

IDENTIFICATION

Species: *Capsella rubella*

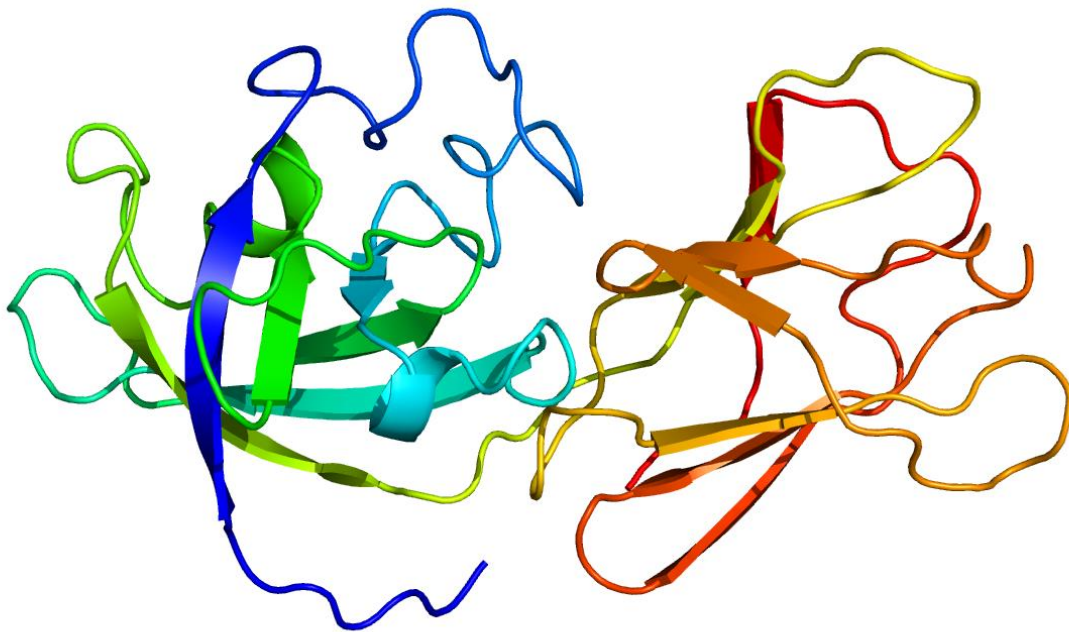
Locus: Carub.0005s0808

Gene Model: Carub.0005s0808.1.p

Description: CrEXLA-01

Family: Expansin Like Alpha

3D structure:



GENOME DATABASES

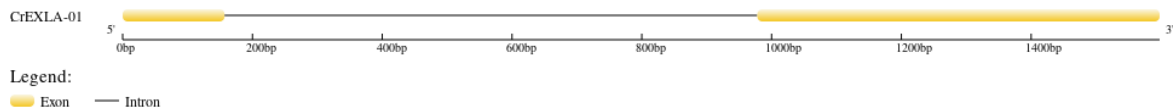
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Crubella_v1_1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T02984>

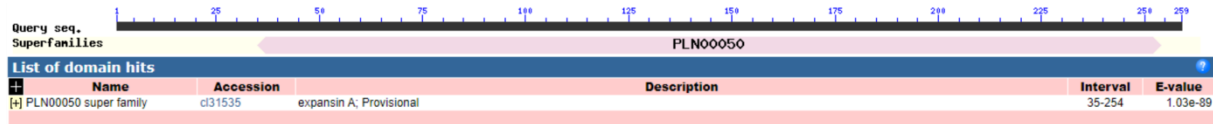
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CrEXLA-01

MNRTMSFVIVLVILVSVSNLVVAAHVGLTTTDPWSDDAHATFYGDINGGETMQGAC
GYGDLFKEGYGLETAALSTALFNNGKTCGACFELMCVNSQYCKPNAGTIRITATNFC
PPNYNEPVQYHWCNPPNKHFDLSMKMFLSFAEYRGGIVPVKFRVMCHKRGGVRFE
IKGNPYFIMVLVYNVGGAGDVTNVEIRGDKSNWIGMSRNWGWQIWNAGSDLVGQKL
SFVVRTSDGKSLTFFNVAPENWGFQTYEGTLNF*

CDS (coding sequence)

