTGGCAATTTGGACAGAC  
TTATCAGAGCTCCCTAAATTTTTAG

### Nucleotide

>CarEXPA-20

ATGGCTATGTCTTTGCTTCCTTTAGCCTTGTTACATTGTTCTTCGTGCAGCCTTTG  
GCAGCAATTGACCCAAATTGGTATGATGCAAGTGCAACTTTCTACGGTGACATGA  
ACGGTGGTGAAACCATGCGTAAGTATTCCATAAACTCTCCTTTTCTCCCTTTAATG  
AAA ACTATTGTCCATATATTAAGATTGAAAAATGATTTTATTTTCTGATATATATT  
TTAAAGTAGATTTGATGAAATTTGAATATATATATATATATATATGAAGAAAAT  
AAATGAATTTTCAAATAAATTCATAATATTGAGATTAATAATATAAAAATTTGTGA

TTGAAGTTGATCATTCAATCTGATTCAAACAAACATCTTACAAACAATCTTATATA  
TATATATATATATCTGATTTTCATCCAATTGTTAATATTAATCTAGTATATTTTGTG  
TTCTTGTTAATTTTTCTCTAAATATGTGAATTTTTTTATGTCAAGTAATTTTTTAT  
ACAAAATAATACACATACATTCATCATTTTTCTAAACTTATTTAATATATCAATT  
TGTTTTAATTTTTCTCTTCATGACACATTATCAATATATTACATCGATTACATAATT  
CATTTTATTCATCTCTTAATTTCTTAATGTGTATATACACTTGTATATGTGAACAT  
CAAACATTTTTCTTTTTTATAAGTTTCTTTTGCTATGAAAAATAAATGATTATATG  
ATGGAGAGAGTGTTGATTATTAGTAATGACTGAATTAAGGGATATGTGTATATAT  
ATGTAGAGGGAGCATGTGGTTATGGAGATCTATTCCAGCAAGGATATGGGCTTGA  
AACACAGCACTAAGCACAGCTCTATTCAATAATGGGTTATCATGTGGAGCATGT  
TTTGAGATAAGGTGTGTGAATGATCCTCAATGGTGTATAAAAGAAGTAAACTCAA  
TCACAGTGACAGCAACAAATTTATGTCCTCCAATTACATAGACGGAAGTTGGTG  
TAACCCTCCACATCAACACTTTGATTTGAGTATGAAAATGTTCACTACTATTGCA  
ATTTACCAAGCTGGGATAATCCCAGTTCAATATCGACGTGTTCCATGTAACAAAA  
TTGGGGGTGTTAGGTTTGAGCTAAGAGGTAACCCTTATTTTTTGATGGTTTTGGTG  
TACAATGTTGGTAACGCTGGTGATGTTTATCGTTTGGATGTTAAAGGATCTAACA  
CTGGTTGGATTGAAATGACACATAATTGGGGACAATTTGGCATACTGGTGTCAA  
TTTGGTTGGTCAAGAATTGTCTTTTTGGATTAATACAAGTGATGGAAAAGCTTTGA  
TGTTTATTTCTGTTGCTCCTTCTAATTGGCAATTTGGACAGACTTATCAGAGCTCC  
CTAAATTTTTAG