>CrEXLA-01

ATGAATCGAACAATGAGTTTTGTTATAGTACTTGTGATTCTTGTCTCGGTTTCAA
CCTTGTCGTGGCGGCTCATGTCGGTCTTACAACCTACCGACCCTTCTGGGACGACG
CACACGCTACGTTCTATGGCGACATTAACGGTGGAGAAACCATGCAAGGAGCAT
GTGGTTACGGCGACTTATTCAAAGAAGGTTACGGCTTAGAGACCGCAGCACTAAG
CACAGCACTATTCAACAACGGCAAGACTTGTGGTGCATGTTTCGAACTAATGTGT
GTGAACTCACAATATTGCAAACCTAACGCTGGTACAATCAGAATCACAGCTACTA
ACTTCTGCCACCAAACCTACAACGAACCTGTTTCAAGTACCATTGGTGCAACCCTCC
TAACAAACACTTCGACTTATCGATGAAAATGTTTCTTTCGTTCCCGAGTATAGA
GGAGGGATAGTTCCAGTGAAGTTCAGGAGAGTAATGTGTCATAAGAGAGGTGGT
GTGAGGTTTGAGATTAAGGGTAATCCTTATTTTATCATGGTTTTGGTGTATAACGT
TGGTGGTGCAGGAGATGTTACTAACGTTGAGATTAGAGGTGATAAGAGTAATTGG
ATTGGTATGAGTAGGAATTGGGGACAAATTTGGAATGCTGGTTTCGGATTTGGTTG
GACAAAAGCTCTCGTTTGTGTTAGGACAAGTGATGGTAAGAGCTTGACGTTCTT
TAATGTTGCACCAGAGAATTGGGGGTTTGGTCAAACCTTATGAAGGAACACTCAAT
TTTTAG

Nucleotide

>CrEXLA-01

ATGAATCGAACAATGAGTTTTGTTATAGTACTTGTGATTCTTGTCTCGGTTTCAA
CCTTGTCGTGGCGGCTCATGTCGGTCTTACAACCTACCGACCCTTCTGGGACGACG
CACACGCTACGTTCTATGGCGACATTAACGGTGGAGAAACCATGCGTTAGTGTTT
TTGTTATTATAATGTCTTTTTGTGTGTTTTTGTTTTTTGCCTTCTACAAGATTTTGA
TTATTAGTTTCTTACAAGTAATACTTTTTATATGCTTAAATTTTCATAGTTTTAGTTA

ATTATGTGAAATTATAAAAATATTTAACTTAAGGATGGATGGTACGGTTTTTTTTGTT
TGGTTTCGGTTTGATAATTTTTGCCTTAAGATTATTAATGTCTTCAAGTATGTAATA
CTTTTTGAAAGCTTAAATTTAGTATTTTAGTTAAATATGTGGAATTATAAAAATAT
TTAATTTAGGGATGGAGCGTACGGTTTTTTGGTTTGGTTTCGGTTCGATATTTTTG
TCTTCTAAAGATTTTTGATTATTAGTGTTTTACAAATAATACTTTTTATAGGCTCA
AATTTAGTATTTTTAGTTAAATATGTAGAATTAATAAATAAATTTACGGGTGGTTG
TACGGTTTTTTTTGGTATTTTTTACGGTTTGGTTTTTTTCGATTTACGGTTTATGTTTA
CGACAATTAACCATATAGAAATCACTTATATTTAGGTTTTGGTTCTACGCTTGA
ATAAATTATATTGTAACATAAATGATAAAAGTGTTTTATAGTTCTAAACCTCACATG
AGTAATTAATTATTGTAATAAATGGTTATAGATTTATTCATTCCATAAGGTTTATTAT
AAGTAACAAAATCATTCCAGTCACAATAAATTAAATTACATGTTTATCATCTAGTT
ACAATATTATATACAACAATTTTTTATATGCTCATGTATCTATTTTTTTTTAATTG
TATATTATTTTGGTGTGACAGAAGGAGCATGTGGTTACGGCGACTTATTCAAAGA
AGGTTACGGCTTAGAGACCGCAGCACTAAGCACAGCACTATTCAACAACGGCAA
GACTTGTGGTGCATGTTTCGAACTAATGTGTGTGAACTCACAAATATTGCAAACCT
AACGCTGGTACAATCAGAATCACAGCTACTAACTTCTGCCACCAAACCTACAACG
AACCTGTTCCAGTACCATTGGTGCAACCCTCCTAACAAACACTTCGACTTATCGAT
GAAAATGTTCTTTTCGTTCCCGAGTATAGAGGAGGGATAGTTCCAGTGAAGTTC
AGGAGAGTAATGTGTCATAAGAGAGGTGGTGTGAGGTTTGAGATTAAGGGTAAT
CCTTATTTTATCATGGTTTTTGGTGTATAACGTTGGTGGTGCAGGAGATGTTACTAA
CGTTGAGATTAGAGGTGATAAGAGTAATTGGATTGGTATGAGTAGGAATTGGGG
ACAAATTTGGAATGCTGGTTTCGGATTTGGTTGGACAAAAGCTCTCGTTTGTGTTA
GGACAAGTGATGGTAAGAGCTTGACGTTCTTTAATGTTGCACCAGAGAATTGGGG
GTTTGGTCAAACCTTATGAAGGAACACTCAATTTTTAG